

3月21日(土) 9:30 ~ 12:00 K会場

ストリゴラクトン：新ホルモンとしての発見と根圏での機能

オーガナイザー 山口信次郎 (理研・PSC)
経塚 淳子 (東大院・農)

●座長：山口信次郎

09:30 S01-1 イネの分枝とストリゴラクトン
経塚淳子¹, 有手友嗣¹, 石川伸二¹, 大島健司¹, 山口信次郎²
(¹東大・農学生命科学, ²理研・植物科学センター)

●座長：経塚淳子

09:55 S01-2 ストリゴラクトン：シュートの枝分かれを制御する新しいホルモン
梅原三貴久¹, 花田篤志¹, 吉田聡子¹, 秋山康紀², 有手友嗣³, 武田(神谷)紀子¹,
真籠洋¹, 神谷勇治¹, 白須賢¹, 米山弘一⁴, 経塚淳子³, 山口信次郎¹
(¹理研・PSC, ²大阪府立大院・生命環境, ³東大院・農, ⁴宇都宮大・WSC)

10:20 S01-3 ストリゴラクトンは光受容から HY5 転写因子の分解を伝達するケミカルシグナルである
土屋雄一郎^{1,2}, Danielle Vidaurre², 南原英司^{1,2}, 神谷勇治¹, Peter McCourt²
(¹理研・PSC, ²トロント大・CSB)

10:45 S01-4 ストリゴラクトンのアーバスキュラー菌根菌に対する菌糸分岐誘導における構造要求性
秋山康紀 (大阪府立大学大学院生命環境科学研究科)

●座長：秋山康紀

11:10 S01-5 根寄生植物の宿主認識とストリゴラクトンの構造多様性
米山弘一, 謝肖男, 米山香織, 竹内安智 (宇都宮大・雑草研)

11:35 S01-6 寄生植物ストライガ感染機構の分子生物学的解析基盤の構築
吉田聡子, 白須賢 (理研・PSC)

3月21日(土) 9:30 ~ 12:00 L会場

植物内の金属を観る—放射光蛍光X線分析法の進歩—

オーガナイザー 高橋美智子 (宇都宮大・農)

●座長：原田英美子

09:30 S02-1 生殖成長期および種子成熟期における金属元素動態の解明
高橋美智子¹, 北島信行², 福田直樹³, 長坂征治⁴, 保倉明子⁵, 寺田靖子⁶, 中井泉³,
西澤直子⁴
(¹宇都宮大・農, ²(株)フジタ, ³東理大・理, ⁴東京大・農, ⁵早大・高等研, ⁶(財)
高輝度光科学研究センター)

09:55 S02-2 重金属高集積植物体内の元素動態の追跡
北島信行¹, 保倉明子², 寺田靖子³, 中井泉⁴ (¹(株)フジタ, ²早大・高等研, ³(財)
高輝度光科学研究センター, ⁴東理大・理)

10:20 S02-3 根組織中のカドミウム分布と作物地上部へのカドミウム移行の品種間差異の関係
山口紀子¹, 森伸介¹, 馬場浩司¹, 箭田佐依子¹, 荒尾知人¹, 北島信行², 保倉明子³,
中井泉⁴, 寺田靖子⁵
(¹農業環境技術研究所, ²(株)フジタ, ³早大・高等研, ⁴東理大・理, ⁵(財)高輝度光
科学研究センター)

●座長：高橋美智子

10:45 S02-4 放射光蛍光X線分析を用いた重金属蓄積植物におけるカドミウム蓄積機構の解明
保倉明子¹, 中井泉² (¹早大・高等研, ²東理大・理)

11:10 S02-5 放射光と分子生物学でタバコの重金属ストレス応答機構を解明する
原田英美子 (京都大・生存研)

11:35 S02-6 SPring-8における走査型X線顕微鏡の現状
寺田靖子 ((財)高輝度光科学研究センター)

3月21日(土) 13:30～18:00 K会場

オーキシン研究の新展開—新たな研究技法が拓く最前線—

オーガナイザー 酒井 達也 (理研・PSC)
綿引 雅昭 (北大院・理)
深城 英弘 (神戸大院・理)

13:30 はじめに 酒井達也

セッション1：オーキシン研究を促進する技法

●座長：酒井達也

13:35 S03-1 発光レポーターを使った可視化技術で見るオーキシン応答
綿引雅昭, 山本興太郎 (北大院・理)

14:00 S03-2 新しい TIRI/AFB オーキシン受容体拮抗薬の開発
林謙一郎, 野崎浩 (岡山理大・理・生物化学)

14:25 S03-3 オーキシン定量技術—理研ホルモノーム研究の紹介—
軸丸裕介¹, 松崎潤², 花田篤志¹, 杉山真樹¹, 笠原博幸¹, 瀬尾光範¹, 山口信次郎¹,
山本興太郎², 神谷勇治¹ (¹理研・PSC, ²北大院・理・生命理学)

14:50 休憩 (5分間)

セッション2：オーキシン生合成・代謝・輸送の研究

●座長：深城英弘

14:55 S03-4 トウモロコシ幼葉鞘先端部における IAA 生合成と下方への偏差的輸送による重力屈曲
西村岳志, 小柴共一 (首都大・理工・生命)

15:20 S03-5 オーキシン生合成中間体の LC-ESI-MS/MS による分析法の確立
笠原博幸¹, 菅原聡子^{1,2}, 小柴共一², 神谷勇治¹ (¹理研・PSC, ²首都大院・理工)

15:40 S03-6 光環境応答におけるオーキシン輸送調節
酒井達也 (理研・PSC)

16:00 休憩 (5分間)

セッション3：オーキシン作用機構の研究

●座長：綿引雅昭

16:05 S03-7 側根形成を制御するオーキシシンシグナリング
深城英弘 (神戸大院・理)

16:30 S03-8 オーキシンによる細胞分裂周期と核内倍加周期の制御機構
石田喬志, 杉本慶子 (理研・PSC)

16:50 S03-9 PCIB (アンチオーキシン) 抵抗性突然変異体の分子遺伝学的解析
大野豊 (原子力機構・遺伝子資源)

17:10 おわりに・総合討論 綿引雅昭

3月21日(土) 13:30～17:15 L会場

植物における構造生物学の最先端～多様な代謝・情報伝達の構造的基盤～

オーガナイザー 藤田 祐一 (名大院・生命農, JST さきがけ)
成川 礼 (東大院・総合文化)

13:30 はじめに 成川 礼

●座長：成川 礼

13:35 S04-1 イソペンテニルトランスフェラーゼの構造解析～サイトカイニン生合成の構造的基盤～
榊原均¹, 菅原肇^{1,2}, 上田七重¹ (¹理研・PSC, ²現：アスピオファーマ)

14:05 S04-2 ニトロゲナーゼ類似型プロトクロロフィリド還元酵素の構造解析～新規構造に潜む共通の構造基盤～
栗栖源嗣¹, 村木則文¹, 野亦次郎², 志波智生¹, 藤田祐一^{2,3}
(¹東大院・総合文化, ²名大院・生命農, ³JST さきがけ)

14:35 S04-3 [Fe]-ヒドロゲナーゼ (Hmd) の構造解析～鉄活性中心の機能と進化～
嶋盛吾 (マックスプランク 陸生微生物学研究所)

15:05 S04-4 鉄硫黄クラスターの生合成を担うタンパク質複合体の構造とダイナミズム
高橋康弘¹, 和田啓², 下村喜充², 福山恵一² (¹埼玉大・院理工, ²大阪大・院理)

●座長：藤田祐一

15:35 S04-5 DNA フォトリアーゼの構造—機能相関～電子移動反応の解析～
倭剛久^{1,2}, 西岡宏任³, 由良敬⁴
(¹名大・理, ²CREST-JST, ³名城大・総合学術, ⁴お茶大・人間文化創生科学)

16:05 S04-6 新規光受容体群シアノバクテリオクロムの構造—機能相関
成川礼 (東大・院・総合文化)

16:35 S04-7 BLUF と AnPixJ の構造と機能相関：青色，緑—赤色センサーの反応機構
伊藤繁¹, 福島佳優¹, 青木俊¹, 成川礼², 岡島公司^{2,3}, 池内昌彦²
(¹名古屋大・理, ²東大院・総合文化, ³大阪府大院・理)

17:05 おわりに 藤田祐一

3月21日(土) 13:30～18:00 M会場

解き明かされるアクアポリンのさまざまな細胞生理機能と分子機構

オーガナイザー 且原 真木 (岡山大・資生研)
前島 正義 (名大院・生命農)

13:30 はじめに 且原真木

●座長：前島正義

13:40 S05-1 オオムギアクアポリンの機能と塩ストレス応答
堀江智明, 金子智之, 杉本元気, 柴坂三根夫, 且原真木 (岡大資生研)

14:15 S05-2 微生物アクアポリンの特徴
北川良親 (秋田県大・生物資源)

14:50 S05-3 イネアクアポリンの環境ストレス下における機能
桜井淳子¹, 村井麻理¹, Arifa Ahamed¹, 林秀洋¹, 福士敬子¹, 桑形恒男²
(¹東北農研センター, ²農環研)

15:25 休憩 (20分間)

●座長：且原真木

15:45 S05-4 花と果実におけるアクアポリンの発現・調節と機能
白武勝裕¹, 水野祐輔¹, 宮下嘉代子¹, 森智治¹, 榊原郁恵¹, 中川喜夫¹, 安田拓史¹,
後藤陽加¹, 小八重善裕¹, 且原真木², 篠野静香², 山木昭平¹
(¹名古屋大院・生命農, ²岡山大・資生研)

16:20 S05-5 亜ヒ酸の輸送と耐性に関与するアクアポリン, NIP1;1
神谷岳洋¹, 田中真幸¹, 三谷奈見季², 馬建鋒², 前島正義³, 藤原徹^{1,4}
(¹東大・生物セ, ²岡山大・資生研, ³名大院・生命農, ⁴SORST, JST)

16:55 S05-6 アブラナ科植物の受粉過程において機能するアクアポリンの探索
岩野恵, 杉村真理, 磯貝彰, 高山誠司 (奈良先端大・バイオ)

17:30 おわりに 前島正義

3月22日(日) 9:00～12:00 K会場

植物の発生・細胞分化におけるキーププロセス

オーガナイザー 相田 光宏 (奈良先端大・バイオ)
梅田 正明 (奈良先端大・バイオ)

09:00 はじめに 相田光宏

●座長：相田光宏

09:05 S06-1 細胞周期制御系とクロストークする情報伝達機構
安達澄子¹, 遠藤真咲², 土岐精一², 梅田正明¹
(¹奈良先端大・バイオ, ²農業生物資源研究所)

09:30 S06-2 オーキシンを介した器官形成機構
古谷将彦, 田坂昌生 (奈良先端大・バイオ)

09:55 S06-3 多能性幹細胞形成・維持・抑制・転換の共通性と多様性
長谷部光泰^{1,2,3} (¹基生研, ²総研大, ³科技構)

●座長：梅田正明

10:20 S06-4 分裂組織と器官形成～器官境界部の観点から
相田光宏 (奈良先端大・バイオ)

10:45 S06-5 分泌ペプチドによる表皮細胞の密度と配置の制御
柿本辰男¹, 横尾俊哉¹, 原健太², 大西毅明⁴, 梶田良子³
(¹阪大・理, ²愛光高校, ³ニデック, ⁴農協)

11:10 S06-6 ペプチドを介した篩部と木部のクロストーク
福田裕穂 (東大・院理)

11:35 おわりに 梅田正明

3月22日(日) 9:00～12:00 L会場

神秘の生理活性物質ポリアミンの植物におけるはたらき

オーガナイザー 草野 友延 (東北大・生命)
高橋 卓 (岡山大・理)

09:00		はじめに	草野友延
●座長：草野友延			
09:15	S07-1	シロイヌナズナの茎の伸長におけるサーモスペルミンの作用機構 高橋卓, 河野恵理, 懸樋潤一, 桑城克隆 (岡山大・院・自然科学)	
09:45	S07-2	花粉の発育と発芽におけるポリアミンの役割 橋昌司 ¹ , 宋建軍 ² (¹ 東京農大・農, ² 河北科技大・生物科学)	
10:15	S07-3	シロイヌナズナにおけるポリアミン輸送関連タンパク質の機能解析 浦野薫 ¹ , 明賀史純 ¹ , 庄野由里子 ² , 永田典子 ² , 篠崎一雄 ¹ (¹ 理研・PSC, ² 日本女子大・院・理)	
●座長：高橋 卓			
10:45	S07-4	植物におけるポリアミン代謝経路とペルオキシソームの役割 信定(鎌田)知江 ^{1,2} , 林誠 ¹ , 榊原均 ² , 西村幹夫 ¹ (¹ 基生研・細胞生物, ² 理研・植物科学)	
11:15	S07-5	植物の生体防御におけるポリアミンの役割 高橋芳弘, 草野友延 (東北大院・生命科学)	
11:45		総合討論・おわりに	高橋 卓

3月22日(日) 9:00～12:00 M会場

植物をシステムとして捉える：植物らしさとは何か？

オーガナイザー 平山 隆志 (理研・基幹研)
溝口 剛 (筑波大・生命環境)

09:00 はじめに 平山隆志

●座長：溝口 剛

09:05 S08-1 植物の環境応答機構と細胞機能
平山隆志 (理研・基幹研)

09:20 S08-2 外的ストレス応答解析から見えてくる植物ホルモンシグナルのネットワーク
仲下英雄 (理研・基幹研)

09:45 S08-3 システム生物学を目指した植物代謝研究
平井優美 (理研・植物科学研究センター, JST・CREST)

●座長：平山隆志

10:10 S08-4 概日時計による形態制御ネットワークにおけるハブ蛋白質存在の可能性とその役割
溝口剛 (筑波大・遺伝子センター)

10:35 S08-5 概日時計の同期現象と時空間パターン
福田弘和 (大阪府大・生命環境)

11:00 S08-6 葉の発生における細胞と器官の関係：統合システムの正体は何か？
塚谷裕一^{1,2} (¹東大・院・理, ²基生研)

11:25 S08-7 ネットワーク生成モデルと生物のかたちづくり
村田智 (東工大・総合理工)

11:50 おわりに 溝口 剛

3月23日(月) 9:00 ~ 12:00 K会場

植物科学におけるタイリングアレイと次世代シーケンサーの利用

オーガナイザー 関 原明 (理研・PSC)
長谷部光泰 (基生研)

09:00 はじめに 関 原明

●座長：関 原明

09:05 S09-1 陸上植物における分化細胞と幹細胞間でのクロマチン修飾の違い
倉田哲也¹, 西山智明^{1,2}, 宮脇香織¹, 程朝陽¹, 岩田美根子¹, 大島真澄¹, 長谷部光泰^{1,3,4}
(¹JST・ERATO, ²金沢大・学際・ゲノム, ³基生研・生物進化, ⁴総研大・生命科学)

09:35 S09-2 次世代シーケンサによるイネの近縁品種間におけるゲノムワイドな SNP 検出とその利用
矢野昌裕, 長崎英樹, 江花薫子, 中嶋舞子, 米丸淳一, 山本敏央 (生物研)

●座長：長谷部光泰

10:05 S09-3 タイリングアレイを用いた植物の環境応答に関する全ゲノムトランスクリプトーム解析
関原明^{1,5}, 松井章浩¹, 栗原志夫¹, 金鍾明¹, 岡本昌憲¹, 石田順子¹, 諸澤妙子¹,
藤泰子¹, 中南健太郎¹, 川嶋真貴子¹, 田中真帆¹, 南原英司², 神沼英里³, 遠藤高帆³,
望月芳樹³, 小林紀郎³, 花田耕介⁴, 川口修治³, 豊田哲郎³, 篠崎一雄⁴
(¹理研PSC・植物ゲノム発現, ²トロント大・細胞システム生物, ³理研BASE,
⁴理研PSC・機能開発, ⁵横浜市立大・木原生研)

10:35 S09-4 シロイヌナズナゲノムタイリングアレイを用いたメチローム・トランスクリプトーム統合解析
柴博史¹, 矢崎潤史², 磯貝彰¹, Ecker Joseph², 高山誠司¹
(¹奈良先端大・バイオサイエンス, ²ソーク生物学研究所)

11:05 S09-5 ゲノムタイリングアレイが拓くヘテロクロマチンサイレンシングの新局面
土生芳樹 (生物研・植物科学)

11:30 S09-6 シロイヌナズナのオミックス統合データベース
豊田哲郎, 神沼英里 (理研・生命情報)

11:55 おわりに 長谷部光泰

3月23日(月) 9:00～12:00 L会場

ミヤコグサ・根粒菌共生研究の新展開

オーガナイザー 川口正代司(東大院・理)
佐伯和彦(奈良女子大・理)

09:00 はじめに 川口正代司

●座長：川口正代司

09:05 S10-1 STMライブラリーを用いたミヤコグサ根粒菌遺伝子群の解析
佐藤修正¹, 下田宜司^{1,2}, 中務弘基¹, 田畑哲之¹ (¹かずさDNA研, ²農業生物資源研)

09:25 S10-2 ゲノミクス技法・情報に基づく根粒菌側共生遺伝子の同定
佐伯和彦¹, 石田英里子¹, 三島絵里奈^{1,2}, 東未来¹, 岡部沙織¹, 佐藤修正³,
田畑哲之³, 岡崎伸¹ (¹奈良女子大・理, ²阪大・院・理, ³かずさDNA研)

09:45 S10-3 ミヤコグサ・根粒菌共生系におけるエチレンおよびフラボノイドの役割について
青木俊夫¹, 貫井憲之², 綾部真一¹ (¹日本大・生物資源, ²(株)ジナリス)

10:05 S10-4 共生菌の感染を受け入れる～共通シグナル伝達経路による「感染受容化」
今泉(安楽)温子, 馬場真里, 林晃之, 下田宜司(生物研)

●座長：佐伯和彦

10:25 S10-5 感染糸形成の分子遺伝学
林誠(生物研)

10:45 S10-6 共生系における一酸化窒素発生とクラス1ヘモグロビンの役割
内海俊樹¹, 下田宜司², 下田(笹倉)美裕子³, 永田真紀³, 村上英一³, 橋本雅仁³,
九町健一¹, 鈴木章弘⁴, 東四郎¹, 阿部美紀子¹
(¹鹿児島大・理, ²生物資源研, ³鹿児島大院・理工, ⁴佐賀大・農)

11:05 S10-7 共生窒素固定に必須の宿主因子
箱山雅生¹, 河内宏¹, 菅沼教生² (¹生物研, ²愛知教育大)

11:25 S10-8 根粒形成をシステミックに抑制する2つの誘導性CLE遺伝子
岡本暁¹, 大西恵梨香¹, 佐藤修正², 高橋宏和³, 中園幹生³, 田畑哲之², 川口正代司¹
(¹東大院・理, ²かずさDNA研, ³東大院・農)

11:45 総合討論 佐伯和彦

3月23日(月) 9:00 ~ 12:00 M会場

地球環境を紡ぐ好冷性生物の光合成—知られざる寒冷域の光合成—

オーガナイザー 菓子野康浩 (兵庫県立大・理)
高橋裕一郎 (岡山大・理)

09:00		はじめに	菓子野康浩
●座長：高橋裕一郎			
09:05	S11-1	リモートセンシングで探る極域海洋における光合成の全体像 平譯享 (北大・院・水産)	
09:30	S11-2	アイスアルジーの光環境変化に応じた光合成機能調節 菓子野康浩, 藍川晋平, 佐藤和彦 (兵庫県立大・理)	
09:50	S11-3	南極の湖底に広がる森の謎—知られざるその光環境と光生理学的応答からのアプローチ— 田邊優貴子 ¹ , 工藤栄 ^{1,2} (¹ 総研大・極域科学, ² 極地研)	
●座長：菓子野康浩			
10:15	S11-4	月山の黄色雪から単離した <i>Ochromonas smithii</i> と <i>O. itoi</i> の形態学的, 生理学的特徴とそれらの系統上の位置について 原慶明 ¹ , 設楽智文 ² (¹ 山形大・理, ² 山形大・院・理工)	
10:40	S11-5	高緯度北極における非維管束植物の光合成生産におよぼす温度の影響 内田雅己 ¹ , 吉竹晋平 ² , 神田啓史 ¹ , 中坪孝之 ³ (¹ 極地研, ² 早稲田大, ³ 広島大)	
11:05	S11-6	北極圏スピッツベルゲン島ニーオルスンにおける高等植物の光合成特性 村岡裕由 ¹ , 野田響 ¹ , 内田雅己 ² (¹ 岐阜大・流域圏センター, ² 国立極地研)	
11:30	S11-7	海水藻類の光合成と炭酸固定酵素の特徴 鈴木祥弘, 谷澤亜衣, 肥前阿野音 (神奈川大学・理)	
11:55		総合討論・おわりに	菓子野康浩

3月24日(火) 9:00 ~ 12:00 K会場

植物の視覚, 赤色光および青色光を視るしくみ研究の最前線

オーガナイザー 徳富 哲 (大阪府大院・理)
松下 智直 (九大院・農)

09:00 はじめに 徳富 哲

赤い光を視る

●座長: 酒井達也

09:05 S12-1 フィトクロム分子種間の機能分化とその構造的基盤
長谷あきら, 小野裕也, 岡義人, 望月伸悦 (京大院・理)

●座長: 長谷あきら

09:35 S12-2 フィトクロムの分子構造と光シグナル伝達機構
松下智直 (九大院・農)

青い光を視る

●座長: 松下智直

10:00 S12-3 フォトトロピンの光受容ドメインの分子構造, 光反応, キナーゼ活性化光制御
徳富哲¹, 直原一徳¹, 岡島公司¹, 桂ひとみ¹, 吉原静恵¹, 中迫雅由²
(¹大阪府立大学・院理, ²慶応大学・理工)

●座長: 徳富 哲

10:30 S12-4 光による気孔開口制御の分子機構
島崎研一郎¹, 武宮淳史¹, 井上晋一郎¹, 土井道生²
(¹九州大・理, ²九州大・高教センター)

●座長: 島崎研一郎

10:55 S12-5 葉緑体光定位運動におけるフォトトロピンによるアクチン繊維の制御
末次憲之, 和田正三 (九州大・院理)

赤い光と青い光を同時に視る

●座長: 末次憲之

11:20 S12-6 光屈性における光センシングのクロストーク
酒井達也, 槌田(間山)智子, 永島明知, 上原由紀子 (理研・PSC)

11:50 総合討論 松下智直

3月24日(火) 9:00～12:00 L会場

表現型と遺伝子型の接点を探る RNA 研究

オーガナイザー 渡辺雄一郎 (東大院・総合文化)
内藤 哲 (北大院・先端生命)

09:00 はじめに 渡辺雄一郎

●座長：渡辺雄一郎

09:05 S13-1 小分子RNA からみえてくる植物ゲノムとゲノム寄生因子の攻防
佐藤豊, 野坂実鈴 (名大院・生命農学)

09:30 S13-2 植物の発生における snRNA 転写のダイナミズム～シロイヌナズナ *SRD2* 遺伝子の解析を通して～
大谷美沙都¹, 杉山宗隆² (¹理研PSC, ²東大・院・理・植物園)

●座長：内藤 哲

09:55 S13-3 mRNA発現プロファイリングおよびネットワーク解析を基盤とした機能ゲノミクス
佐藤昌直^{1,2}, Lisa Lenarz-Wyatt¹, Charles Hernick¹, Jane Glazebrook¹, 渡辺雄一郎²,
片桐文章¹ (¹Dept. of Plant Biology, University of Minnesota, ²東大院・総合文化)

10:20 S13-4 ASYMMETRIC LEAVES1 (AS1) と AS2 による葉の形成と microRNA の制御
上野宜久¹, 杉山将宏¹, 川端真一¹, 町田千代子², 町田泰則¹
(¹名大・院・理, ²中部大)

10:45 S13-5 小分子RNA の発現制御に関わる核内因子と細胞質因子
田上優子, 深谷雄志, 本瀬宏康, 渡辺雄一郎 (東大院・総合文化)

●座長：渡辺雄一郎

11:10 S13-6 新生ペプチドによる翻訳伸長の停止と共役した mRNA 分解
原口雄飛², 室田勝功¹, 尾上典之¹, 長谷川傑¹, 川崎大輔¹, 小松陽平¹, 永見陽子²,
門倉嘉知¹, 平田健¹, 中嶋一恵², 中本真理², 尾之内均^{2,3}, 内藤哲^{1,2}
(¹北大・院生命, ²北大・院農, ³CREST)

11:35 おわりに 総合討論 内藤 哲

3月24日(火) 9:00～12:00 M会場

植物科学のフロンティアを切り開く次世代モデル植物

オーガナイザー 星野 敦 (基生研)
小山 時隆 (京都大・理・植物)

09:00 はじめに 星野 敦

●座長：星野 敦

09:05 S14-1 生物の基本原則を分子生物学的に解く為にシズンはある
田中寛¹, 黒岩常祥² (¹千葉大・園芸, ²立教大・極限生命情報センター)

09:30 S14-2 ゼニゴケ～温故知新
河内孝之 (京都大・生命科学)

09:55 S14-3 ウキクサを使いたくなる 10 の理由
小山時隆 (京都大・理・植物)

10:20 S14-4 マイクロトムを基盤とした R&D のためのトマトバイオリソース
江面浩¹, 浅水恵理香¹, 齊藤岳士¹, 溝口剛¹, 福田直也¹, 松倉千昭¹, 青木考²
(¹筑波大・院・生命環境科学, ²かずさ DNA 研究所)

●座長：小山時隆

10:45 S14-5 研究から教育まで幅広く利用できる植物リソース「ミヤコグサ」
明石良 (宮崎大・フロンティア)

11:10 S14-6 トランスポゾンが生み出した多様なアサガオの変異体
仁田坂英二¹, 星野敦², 飯田滋² (¹九大・院理, ²基生研)

11:35 S14-7 樹木のバイオリソース
篠原健司¹, 楠城時彦¹, 二村典宏¹, 櫻井哲也², 関原明², 篠崎一雄²
(¹森林総研, ²理研PSC)

おわりに

小山時隆

3月22日(日) 15:30～18:00 経済学部講堂

日本植物生理学会授賞式
学会賞・功績賞・名誉会員記・奨励賞・PCP論文賞・フェローシップ

15:30 選考経過報告および賞状授与 各選考委員会委員長, 会長
名誉会員: 下記の功績賞受賞者3名および Bob. B. Buchanan (カリフォルニア大学バークレー校)

15:50 日本植物生理学会若手海外共同研究フェローシップ 賞状授与 会長
第4回「温度依存性のシダ葉緑体定位運動に関する研究」
児玉 豊 (基礎生物学研究所・研究員)
第5回「シロイヌナズナのMP依存的原根層特異化におけるエピジェネティック制御の解析」
西駕俊祐 (東京大学理学系研究科・研究生)

日本植物生理学会賞・受賞講演

16:00 A01 日本植物生理学会賞
「環境ストレス応答と耐性獲得に関わる遺伝子発現制御ネットワークの解明」
篠崎一雄 (理化学研究所植物科学研究センター)
篠崎(山口)和子 (東京大学農学生命科学研究科)

16:30 日本植物生理学会功績賞
浅田浩二 (京都大学名誉教授)
今関英雅 (名古屋大学名誉教授)
駒嶺 穆 (東北大学名誉教授)

17:00 A02 日本植物生理学会奨励賞「光に応答した植物の成長パターン制御機構の分子遺伝学的解析」
酒井達也 (理化学研究所植物科学研究センター)

17:20 A03 日本植物生理学会奨励賞「新規青色光受容体の同定と機能の解析」
増田真二 (東京工業大学生命理工学研究科)

17:40 A04 PCP論文賞
田中良和 (サントリー株式会社植物科学研究所)
Yukihisa Katsumoto, Masako Fukuchi-Mizutani, Yuko Fukui, Filippa Brugliera, Timothy A. Holton, Mirko Karan, Noriko Nakamura, Keiko Yonekura-Sakakibara, Junichi Togami, Alix Pigeaire, Guo-Qing Tao, Narender S. Nehra, Chin-Yi Lu, Barry K. Dyson, Shinzo Tsuda, Toshihiko Ashikari, Takaaki Kusumi, John G. Mason, and Yoshikazu Tanaka (2007) Engineering of the Rose Flavonoid Biosynthetic Pathway Successfully Generated Blue-Hued Flowers Accumulating Delphinidin (*Plant Cell Physiol.* 48(11): 1589–1600.)

日本植物生理学会創立 50 周年記念事業

3月23日（月） 13:30～17:00 名古屋大学豊田講堂

*受付にて記念品をお渡しします

13:30～14:00

日本植物生理学会創立50周年記念式典

14:00～17:00

日本植物生理学会創立50周年記念国際シンポジウム（Darwin 200, 日本生物学年協賛企画）



日本植物生理学会創立50周年記念式典

開 会	進行	前島正義
会長挨拶		中村研三
Plant and Cell Physiology 編集長挨拶		松岡 信
元会長挨拶		浅田浩二
海外来賓挨拶	Bob B. Buchanan:	University of California, Berkeley
祝電等披露		
閉 会		

Premium International Symposium
“Perspectives of Plant Science in the 21st Century”
To Celebrate the 50th Anniversary of JSP

- 14:00 Opening address **Mikio Nishimura**
- 14:05 Lecture 1 (Chairperson, Ichiro Terashima)
Eva-Mari Aro (University of Turku, Finland)
“Photosystem II – An Engine of Life”
- 14:40 Lecture 2 (Chairperson, Hiroo Fukuda)
Makoto Matsuoka (Nagoya University, Japan)
“Molecular Basis of Gibberellin Perception by Its Receptor *GID1*”
- 15:15 Lecture 3 (Chairperson, Kiyotaka Okada)
Jiayang Li (Institute of Genetics and Developmental Biology, China)
“MKK7-Mediated Signaling Pathways in *Arabidopsis*”
- 15:50 Lecture 4 (Chairperson, Kenzo Nakamura)
Ikuko Hara-Nishimura (Kyoto University, Japan)
“Plant Defense Strategies Using Vacuoles and Endomembranes”
- 16:25 Lecture 5 (Chairperson, Yasunori Machida)
Nam-Hai Chua (The Rockefeller University, USA)
“Beta-C1, the Pathogenicity Factor of TYLCCNV, Interacts with AS1 to Alter Leaf Development and Suppress Selective Jasmonic Acid Responses”
- 17:00 Closing address **Kazuo Shinozaki**
-

Organizing Committee
Mikio Nishimura, Kenzo Nakamura, Kazuo Shinozaki, Kiyotaka Okada,
Hiroo Fukuda, Ichiro Terashima, Makoto Matsuoka, Yasunori Machida

一般講演（口頭）プログラム

著者が9名以上の講演は、紙面の都合上9番目以下の著者を省略させていただきます。全著者名は要旨集の要旨を参照して下さい。

● 第 1 日 3 月 21 日 (土) 午前

時 間	A 会場	B 会場	C 会場	D 会場	E 会場
	栄養器官の発生・分化 1	種子形成, 休眠, 発芽	細胞骨格	オルガネラ 1	光化学系 I
9:30	1aA01 突然変異体を用いた単面葉発生機構の遺伝学的解析 山口貴大 ¹ , 塚谷裕一 ^{1,2} (1基生研, 2東大・院・理)	1aB01 イネ短粒変異体 <i>srs1</i> の変異原因遺伝子の同定 安部優樹 ¹ , 三枝景子 ¹ , 松岡裕美 ¹ , 隠岐勝幸 ¹ , 藤澤由紀子 ¹ , 北野英巳 ² , 岩崎行玄 ¹ (1福井県大・生物資源, 2名大・生物機能開発利用センター)	1aC01 細胞形態と紡錘体伸長の関係 シロイヌナズナの根端を用いた解析 林朋美 ¹ , 米田新 ² , 松井南 ² , 朽名夏磨 ^{1,2} , 佐野俊夫 ^{1,2} , 馳澤盛一郎 ^{1,2} (1東京大・院・新領域, 2理研・PSC, 3JST-BIRD)	1aD01 シロイヌナズナペロオキシソーム形成突然変異体 <i>apm3</i> ではペロオキシソームの分裂が抑制されている 真野昌二 ^{1,2} , 中森ちひろ ¹ , 近藤真紀 ¹ , 西村幹夫 ^{1,2} (1基生研・細胞生物, 2総合研究大学院大・生命科学)	1aE01 Ycf4 複合体は光化学系 I 複合体の分子集合のスキヤフォールドである 小澤真一郎, 高橋裕一郎 (岡山大・院・自然科学研究科)
9:45	1aA02 種々のリボソーム関連変異株が <i>as1/as2</i> の背腹性異常に及ぼす効果の解析 堀口吾朗 ¹ , Jose Luis Micol ¹ , Maria Rosa Ponce ¹ , 塚谷裕一 ^{2,3} (1立教大・理, 2東大・院・理, 3基生研, 4Univ. Miguel Hernandez de Elche)	1aB02 イネ短粒変異体 <i>srs3</i> の変異原因遺伝子の同定 北川佳名子 ¹ , 栗波滋 ¹ , 隠岐勝幸 ¹ , 真田直美 ¹ , 藤澤由紀子 ¹ , 北野英巳 ² , 岩崎行玄 ¹ (1福井県立大・生物資源, 2名大・生物機能開発利用センター)	1aC02 シロイヌナズナの気孔開口運動におけるアクチン繊維の役割 松垣匠 ¹ , 朽名夏磨 ^{1,2} , 佐野俊夫 ^{1,2} , 近藤矩朗 ¹ , 馳澤盛一郎 ^{1,2} (1東京大・院・新領域, 2BIRD・JST, 3帝京科学大・院・理工)	1aD02 ペロオキシソームタンパク質輸送に関与するシロイヌナズナ <i>APM9</i> 遺伝子の解析 後藤志野 ^{1,2} , 真野昌二 ^{1,2} , 中森ちひろ ¹ , 西村幹夫 ^{1,2} (1基生研・細胞生物, 2総合研究大学院大・生命科学)	1aE02 緑藻クラミドモナスにおける9種の光化学系 I 集光性タンパクの配置の解析 大西岳人, 高橋裕一郎 (岡山大・院・自然科学)
10:00	1aA03 シロイヌナズナ葉原基での向背軸境界は背軸側特異的な miR165/166 の機能によって形成される 立松圭 ¹ , 渡辺恵郎 ² , 豊倉浩一 ² , 岡田清孝 ¹ (1基生研, 2京大・理)	1aB03 低温発芽性と初期成長に関わる遺伝子の単離とその機能解析 藤部貴宏 ¹ , 阿部陽 ² , 川上直人 ³ , 松村英生 ¹ , 寺内良平 ^{1,4} (1岩手大・COE, 2岩手農業研究センター, 3明治大・農学, 4岩手生物工学研究センター)	1aC03 植物細胞の微小管構造構築におけるアクチン繊維の役割 佐野俊夫 ^{1,2} , 馳澤盛一郎 ^{1,2} (1東京大・院・新領域, 2BIRD・JST)	1aD03 ペロオキシソーム局在異常変異体の成長解析 及川和隆 ¹ , 上田晴子 ² , 真野昌二 ¹ , 林誠 ¹ , 難波千宮子 ¹ , 近藤真紀 ¹ , 西村いくこ ¹ , 西村幹夫 ¹ (1基生研, 高次細胞, 2京大・理)	1aE03 緑藻クラミドモナスにおけるステート2において形成される PSI-LHCI/II 超分子複合体の生化学的解析 高橋拓子, 小澤真一郎, 高橋裕一郎 (岡山大・院・自然科学)
10:15	1aA04 莖頂分裂組織および向背軸に異常を示す変異体 <i>enfl</i> のトランスクリプトーム・メタボローム解析 豊倉浩一 ¹ , 草野都 ² , 渡辺恵郎 ¹ , 為重才覚 ^{1,2} , 立松圭 ¹ , 榎本竜二 ¹ , 松本任孝 ¹ , 斎藤和季 ¹ 他 (1京都大・理, 2理研, 3基生研)	1aB04 シロイヌナズナ種子発芽の温度反応性を攪乱する化合物の選抜 川上直人 ^{1,2} , Peter McCourt ² (1明大・農, 2トロント大・細胞システム生物)	1aC04 微小管プラス端結合タンパク質 EB1 を用いた表層微小管再構築機構の解析 堀持雅則 ¹ , 朽名夏磨 ^{1,2} , 佐野俊夫 ^{1,2} , 馳澤盛一郎 ^{1,2} (1東京大・院・新領域, 2BIRD・JST)	1aD04 高等植物における核膜複合体の動態解析 田村謙太郎 ¹ , 深尾陽一朗 ² , 岩本政明 ³ , 原口徳子 ³ , 西村いくこ ¹ (1京大院・理・植物, 2奈良先端大・植物ユニット, 3情報通信研究機構・未来 ICT 研究センター・バイオ ICT グループ)	1aE04 <i>Acaryochloris marina</i> の光化学系 I 型反応中心の極低温レーザ分光 青田俊道 (名古屋大・理)
10:30	1aA05 <i>ENF2</i> 遺伝子による <i>FIL</i> 遺伝子の発現制御機構の解析 為重才覚 ^{1,2} , 豊倉浩一 ¹ , 榎本竜二 ¹ , 岡田清孝 ² (1京大・理・植物, 2基生研)	1aB05 ダブル APETALA2 ドメイン転写因子をコードするシロイヌナズナ <i>CH01</i> 遺伝子は種子吸水過程におけるアブジシン酸を介したジベレリン代謝調節に関与する 矢野亮一 ¹ , 菅野裕理 ¹ , 軸丸裕介 ¹ , 神谷勇治 ¹ , 南原英司 ^{1,2} (1理研・PSC, 2トロント大)	1aC05 シロイヌナズナ生細胞における微小管形成のライブイメージング 中村匡良 ¹ , David W. Ehrhardt ² , 橋本隆 ¹ (1奈良先端大・バイオ, 2Carnegie Institution for Science, Stanford)	1aD05 小胞体の流動機構の解明〜ミオシンに着目して〜 上田晴子 ¹ , 横田悦雄 ² , 嶋田知生 ¹ , 新免輝男 ³ , 西村いくこ ¹ (1京大院・理, 2兵庫県大・生命理学)	1aE05 珪藻の光化学系 I アンテナコア超分子複合体上での超高速励起エネルギー移動 山岸篤史 ¹ , 池田洋平 ² , 小池裕幸 ² , 佐藤和彦 ¹ , 小村理行 ¹ , 柴田穰 ¹ , 伊藤繁 ¹ (1名大院・理・物質理学, 2兵庫県大院・理・生命理学)
10:45	1aA06 A role of ASYMMETRIC LEAVES2 protein in morphogenesis of leaves in Arabidopsis: The relationship between its nuclear localization and function Lilan Luo ¹ , Michiko Sasabe ¹ , Hidekazu Iwakawa ² , Sayuri Ando ² , Yoshinisa Ueno ³ , Chiyoko Machida ⁴ , Yasunori Machida ⁴ (1Div. of Bio. Sci., Grad. Sch. of Sci., 2Nagoya Univ., 3Plt. Bio. Res. Cent., 4Chubu Univ.)	1aB06 シロイヌナズナの ABA によって活性化される SnRK2 タイプのタンパク質リン酸化酵素 SRK2D、SRK2E、SRK2I の種子成熟・発芽過程での役割 中島一雄 ¹ , 藤田泰成 ¹ , 金森紀仁 ¹ , 片桐健 ² , 梅澤泰史 ² , 城所聡 ^{1,3} , 圓山恭之進 ¹ , 吉田拓也 ^{1,2} 他 (1国際農研・生物資源, 2理研・植物科学セ, 3東大院・農学生命科学)	1aC06 転写因子による細胞分化誘導系を用いた後生木部様二次細胞壁形成制御機構の解析 小田祥久 ¹ , 飯田有希 ¹ , 山口雅利 ¹ , 出村拓 ² , 福田裕穂 ¹ (1東京大・院・理・生物科学, 2理研・PSC)	1aD06 小胞体の形態と細胞内分布に異常を示す <i>endoplasmic reticulum morphology (ermo)</i> 変異体の解析 中野亮平 ¹ , 松島良 ² , 上田晴子 ¹ , 林八寿子 ³ , 田村謙太郎 ¹ , 嶋田知生 ¹ , 西村いくこ ¹ (1京大・院・理, 2岡山大・資源生物科学研, 3新潟大・理・自然環境科学学科)	1aE06 極低温での光化学系 I 反応中心の超高速エネルギー捕集過程の解析 柴田穰 ¹ , 山岸篤史 ¹ , 小村理行 ¹ , 伊藤繁 ¹ (名大院・理)

F会場	G会場	H会場	I会場	J会場	K会場	L会場	時 間
炭酸同化	ゲノム・EST	二次代謝 1	生体膜・イオン輸送	病虫害応答・傷害応答 1	シンポジウム 1 ストリゴラクトン…新ホルモンとしての発見と根圏での機能	シンポジウム 2 植物内の金属を観る―放射光蛍光X線分析法の進歩―	9:30
1aF01 グルタチオンによる二酸化炭素固定の律速 岩崎(葉田野)郁, 小川健一(岡山生物研)	1aG01 シアノバクテリアにおけるゲノムコアのモザイク構造 佐々木直文, 佐藤直樹(東京大・総文)	1aH01 セイタカアワダチソウFAD2様遺伝子の単離と発現解析 島居英人, 尾堂順一, 猪口雅彦(岡山理大・理・生物化学)	1aI01 シロイヌナズナにおける液胞膜マイクロドメインの解析 吉田勝久 ¹ , 大西美輪 ¹ , 深尾陽一 ² , 濱地康平 ¹ , 林文夫 ¹ , 深城英弘 ¹ , 前島正義 ¹ , 三村徹郎 ¹ (¹ 神戸大・理, ² 奈良先端大・バイオ, ³ 名古屋大・農)	1aJ01 被害リマメから放出される揮発性化合物が誘導する健全リマメのハダニ抵抗性誘導 杉本貢一 ^{1,2} , 松井健二 ¹ , 小澤理香 ² , 藏滿保宏 ¹ , 田中寿幸 ¹ , 中村和行 ¹ , Alexander Muck ³ , Jeannette Kley ³ 他(¹ 山口大・医, ² 京都大・生態センター, ³ Max Plank Institute for Chemical Ecology)			9:45
1aF02 葉緑体型アルドラーゼFBA1は、FBA2・FBA3とともにヘテロ四量体を形成する 山里明弘, 岩崎(葉田野)郁, 松本雅好, 小川健一(岡山生物研)	1aG02 次世代シーケンサーを用いたイネ培養細胞ソマクロナルバリエーションの解析 宮尾安藝雄 ¹ , 大沼貴子 ¹ , 高橋章 ² , 廣近洋彦 ¹ (¹ 生物研・基盤研究領域, ² 生物研・植物研究領域)	1aH02 イソフラボン特異的プレニル化酵素SjG6GT遺伝子の単離と機能解析 佐々木佳菜子 ¹ , 山本浩文 ² , 矢崎一史 ¹ (京大・生存研, ² 東洋大院・生命科)	1aI02 マイクロ流路を用いたラン藻の高浸透圧ストレスに対する適応機構のリアルタイム観察 四十九俊彰 ¹ , 飯塚龍 ² , 松本秀之 ² , 新井史人 ² , 魚住信之 ¹ (¹ 東北大院・工・バイオ工学, ² 東北大院・工・バイオリポテックス)	1aJ02 リマメの間接防御に及ぼすハダニ由来の微生物の影響 小澤理香 ¹ , 植田浩一 ^{1,2} , 松田一彦 ¹ , 高林純示 ¹ (¹ 京都大・生態研, ² 近畿大・農)			10:00
1aF03 イネRBCS multigene familyの器官別の発現の違いについて 中林香, 鈴木雄二, 吉澤隆一, 前忠彦, 牧野周(東北大院・農)	1aG03 シロイヌナズナにおけるshort open reading frame(sORF)の発現解析 樋口美栄子, 花田耕介, 近藤陽一, 堀井陽子, 川島美香, 松井南(理研・PSC)	1aH03 ニチニチソウ由来フラボノイド配糖体糖鎖伸長酵素CaUGT3の構造機能解析 政田さやか ¹ , 岡崎誠司 ² , 寺坂和祥 ¹ , 水島恒弘 ¹ , 水上元 ¹ (¹ 名市大院・薬, ² 名大・VBL)	1aI03 シャジクモ受容器電位の発生は細胞全体の内圧の上昇による 中村諒 ¹ , 菊山宗弘 ² (¹ 新潟大院・自然, ² 新潟大・理)	1aJ03 被食誘導遺伝子の発現制御に関与するシロイヌナズナcalcium-dependent protein kinaseの同定 Chidananda Naganangala Kanchiswamy ^{1,2,3} , 高橋宏隆 ⁴ , Massimo Maffei ⁵ , Wilhelm Boland ⁶ , 高林純示 ⁷ , 澤崎達也 ¹ , 有村源一郎 ^{1,2} (¹ 京都大・理, ² 京都大・生態学研究センター, ³ Univ. of Turin, ⁴ 愛媛大・無細胞生命科学工学研究センター, ⁵ Max Planck Inst. for Chem. Ecol.)			10:15
1aF04 C ₃ -C ₄ 相互転換植物Eleocharis viviparaのPEPCの組換え体の調製と性状解析:最もK _m 値の低いC ₃ 型PEPCの発見 永松裕章, 河西宏昭, 泉井桂(近畿大・生物理工)	トランスクリプトーム	1aH04 高輝度LEDと遺伝子操作を活用した植物ポリフェノール類の増強 小川剛史 ¹ , 舟戸葉々 ¹ , 村上由規子 ¹ , 丹羽康夫 ¹ , 清水正則 ¹ , 榊原啓之 ¹ , 関俊哲 ² , 豊岡利正 ² 他(静大院・生活健康, ² 静県大院・薬, ³ 清水商工会議所)	1aI04 タバコBY-2細胞におけるCa ²⁺ 流入関連因子NMCA1とNMCA2のCa ²⁺ 取込み能に関する解析 山中拓哉 ¹ , 瀧口彬子 ¹ , 中野正實 ^{2,3} , 三木悠慈 ¹ , 林晃之 ¹ , 飯田秀利 ⁴ , 束須孝光 ¹ , 朽津和幸 ^{1,5} (¹ 東京理科大・理工・応用生物学, ² 東京学芸大・教育・生命科学, ³ 東京農工大・連合農学, ⁴ 岡崎統合バイオ・生命環境, ⁵ 東京理科大・ゲノムセンター・細胞シグナル制御)	1aJ04 微小昆虫アザミウマの食害に対するシロイヌナズナの防御応答 安部洋 ¹ , 下田武志 ² , 大西純 ³ , 釘宮聡 ⁴ , 鳴坂真理, 瀬尾茂美, 鳴坂義弘 ⁵ , 津田新哉 ⁶ 他(¹ 理研バイオリソースセンター, ² 中央農業総合研究センター, ³ 野菜茶業研究所, ⁴ 農業環境技術研究所, ⁵ 岡山県生物科学総合研究所, ⁶ 農業生物資源研究所)			10:30
1aF05 円石藻Emiliania huxleyiの光合成C ₄ 化合物生成に関与するβ-カルボキシシレシオン酵素 辻敬典 ¹ , 鈴木石根, 白岩善博(筑波大院・生命環境)	1aG05 Diversified Evolution of Downstream Transcription Start Sites in Oryza sativa and Arabidopsis thaliana 田中剛 ¹ , 小柳香奈子 ² , 伊藤剛 ¹ (¹ 生物研, ² 北大)	1aH05 外来遺伝子導入によるシロイヌナズナ芳香族二次代謝経路の改変 山本富夫 ¹ , 西山泰孝 ^{1,2} , 伊忠録 ¹ , 野澤彰 ¹ , 戸澤譲 ^{1,2} (¹ 愛媛大・無細胞セ, ² 愛媛大・VBL)	1aI05 PutHKT1, an HKT-type K ⁺ transporter from Puccinellia tenuiflora, mediates sodium tolerance in salt sensitive yeast but leads to salt sensitivity in Arabidopsis Sintho Wahyuning Ardie ¹ , Lina Xie ¹ , Ryuichi Takahashi ¹ , Shenkui Liu ² , Tetsuo Takano ¹ (¹ 東大アジアセンター, ² 中国東北林業大学)	1aJ05 シロイヌナズナ切断花茎の組織癒合過程に対するホルモンシグナリングと転写因子の関与 東克也 ¹ , 朝比奈雅志 ¹ , 山崎貴司 ¹ , 光田展隆 ² , 高木優 ² , 森田美代 ³ , 田坂昌生 ³ , 山口信次郎 ⁴ 他(¹ 筑波大・生命環境, ² 産総研・ゲノムファクトリー, ³ 奈良先端大・バイオサイエンス, ⁴ 理研・植物科学研究センター)			10:45
1aF06 無機炭素濃縮に必要であるLCIBはビレノイド周囲でLCICと複合体を形成して機能する 山野隆志, 辻川友紀, 中野博文, 福澤秀哉(京都大・院・生命)	1aG06 シロイヌナズナとイネにおけるストレス誘導性遺伝子のプロモーター領域の比較解析 圓山恭之進 ¹ , 溝井順哉 ¹ , 城所聡 ^{1,2} , 高崎寛則 ^{1,2} , 篠崎一雄 ³ , 篠崎和子 ^{1,2} (¹ 国際農研・生物資源, ² 東大院・農学生命科学, ³ 理研・植物科学セ)	1aH06 アミノ酸由来化合物の生産の制御モジュール:転写制御, 生成および代謝物輸送 澤田有司 ^{1,2} , 坂田あかね ¹ , 桑原亜由子 ^{1,2} , 齊藤和季 ^{1,3} , 平井優美 ^{1,2} (¹ 理研・植物科学研究センター, ² 科学技術振興機構・CREST, ³ 千葉大院・薬)	1aI06 コムギALMT1の電気生理学的機能解析 古市卓也, 佐々木孝行, 土屋善幸, 山本洋子(岡山大・資源生物学研)	1aJ06 サリチル酸シグナルとアブジン酸シグナルのクロストークの解析 安田美智子 ¹ , 丸山明子 ² , 篠崎聡 ¹ , 仲下英雄 ^{1,3} (¹ 理研・知財, ² 福井県立大・生物資源, ³ 理研・基幹研)			10:45

● 第1日 3月21日(土) 午前

時間	A会場	B会場	C会場	D会場	E会場
					光化学系 II 1
11:00	<p>1aA07 シロイヌナズナの葉の発生分化に関わるASIとAS2が制御する複数の遺伝子経路の解析 岩川秀和¹, 高橋広夫^{1,2}, 岩崎まゆみ¹, Rémi Mazet³, 小島晶子^{1,2}, 上野宜久³, 池崎仁弥³, 小林猛^{1,2}他¹(¹中部大・植物バイオ, ²中部大・応用生物, ³名大院・理)</p>	<p>1aB07 ABA高感受性を示す新しいプロテアソーム変異体<i>ahg12</i>の解析 林晋平^{1,2}, 村山真紀³, 浅見忠男⁴, 篠崎一雄², 平山隆志^{3,5}(¹横浜市大・国際総合科学, ²理研・PSC, ³立教大・理, ⁴東京大・院・農学生命, ⁵理研・ASI)</p>	<p>1aC07 SGR9は重力感受細胞においてアクチンフィラメントとアミロプラストの相互作用を調節する 中村守貴¹, 田坂昌生¹, 森田(寺尾)美代^{1,2}(¹奈良先端大・バイオ, ²科学技術振興機構・さきがけ)</p>	<p>1aD07 転写因子AtGLK1を介したプラスチックシグナルの伝達機構 柿崎智博¹, 中山克大², 蔡見植², 稲葉丈人³(¹岩手大・農, ²長浜バイオ大院・バイオ, ³岩手大・COE)</p>	<p>1aE07 緑藻クラミドモナスのPSIIに結合した表在性蛋白の架橋反応によるトポロジー解析 長尾遼¹, 新倉綾子¹, 鈴木健裕², 堂前直², 奥村彰規³, 岩井雅子⁴, 榎並勲¹(¹東理大・理, ²理研・バイオ解析, ³日大・文理, ⁴東理大・理工)</p>
11:15	<p>1aA08 シロイヌナズナのAS2による葉の背軸化遺伝子<i>ETT/ARF3</i>制御機構の解析 岩崎まゆみ¹, 岩川秀和¹, 上野宜久², 石川貴章³, Irena Pekker³, Yuval Eshed³, 高橋広夫^{1,4}, 小島晶子^{1,4}他¹(¹中部大・植物バイオ, ²名大院・理・生命理学, ³Dept. of Plant Sci., Weizmann Inst. of Sci., ⁴中部大・応用生物)</p>	<p>1aB08 貯蔵物質への炭素分配を制御する転写因子<i>LOG1</i>の機能解析 金井雅武^{1,2}, 林誠^{1,2}, 光田展隆³, 高木優³, 西村幹夫^{1,2}(¹基生研・細胞生物, ²総研大・基礎生物, ³(独)産業技術総合研究所・ゲノムファクトリー研究部門)</p>	<p>1aC08 ゼニゴケにおけるアクチン繊維のユニークな動き 恵良厚子¹, 海老根一生¹, 石崎公庸³, 富永基樹², 齊藤知恵子², 大和勝幸³, 中野明彦^{1,2}, 河内孝之³他¹(¹東大院・理, ²理研・基幹研, ³京大院・生命科学)</p>	<p>1aD08 ミトコンドリアDNAの修復機構に関与する56kDaタンパク質の解析 伊藤喜重^{1,2}, 泉亜紀子³, 森稔幸⁴, 前田桂², 由比良子², 堂前直³, 東山哲也², 黒岩常祥²他¹(¹東大院・新領域, ²名大院・理, ³お茶大院・人間文化, ⁴理研・FRS, ⁵理研・BCT, ⁶立教大・極限生命)</p>	<p>1aE08 Ycf12, PsbZ 欠失変異体由来光化学系IIのX線結晶構造解析 高坂賢之¹, 岩井雅子², 梅名泰史³, 神谷信夫³, 川上惠典¹, 沈建仁¹(¹岡山大学・院・自然科学, ²東京理大・理工, ³大阪市大・院・理研)</p>
11:30	<p>1aA09 シロイヌナズナの葉の形態形成に関わる<i>asymmetric leaves2</i> 亢進変異体<i>#27</i>のクローニング 小島晶子^{1,2}, 岡健大¹, 南栄寿¹, 岩崎まゆみ², 上野宜久³, 町田泰則³, 町田千代子^{1,2}(¹中部大・応用生物, ²中部大・植物バイオ, ³名大院・理)</p>	<p>1aB09 NAC転写因子NARSによって制御される種皮ムシラーゲ蓄積の分子機構の解析 國枝正¹, 光田展隆², 高木優², 武田征士³, 相田光宏³, 田坂昌生³, 近藤真紀⁴, 深澤美津江¹他¹(¹京大院・理・植物, ²産総研・ゲノム, ³奈良先端大・バイオ, ⁴基生研・細胞生物)</p>	<p>1aC09 ホウレンソウ葉肉細胞における葉緑体のアンカー機構に対するピリンの関与 高松秀安¹, 横田悦雄², 新免輝男², 高木慎吾¹(¹大阪大・院・理・生物科学, ²兵庫県立大・院・生命理学)</p>	<p>1aD09 液胞上に生じる複雑な膜構造bulbが減少する変異体の同定と微細構造観察 齊藤知恵子¹, 粟井千絵¹, 植村知博², 富永基樹¹, 安部弘¹, 森田(寺尾)美代¹, 上田貴志², 中野明彦^{1,2}(¹理研・基幹研, ²東大院・理理学系, ³奈良先端大・バイオサイエンス, ⁴さきがけ・科学技術振興機構)</p>	<p>1aE09 光化学系II二量体の形成・安定化におけるPsbM, PsbIサブユニットの役割 川上惠典¹, 岩井雅子², 川端洋輔³, 逸見隆博³, 池内昌彦⁴, 神谷信夫³, 沈建仁¹(¹岡山大学・院・自然科学, ²東京理科大学・理工, ³大阪市立大・院・理学, ⁴東京大・院・総合文化)</p>
11:45		<p>1aB10 ニンジン胚発生過程における液胞膜アクアポリン遺伝子<i>DeTIP1</i>の解析 松澤篤史¹, 田中元氣², 菊池彰², 鎌田博², 田中一朗¹, 塩田隆¹(¹横浜市立大・院・国際総合科学, ²筑波大・院・生命環境)</p>	<p>1aC10 タバコ培養細胞BY-2表層微小管の機械的刺激による構築変化 川端恭平¹, 高松江梨子¹, 岩田和佳¹, 新免輝男¹, 園部誠司¹(兵庫県立大・院・生命理学)</p>	<p>1aD10 葉緑体工学による超耐熱性セルラーゼの大量発現 中平洋一¹, 田中國介¹, 石川一彦², 椎名隆¹(¹京府大・生命環境, ²産総研・セルエンジニアリング)</p>	<p>1aE10 光化学系II複合体は本来単量体、二量体のどちらなのか？ 渡辺麻衣¹, 岩井雅子², 成川礼¹, 池内昌彦¹(¹東大院・総合文化, ²東京理科大学・理工)</p>

F会場	G会場	H会場	I会場	J会場	K会場	L会場	時 間
窒素固定・窒素代謝 1							
<p>1aF07 ラン藻 <i>Synechococcus elongatus</i> PCC7942におけるRpoD4の機能の解析 佐藤順通¹, 大石拓実², 前田真一³, 小俣達男², 愛知真木子² (¹中部大・院・応用生物, ²中部大・応用生物, ³名古屋大・院・生命農学)</p> <p>1aF08 ラン藻 <i>Synechococcus elongatus</i> のABC型シアン酸イオン/亜硝酸イオン輸送体の解析 前田真二, 小俣達男 (名古屋大・生命農)</p> <p>1aF09 シロイヌナズナ高親和型尿素輸送担体の生理機能と活性制御機構 吉田圭吾¹, Anne Bohner², 早川俊彦¹, 山谷知行¹, Nicolaus von Wiren², 小島創一^{1,2} (¹東北大院・農, ²Hohenheim Univ)</p>	<p>1aG07 コアプロモーターのタイプと遺伝子構造との相関関係 山本義治¹, 小保方潤一^{1,2} (¹名大・遺伝子, ²京都府大・生命環境)</p> <p>1aG08 多重タイリングアレイデータに基づく遺伝子構造予測プログラムARTADE2.0を用いたシロイヌナズナのゲノムワイド遺伝子発現解析 川口修治¹, 花田耕介², 関原明², 松井章浩², 篠崎一雄², 豊田哲郎¹ (理研・生命情報基盤研究部門, ²理研・植物科学研究センター)</p> <p>1aG09 シロイヌナズナタイリングアレイを用いた乾燥・低温・塩ストレス・ABA処理条件下での全ゲノムトランスクリプトーム解析 松井章浩¹, 石田順子¹, 諸沢妙子¹, 神沼英里², 遠藤高帆², 岡本昌憲¹, 南原英司³, 川嶋真紀子¹他 (¹理研PSC・植物ゲノム発現研究チーム, ²理研BASE, ³トロント大学, ⁴理研PSC・機能開発研究グループ, ⁵横浜市大・木原生研)</p>	<p>1aH07 ペチュニア野生種 <i>Petunia axillaris subsp. parodii</i> における香氣成分イソオイゲノールの欠失はイソオイゲノール合成酵素の変異に因る 肥塚崇男¹, Irina Orlova², Natalia Dudareva², Eran Pichersky¹ (¹ミシガン大学, ²バデュー大学)</p> <p>1aH08 シロイヌナズナのみどりの香り生成経路はジャスモン酸生成経路と発現部位を棲み分けている 松井健二, 松木敦 (山口大院・医学系 (農))</p>	<p>1aI07 アントシアニンの発色に関わる膜輸送体遺伝子群の探索 中西洋一, 佐古建志, 輪谷恵莉子, 今井悠, 前島正義 (名大院・生命農)</p> <p>1aI08 原形質膜局在型アクアポリンPIP1とPIP2の共発現による活性化メカニズムの解析 柴坂三根夫, 堀江智明, 且原真木 (岡山大・資生研)</p> <p>1aI09 シロイヌナズナアクアポリンSIPの発現誘導条件からみた分子生物学的機能解析 榎原里恵¹, 宮本恭輔¹, 玉置雅紀², 西川周一³, 前島正義¹ (¹名大院・生命農, ²環境研・生物圏環境, ³名大院・生命理)</p> <p>1aI10 シロイヌナズナの転写因子DREB1Aが制御する低温誘導性葉緑体局在型タンパク質の解析 金井要樹^{1,2}, 圓山恭之進², 山田晃嗣^{1,2}, 城所聡^{1,2}, 篠崎一雄³, 篠崎和子^{1,2} (¹東大院・農学生命化学, ²国際農研・生物資源, ³理研・植物分子)</p>	<p>1aJ07 植物ホルモンの情報伝達を司る遺伝子の多重変異が植物の病原体抵抗性に与える影響 津田賢一¹, 佐藤昌直^{1,2}, Thomas Stoddard¹, Jane Glazebrook¹, 片桐文章¹ (¹Dept. of Plant Biol., Univ. of Minnesota, ²東京大学大学院・総合文化研究科)</p> <p>1aJ08 カマレキシン生合成を制御する新規転写調節因子の機能解析 齋藤寛久¹, 甲斐光輔^{1,2}, 露口恵太郎¹, 芹生友希¹, 鈴木秀幸³, 柴田大輔³, 太田大策¹ (¹阪府大院・生命環境, ²バイオ組合, ³かずさDNA研)</p>	シンポジウム 1 ストリゴラクトン…新ホルモンとしての発見と根圏での機能	シンポジウム 2 植物内の金属を観る—放射光蛍光X線分析法の進歩—	11:00 11:15 11:30 11:45

● 第 1 日 3 月 21 日 (土) 午後

時 間	A 会場	B 会場	C 会場	D 会場	E 会場	F 会場
	栄養器官の発生・分化2	遺伝・生殖	細胞周期・分裂	オルガネラ2	光化学系 II 2	窒素固定・窒素代謝2
13:30	1pA01 シロイヌナズナ <i>enhancer of asymmetric leaves2 and asymmetric leaves1 (eal)</i> 変異は <i>asymmetric leaves2 (as2)</i> 変異体および <i>as1</i> 変異体の葉の向背軸形成を亢進する石橋奈々子 ¹ , 上野直久 ¹ , 町田千代子 ² , 町田泰則 ¹ (名大院・理, ² 中部大・応用生物)	1pB01 トレニアを用いた花粉管誘引物質 LUREs の同定 - 大量複製系と新規誘引アッセイ系の開発 奥田哲弘 ¹ , 佐々木成江 ¹ , 金岡雅浩 ¹ , 東山哲也 ^{1,2} (¹ 名大院・理・生命, ² JST・さきかけ)	1pC01 極長鎖脂肪酸合成を介したシロイヌナズナの器官形成制御機構 信澤岳 ¹ , 草野都 ² , 岡咲洋三 ² , 齊藤和季 ² , 奥島葉子 ¹ , 梅田正明 ¹ (¹ 奈良先端大・バイオ, ² 理研 PSC)	1pD01 植物特異的な MCD1 はシアノバクテリア由来の MinD と相互作用して葉緑体分裂面を決定する 中西弘充, 鈴木健二, 壁谷如洋, 宮城島進也 (理研・基幹研・独立主幹ユニット)	1pE01 原始紅藻 <i>Cyanidioschyzon merolae</i> の光化学系 II 複合体 高橋武志 ^{1,2} , 井上 (菓子野) 名津子 ^{1,2} , 小澤真一郎 ² , 高橋裕一郎 ² , 栗子野康浩 ² , 佐藤和彦 ² (¹ 兵庫県立大・理, ² 岡山大・理)	1pF01 エネルギー代謝補酵素による植物代謝亢進 高橋秀行 ¹ , 高原健太郎 ² , 橋田慎之介 ¹ , 川合真紀 ¹ (¹ 若手生工研, ² 東大・分生研, ³ 電中研, ⁴ 埼玉大・院・理工)
13:45	1pA02 シロイヌナズナの <i>asymmetric leaves2</i> 変異体の向背軸形成の異常を亢進する変異体の解析 松村葉子 ¹ , 安川沙織 ¹ , 小島晶子 ² , 町田千代子 ² , 町田泰則 ¹ (¹ 名古屋大院・理, ² 中部大・応用生物)	1pB02 レーザーマイクロインジェクションによる花粉管誘引物質 LUREs の解析 筒井大貴 ¹ , 金岡雅浩 ¹ , 佐々木成江 ¹ , 東山哲也 ^{1,2} (¹ 名大院・理, ² JST・さきかけ)	1pC02 胚発生過程における CDK 活性化キナーゼ群の機能分化に関する研究 高塚大知, 梅田正明 (奈良先端大・バイオ)	1pD02 PDV2 による葉緑体分裂の調節機構の解析 岡崎久美子 ¹ , 壁谷如洋 ¹ , 中西弘充, 鈴木健二, 市川尚彦 ² , 近藤陽一 ² , 川島美香 ² , 松井南 ² 他 (¹ 理研・基幹研・独立主幹ユニット, ² 理研・PSC・植物ゲノム)	1pE02 紅藻 <i>Cyanidium caldarium</i> 光化学系 II 結晶の分解能の改善と X 線による分析 足立秀行 ¹ , 梅名泰史 ² , 榎並勲 ² , 神谷信夫 ² , 沈建仁 ¹ (¹ 岡山大・院・自然科学, ² 大阪市大・院・理, ³ 東京理科大・理)	1pF02 NADH-依存性グルタミン酸合成酵素 I (NADH-GOGAT1) 機能欠損イネの獲得および生理学的解析 日高佑典 ¹ , 田村亘 ¹ , 小島創一 ¹ , 早川俊彦 ² , 榊原均 ² , 山谷知行 ¹ (¹ 東北大・農, ² 理研・PSC)
14:00	1pA03 シロイヌナズナにおけるグアニン四重鎖 (G-quadruplex) 配列の解析 中川彩美 ¹ , 高橋広夫 ^{1,2} , 鈴木辰朗 ² , 佐藤信雄 ¹ , 市原玄崇 ² , 車炳允 ² , 禹濟泰 ² , 永井和夫 ² 他 (¹ 中部大・植物バイオ, ² 中部大・応用生物, ³ 名古屋大・院理)	1pB03 花粉管誘引物質 LUREs から探る植物多精拒否機構 椎名恵子 ¹ , 奥田哲弘 ¹ , 金岡雅浩 ¹ , 佐々木成江 ¹ , 東山哲也 ^{1,2} (¹ 名大院・理, ² JST・さきかけ)	1pC03 シロイヌナズナのサイクリン依存性キナーゼ CDK2 の DNA 損傷による発現制御 安達澄子 ¹ , 栗原大輔 ² , 松永幸大 ² , 梅田正明 ¹ (¹ 奈良先端大・バイオ, ² 阪大院・工・生命先端工学)	1pD03 葉緑体分裂と核様体の形態に関与する YLMG タンパク質の機能解析 壁谷如洋 ¹ , 中西弘充 ¹ , 鈴木健二 ¹ , 市川尚彦 ² , 松井南 ² 他 (¹ 理研・独立主幹ユニット, ² 理研・PSC)	1pE03 羽状目珪藻 <i>Phaeodactylum tricornutum</i> の酸素発生 PSII の単離精製 奥村彰規 ¹ , 寺山優 ¹ , 小川昂矩 ¹ , 栗原淳志 ² , 鈴木健裕 ² , 堂前直 ² , 長尾遼 ² , 中里勝芳 ² 他 (¹ 日大・文理, ² 理研・バイオ解析, ³ 東理大・理)	1pF03 イネにおける窒素誘導性サイトカニン合成機構の解析 信定 (鎌田) 知江, 横田庸純, 小嶋美紀子, 榊原均 (理研・植物科学)
14:15	1pA04 シロイヌナズナの発生における TRANSPORT INHIBITOR RESPONSE2 (TIR2) 遺伝子の役割 山田昌史 ¹ , エステルマーク ² (¹ 東大・院・理・生物, ² カリフォルニア大・細胞発生)	1pB04 シロイヌナズナにおける花粉管ガイダンスの最終段階ではたらく誘引物質の解析 武内秀憲 ¹ , 東山哲也 ^{1,2} (¹ 名大院・理, ² JST・さきかけ)	1pC04 イネにおける CDK2 の発現抑制は endomitosis を誘導する 遠藤真咲 ¹ , 中山繁樹 ¹ , 梅田正明 ¹ , 土岐精一 ¹ (¹ 独) 農業生物資源研究所, ² 奈良先端大・バイオ)	1pD04 シロイヌナズナ葉緑体分裂異常変異体におけるストロミュールを介したアミロプララスト複製 藤原誠 ¹ , 伊藤竜一 ³ , 森山崇 ² , 丹羽康夫 ² , 佐藤直樹 ² , 阿部知子 ² , 吉田茂男 ² (¹ 理研, ² 東大院・総文化, ³ 琉球大・理, ⁴ 静岡県大・生活健康科学)	1pE04 中等度好熱性珪藻 <i>Chaetoceros neogracle</i> の酸素発生光化学系 II 複合体の精製 新倉綾子 ¹ , 長尾遼 ¹ , 中島沙織 ² , 奥村彰規 ² , 鈴木健裕 ² , 岩井雅子 ² , 柄達也 ² , 三室守 ² 他 (¹ 東理大・理, ² 日大・文理, ³ 理研・バイオ解析, ⁴ 東理大・理工, ⁵ 京大院・人間環境)	1pF04 イネにおける ACT ドメインリビートタンパク質 9(OsACR9) の制御下のグルタミン応答性遺伝子群候補と OsACR9 の相互作用因子候補の探索 河合亜希子, 工藤徹, 小島創一, 山谷知行, 早川俊彦 (東北大・院農, 応用生命科学)
14:30	1pA05 低分子 RNA による細胞非自律的な根の放射パターン形成機構 宮島俊介, 橋本隆, 中島敬二 (奈良先端・バイオ)	1pB05 シロイヌナズナの雌性配偶体形成における小胞体 Hsp70 システムの機能解析 丸山大輔, 山本雅也, 遠藤斗志也, 西川周一 (名大・理)	1pC05 動物体に局在するオーロラキナーゼのイメージング解析 松永幸大 ^{1,2} , 栗原大輔 ¹ , 池田虎三 ¹ , 大村知広 ¹ , 内山進 ¹ , 福井希一 ¹ (¹ 阪大院・工・生命先端, ² 科学技術振興機構・バイオインフォマティクス)	1pD05 ヒメツリガネゴケ葉緑体分裂に関与するバプチドグリカン合成系遺伝子 <i>PpPbp</i> の機能解析 高橋良子 ¹ , 武智克彰 ² , 保見祥子 ² , 佐藤博 ² , 滝尾進 ² , 高野博嘉 ^{1,4} (¹ 熊本大・院・理, ² 熊本大・理, ³ 熊本大・理・沿岸域, ⁴ 熊本大・院・バイオエレクトロニクス)	1pE05 珪藻 PSII の 5 種の表在性蛋白質の精製と PSII 膜蛋白質への再構成 森口啓 ¹ , 長尾遼 ¹ , 奥村彰規 ² , 鈴木健裕 ² , 岩井雅子 ² , 榎並勲 ² (¹ 東理大・理, ² 日大・文理, ³ 理研・バイオ解析, ⁴ 東理大・理工)	1pF05 イネ窒素誘導性転写因子 OsMYB-NR2 の機能解析 辻本良真 ¹ , 藤森玉輝 ¹ , 執行美香 ¹ , 土岐精一 ² , 柳澤修一 ¹ (¹ 東大院・農学生命科学, ² 農業生物資源研究所)
14:45	1pA06 側根の分布を調節するシロイヌナズナ <i>PUCHI</i> 遺伝子の解析 池山芳史, 廣田敦子, 加藤社英, 田坂昌生 (NAIST バイオサイエンス)	1pB06 栽培イネと野生イネの種間交雑にみられる胚乳発生異常の原因 石川亮 ¹ , 永口貢 ² , 新崎由紀 ¹ , 倉田のり ³ , 木下哲 ¹ (¹ 奈良先端大・バイオ・GCOE 植物生殖遺伝, ² 遺伝研・実験圃場, ³ 遺伝研・植物遺伝)	1pC06 DNA チェックポイント経路の中で働く転写因子 Suppressor of Gamma response1 (SOG1) の役割 嵐山郁 ^{1,2} , Britt Anne ² (¹ 奈良先端大・バイオ, ² カリフォルニア大学 デービス校)	1pD06 細胞分裂に伴う葉緑体の不平等分配 田島直幸, 寺沢公宏, 藤原誠, 佐藤直樹 (東大・院・総合文化)	1pE06 分光電気化学的手法による <i>Thermosynechococcus elongatus</i> 由来の光化学系 II 一次電子受容体フェオフィチン a の酸化還元電位計測 加藤祐樹 ¹ , 杉浦美羽 ² , 渡辺正 ¹ (¹ 東大・生産研, ² 愛媛大・無細胞研究センター)	1pF06 シロイヌナズナにおける ACT domain containing protein をコードする遺伝子 (<i>ACT1, ACT2</i>) の発現特性と機能解析 伊藤友紀 ¹ , 杉山健二郎 ¹ , 櫻井望 ² , 青木孝 ² , 鈴木秀幸 ² , 柴田大輔 ² , 平野盛雄 ² (¹ 工学院大院・工, ² かずさ DNA 研・NEDO 基盤研)

G会場	H会場	I会場	J会場	K会場	L会場	M会場	時 間
<p>バイオインフォマティクス</p> <p>1pG01 多くのチップ形式で得られたトランスクリプトーム解析結果の、パラメトリックなフレームワークによる統合 小西智一 (秋田県立大・環境)</p> <p>1pG02 共発現データベース ATTED-II, COXPRESdb の共発現指標 MR (相互リンク) の有効性 大林武, 木下賢吾 (東大・医科研)</p> <p>1pG03 シロイヌナズナ培養細胞を用いた発現制御ネットワーク予測への大規模アプローチ 尾形善之¹, 藤井文子¹, 森下直彦¹, 松浦貴志¹, 森久美子¹, 浅見結貴¹, 丹下喜恵¹, 茂木岳¹ 他 (かずさ DNA 研, ²千葉大院・薬, ³理研・PSC)</p> <p>1pG04 SALAD database を用いたタンパク質比較解析とマイクロアレイ解析 三原基広, 伊藤剛, 井澤毅 (生物研, NIAS)</p> <p>1pG05 シロイヌナズナ DNA マイクロアレイデータを用いた遺伝子・化合物のネットワーク型機能解析 佐々木江理子^{1,2}, 嶋田幸久¹, 浅見忠男¹ (理研・PSC, ²東大院・農生・応生化)</p> <p>1pG06 LC-FT-ICR-MS 分析における代謝産物ピークのアノテーションソフトウェア PowerFT の開発とアノテーションデータベース KOMICS の構築 櫻井望¹, 中村由紀子¹, 飯島陽子¹, 尾形善之¹, 茂木岳¹, 蛭田敦¹, 青木孝¹, 鈴木秀幸¹ 他 (かずさ DNA 研, ²理研・PSC, ³千葉大院・薬)</p>	<p>二次代謝 2</p> <p>1pH01 イネ <i>CYP51 sterol demethylase</i> 遺伝子についての分子解析 稲垣善茂¹, 豊田和弘¹, 白石友紀¹, 一瀬勇規¹, オズボーンアン² (岡山大学・自然, ²ジョン・イネス・センター)</p> <p>1pH02 針葉樹の化学防御におけるジテルペン樹脂酸合成酵素 CYP720B4 の機能解析 大西利幸, Bjoern Humberger, Britta Humberger Humberger, Joerg Bohlmann (プリーティッシュュロンビア大学マイケルスミストラボラトリー)</p> <p>1pH03 ミヤコグサ ユーフォルビア (<i>Euphorbia tirucalli</i>) のスクアレンシンターゼ遺伝子のクローニングと機能解析 内田英伸¹, 山下博史², 中谷内修¹, 竹村美保¹, 大山亮爾¹ (石川県大・生物資源, ²京都府立大・人間環境)</p> <p>1pH04 ミヤコグサ TT2 多重遺伝子族のタンパク質相互作用に関わるドメインの解析 由田和津子¹, 涌井絵梨², 作田正明^{1,2} (お茶の水大・人間文化, ²お茶の水大・理)</p> <p>1pH05 ミヤコグサ DFR 多重遺伝子族の転写制御 岩坂吏得子¹, 由田和津子², 嶋田典基³, 綾部真一³, 青木俊夫³, 作田正明^{1,2} (お茶の水大・院・ライフサイエンス, ²お茶の水大・院・人間文化, ³日本大・生物資源)</p> <p>1pH06 根域冷却栽培による高糖度トマト果実における糖代謝 藤村恵人¹, 鈴木健策¹, 岡田益己² (東北農業研究センター, ²若手大・農)</p>	<p>UV障害</p> <p>1pI01 リン酸化修飾がイネ CPD 光回復酵素の機能に及ぼす影響 寺西美佳, 高橋正明, 中村憲太郎, 日出間純 (東北大・院・生命科学)</p> <p>1pI02 シロイヌナズナ培養細胞における UVC 誘導性サリチル酸情報伝達関連遺伝子の発現解析 平松拓也, 河野智謙 (北九大・院・国際環境工)</p> <p>レドックス制御</p> <p>1pI03 <i>Synechocystis</i> sp. PCC 6803 における光化学系 I 遺伝子 <i>psaAB</i> の転写調節への HLR1 配列の寄与 高橋朋子, 村松昌幸, 日原由香子 (埼玉大・理)</p> <p>1pI04 シアノバクテリア <i>Synechocystis</i> sp. PCC 6803 における光合成電子伝達に依存的な転写因子 PedR の解析 堀内真由美¹, 中村絹¹, 小島幸治¹, 西山佳孝¹, 畠山和佳子², 久堀徹², 日原由香子¹ (埼玉大・院・理工, ²東工大・資源研)</p> <p>1pI05 シアノバクテリアの翻訳因子 EF-G のレドックス状態を介した翻訳調節 小島幸治¹, 諸田拓哉², 日原由香子¹, 本橋健¹, 畠山和佳子², 久堀徹², 林秀則¹, 西山佳孝¹ (埼玉大院・理工, ²埼玉大・理・分子生物, ³東工大・資源研, ⁴愛媛大・無細胞センター)</p> <p>1pI06 カルシウム依存キナーゼは環境ストレスに応答して細胞内で酸化される 中西華代¹, 森仁志¹, 前島正義¹, 久堀徹² (名古屋大院・生命農, ²東工大・資源研)</p>	<p>病虫害応答・障害応答 2</p> <p>1pJ01 うどん粉病菌感染に対するシロイヌナズナ初期防御応答機構の形態学的解析 稲田のりこ¹, セイボリーエリザベス・アン² (奈良先端大・バイオ・植物ユニット, ²ミシガン州立大・植物病理)</p> <p>1pJ02 <i>LICI</i> 遺伝子は非宿主抵抗反応における細胞死制御に関与している 小野澤真理子¹, 十亀美穂¹, 齊藤宏昌², 寺内良平², 奥野哲郎¹, 高野義孝¹ (京大院・農, ²岩手生物学研究センター)</p> <p>1pJ03 EDR1 は PEN 2 に依存しない非宿主抵抗反応を正に制御している 晁剛毅¹, 西内巧², 加藤智明², 浅野智哉², 奥野哲郎¹, 高野義孝¹ (京大院・農, ²金沢大・学際科学実験センター)</p> <p>1pJ04 シロイヌナズナのイネいもち病菌に対する非宿主抵抗性 堀紘樹¹, 小平高博¹, 小松拓真¹, 北條快成¹, 前田華奈¹, 小八重善裕², 石川敦司¹ (福井県立大・生物資源, ²名古屋大・生命農学)</p> <p>1pJ05 シロイヌナズナ抑制型転写因子 ERF9 の防御応答における機能解析 浅田裕, 矢元奈津子, 高橋和馬, 勝又邦明, 池田亮, 山口淳二 (北大院・生命)</p> <p>1pJ06 シロイヌナズナにおける CN 制御 E3 リガーゼ SSV1: ATL6 は病原体抵抗機構にも関与する 前川修吾¹, 佐藤長緒¹, 浅田裕¹, 安田盛貴¹, 吉田みどり², 池田亮¹, 山口淳二¹ (北大院・生命, ²農研機構・北海道農研)</p>	<p>シンポジウム 3 オーキシン研究の新展開―新たな研究技法が拓く最前線―</p>	<p>シンポジウム 4 植物における構造生物学の最先端―多様な代謝・情報伝達の構造的基盤―</p>	<p>シンポジウム 5 解き明かされるアクアポリンのさまざまな細胞生理機能と分子機構</p>	<p>13:30</p> <p>13:45</p> <p>14:00</p> <p>14:15</p> <p>14:30</p> <p>14:45</p>
データベース							

● 第 1 日 3月21日(土) 午後

時 間	A会場	B会場	C会場	D会場	E会場	F会場
		生殖器官の発生・分化				
15:00	1pA07 制限温度下で帯化根を形成するシロイヌナズナ温度感受性変異体 <i>rrd1</i> , <i>rrd2</i> , <i>rrd4</i> の解析 大塚蔵嵩, 杉山宗隆 (東京大・院・理・植物園)	1pB07 シロイヌナズナの花の分裂組織の可塑性研究 Kian-Hong Ng ¹ , 伊藤寿朗 ^{1,2} (テマセック生命科学研究所, ² PRESTO JST)	1pC07 シロイヌナズナの細胞質分裂を制御する ANQ/AtMKK6 は HINKEL-ANP によって活性化されグループ B MAPK を活性化する 高橋裕治, 征矢野敬, 諸田雅之, 幸節健, 町田泰則 (名大院・理)	1pD07 ヒメツリガネゴケの <i>PpCRL</i> 遺伝子ファミリーの機能解析 鶴見尚子, 飯田由佳里, 杉田千志子, 杉田謙 (名大・遺伝子)	1pE07 光化学系II コア蛋白質における第一キノン電子受容体 Q _A の再構成 梢雄多 ¹ , 高野昇 ¹ , 鈴木博行 ¹ , 杉浦美羽 ² , 野口巧 ¹ (筑波大・数理物質科学, ² 愛媛大・無細胞研究センター)	1pF07 硝酸同化コストと窒素収支の器官依存性 白井貴之, 蜂谷卓士, 寺島一郎, 野口航 (東大・院・理)
15:15	1pA08 シロイヌナズナ NIMA カイネースの機能 本瀬宏康 ¹ , 濱田隆宏 ² , 中村匡良 ² , 加藤壮英 ² , 橋本隆 ² , 酒井達也 ² , 渡辺雄一郎 ² (東大院・総合文化, ² 奈良先端大・バイオサイエンス, ³ 理研・植物科学研究センター)	1pB08 ABERRANT PANICLE ORGANIZATION I は花序メリステムの細胞分裂を促進する 安野奈緒子 ¹ , 池田恭子 ² , 飯田滋 ³ , 長戸康郎 ¹ , 経塚淳子 ¹ (東大院・農学生命, ² 岡山大学・資生研, ³ 基生研)	1pC08 サイクリン依存性キナーゼは植物細胞質分裂を制御する MAP キナーゼカスケードの活性化を負に制御する 笹部美知子, 中野理恵, 石川雅樹, 西浜竜一, 町田泰則 (名大院・理)	1pD08 シロイヌナズナの葉緑体タンパク質の遺伝子破壊型変異体データベースの作製 明賀史純 ¹ , 秋山顕治 ² , 本橋令子 ² , 黒森崇 ¹ , 伊藤卓也 ¹ , 櫻井哲也 ² , 篠崎一雄 ¹ (理研 PSC・機能開発研究グループ, ² 理研 PSC・メタボローム基盤研究グループ・ゲノム情報統合化ユニット, ³ 静大・農学部, ⁴ 理研・長田抗生物質研究室)	1pE08 光合成水分分解反応の赤外分光解析:DOD変角振動による水分子の検出 鈴木博行 ¹ , 杉浦美羽 ² , 野口巧 ¹ (筑波大・数理物質科学, ² 愛媛大・無細胞研究センター)	1pF08 Nitrogen oscillation in the tiller axes of grasses; a role in leaf production? Louis Irving ^{1,2} , Cory Matthew ¹ , Amane Makino ¹ (Tohoku University, Sendai, Japan, ² Massey University, Palmerston North, New Zealand)
15:30	1pA09 側生器官の分化を制御する TCP3 の下流遺伝子の発現調節機構の解析 小山知巖 ¹ , 関原明 ² , 篠崎一雄 ² , 高木優 ¹ (産総研・ゲノム, ² 理研・植物科学)	1pB09 イネの小穂構造の発生を制御する遺伝子の機能解析 吉田明香子, 平野博之 (東大院・理)	1pC09 細胞質分裂に関わる MAP キナーゼカスケードの下流因子の研究: シロイヌナズナの Atkinesin13B の生化学的解析 西村慎吾, 笹部美知子, 町田泰則 (名大院・理)	1pD09 細胞質 DNA 結合タンパク質 pTAC3 による転写制御の解明 八木祐介, 石崎陽子, 中平洋一, 椎名隆 (京府大・人環)	1pE09 水の酸化反応における D1-His332 の役割 杉浦美羽 ^{1,2} , 大野陽平 ² , Alain Bousiac ³ , Fabrice Rappaport ⁴ , 鈴木博行 ¹ , 野口巧 ¹ , 林秀則 ^{1,2} (愛媛大・無細胞研究センター, ² 愛媛大・理, ³ BiTec-S, CEA Saclay, ⁴ Institut de Biologie Physico-Chimique, ⁵ 筑波大・数理物質)	1pF09 イネ第8染色体上の低NH ₄ ⁺ 濃度において窒素利用を支配している QTL の特徴付けと連鎖解析 田村亘 ¹ , 小原実広 ² , 蛭谷武志 ² , 矢野昌裕 ¹ , 佐藤雅志 ¹ , 山谷知行 ¹ (東北大院・農, ² 若手生工研, ³ 富山農技, ⁴ 生物研, ⁵ 東北大院・生命科学)
15:45	1pA10 Transcriptional control of cell expansion in the Arabidopsis trichome Christian Breuer, 河村彩子, 市川尚斉, 松井南, 杉本慶子 (理研・植物科学研究センター)	1pB10 向背軸の極性に注目した雄蕊の形態形成の解析 鳥羽太陽, 寿崎拓哉, 平野博之 (東大・院理, Max Planck Institute for Developmental Biology)	1pC10 植物細胞質分裂に関わる MAP キナーゼ経路の標的タンパク質 PAL2 の解析 鈴木孝征 ¹ , 松嶋千幸 ¹ , 西村慎吾 ² , 町田泰則 ² (名大院・生命農, ² 名大院・理・生命)	1pD10 シロイヌナズナの <i>pkfB-type carbohydrate kinase family protein</i> , NARA5 はプラスチドゲノムにコードされる光合成遺伝子の高発現に必須である 小川太郎, 西村健司, 蘆田弘樹, 横田明穂 (奈良先端大・バイオ)	1pE10 珪藻 PSII 標品に存在する強力なプロテアーゼ 野口恵理 ¹ , 長尾遼 ¹ , 鈴木健裕 ² , 堂前直 ² , 奥村彰規 ³ , 岩井雅子 ⁴ , 榎並聡 ¹ (東理大・理, ² 理研・バイオ解析, ³ 日大・文理, ⁴ 東理大・理工)	1pF10 N ₂ 標識窒素ガスを用いたダイズ根粒における窒素固定の非侵襲的イメージング 石井里美 ¹ , 鈴木伸郎 ¹ , 伊藤小百合 ¹ , 河地有木 ¹ , 石岡典子 ¹ , 大竹憲邦 ² , 大山卓爾 ² , 藤巻秀 ³ (日本原子力機構・量子ビーム応用研究部門, ² 新潟大学院・自然科学)
					光受容体・光応答 1	植物微生物相互作用(共生)
16:00	1pA11 葉メリステムにおける BLADE-ON-PETIOLE と LEAFY PETIOLE の役割 市橋泰範 ^{1,2} , 堀口吾朗 ² , 塚谷裕一 ^{1,2} (東大・院・理, ² 基生研, ³ 立教大・理)	1pB11 イネのクラス G MADS-box 遺伝子 <i>MFO1</i> と他のクラスの MADS-box 遺伝子との相互作用 大森伸之介 ¹ , 木水真由美 ¹ , 杉田麻衣子 ² , 内田英史 ¹ , 宮尾安藝雄 ³ , 廣近洋彦 ³ , 長戸康郎 ² , 吉田均 ¹ (農研機構・中央農研・北陸研究センター, ² 東大院・農学生命科学, ³ 生物研)	1pC11 ヒメツリガネゴケの細胞周期再開を制御する分子ネットワークの解析 石川雅樹 ¹ , 秋山朝日 ¹ , 小栗康子 ¹ , 長谷部秋泰 ^{2,3} , 久保稔 ¹ (JST-ERATO, ² 基生研・生物進化, ³ 総研大・生命科学)	1pD11 葉緑体に局在するシロイヌナズナ DEAD-box RNA helicase RH39 の機能解析 西村健司, 小川太郎, 蘆田弘樹, 横田明穂 (奈良先端大・バイオ)	1pE11 シアノバクテリオクロム CcaS による 2 型補色順化の制御機構の解析 広瀬直 ¹ , 片山光成 ² , 成川礼 ³ , 池内昌彦 ³ (東京大・院・理, ² 日本大・生産工学, ³ 東京大・院・総合文化)	1pF11 ミヤコグサにおける Nod Factor シグナリングとキチンシグナリングの比較 中川知己 ¹ , 賀来華江 ² , 渋谷直人 ¹ , 河内宏 ¹ (生物研, ² 明治大・農)
16:15	1pA12 <i>figu2</i> 変異株を用いた補償作用の分子機構解明のための網羅的発現解析 久永哲也 ¹ , Ali Ferjani ² , 堀口吾朗 ³ , 石川直子 ⁴ , 久保稔 ⁵ , 出村拓 ⁶ , 福田裕穂 ⁷ , 塚谷裕一 ^{1,4} (東大・院・理, ² 東京学芸大・教育・生命, ³ 立教大・理・生命, ⁴ 基生研, ⁵ JST-ERATO, ⁶ 理研 PSC)	1pB12 ヒロハノマンテマ両性花変異体と無性花変異体における雌雄花芽メリステムの発達と抑制 小泉綾子 ¹ , 山中香 ¹ , 石井公太郎 ² , 鳥居千寛 ¹ , 西原潔 ^{1,2} , 風間裕介 ³ , 阿部知子 ² , 河野重行 ¹ (東京大・院・新領域・先端生命, ² 理研・仁科センター)	1pC12 不等分裂モデルであるヒメツリガネゴケ頂端幹細胞に局在するタンパク質群の同定および機能解析 丸山剛史 ¹ , 橋本薫 ² , 日渡祐二 ^{3,4} , 佐藤良勝 ⁵ , 久保稔 ⁶ , 小田祥久 ⁷ , 佐野俊夫 ⁸ , 馳澤盛一郎 ⁹ 他 (北大・院生命, ² 総研大・生命科学, ³ 基生研・生物進化, ⁴ JST-ERATO, ⁵ 東大院理, ⁶ 東大・院新領域, ⁷ 北大・院理)	1pD12 バクテリア起源 ppGpp 生合成酵素の機能的多様性 巨澤蓮 ¹ , 七宮英晃 ¹ , 及川彰 ² (愛媛大・無細胞セ, ² 理研・PSC)	1pE12 青色光・緑色光によって可逆的光変換するフィトクロム様光受容体の光反応初期過程 市川理悟 ¹ , 吉原静恵 ² , 深澤勲央 ³ , 直原一徳 ⁴ , 河内孝之 ² , 徳富智 ¹ (大阪府大・理, ² 京大院・生命科学)	1pF12 ミヤコグサの感染糸形成に関与する LRR レセプター様キナーゼ ALB1 の解析 矢野幸司 ¹ , 征矢野敬 ¹ , 今泉(安楽)温子 ¹ , 佐藤修正 ² , 田畑哲之 ² , 川口正代司 ³ , 梅原洋在 ⁴ , 河内宏 ¹ 他 (農業生物資源研, ² かずさ DNA 研, ³ 東大院・理)

G会場	H会場	I会場	J会場	K会場	L会場	M会場	時 間			
バイオリソース										
<p>1pG07 シロイヌナズナデータベース RARGEにおける遺伝子破壊株の表現型データの拡充 秋山顕治, 明賀史純, 黒森崇, 篠崎一雄, 櫻井哲也 (理研・PSC)</p>	<p>1pH07 熱ストレスに応答したトマトのグルタチンS-トランスフェラーゼ合成酵素(SiGoS2)の発現誘導 Thuy Phan¹, 山口祐介¹, 高橋智子¹, 氏家みお², 湯淺高志³, 井上真理³ (¹九大院・生物資源, ²九大・農, ³九大院・農)</p>	<p>1pI07 グルタチオンは種子発芽においてシロイヌナズナチロシンフォスファターゼAtPTP1の活性およびその下流の経路に抑制的に作用する 逸見健司, 岩淵雅樹, 小川健一 (岡山生物研)</p>	<p>1pJ07 シロイヌナズナ CMV(Y)抵抗性系統を用いたウイルス感染初期過程におけるメタボローム解析 小川拓水¹, 鈴木秀幸², 青木考², 高橋英樹², 柴田大輔^{1,3} (¹東北大・生命, ²かずさDNA研, ³東北大・農)</p>	<p>シンポジウム 3 オーキシン研究の最新展開―新たな研究技法が拓く最前線―</p>	<p>シンポジウム 4 植物における構造生物学の最先端―多様な代謝・情報伝達の構造的基盤―</p>	<p>シンポジウム 5 解き明かされるアクアポリンのさまざまな細胞生理機能と分子機構</p>	15:00			
植物微生物相互作用(免疫) 1										
<p>1pG08 薬剤選抜不要かつ迅速な形質転換植物作製法 (FAST法) 島田貴士, 嶋田知生, 西村いくこ (京大院・理)</p>	<p>1pH08 シロイヌナズナ <i>myo</i>-イノシトールモノフォスファターゼの遺伝子発現と機能の解析 佐藤祐子¹, 矢澤克美³, 岩井宏暎¹, 石井忠², 佐藤忍¹ (¹筑波大・生命環境, ²森林総研, ³農業生物資源研)</p>	<p>1pI08 リノレン酸による花成遅延に関与する APETALA1 (AP1) の領域の同定 大野良子¹, 兒玉なつ美¹, 柳田元継¹, 小川健一^{1,2} (¹岡山生物研, ²JST, CREST)</p>	<p>1pJ08 動植物共通の免疫レセプターの安定化に必須な SGT1-HSP90複合体の立体構造及び機能解析 門田康弘¹, Marta Boter², Minghao Zhang², Beatrice Amigues⁴, Chrisostomos Prodromou³, Laurence Pearl⁴, Raphael Guerois⁴, 白須賢¹ (¹理研・PSC・植物免疫, ²The Sainsbury Laboratory, John Innes Centre, ³Section of Structural Biology, Institute of Cancer Research, ⁴SBFM-DBJC, CEA)</p>				15:15			
酸化ストレス										
<p>1pG09 ジエンターゲティングによるイネアントラニル酸合成酵素遺伝子の人為的改変 鎌賀啓明, 小野寺治子, 土岐精一 (生物研)</p>	<p>1pH09 「スーパープラント」-花の発達に従った脂質プロファイリングを可能にするシロイヌナズナの花の同調発達系 中村友輝¹, Siou Ting Gan¹, Guanghou Shui², 小泉遼太³, 太田啓之², Markus W Wenk^{4,1}, 伊藤寿朗¹ (¹Temasek Life Sciences Laboratory, ²Dep. Biochem. National Univ. Singapore, ³東工大・院生命, ⁴Dep. Biological Sci., National Univ. Singapore, ⁵東工大・バイオ研究基盤支援総合センター)</p>	<p>1pI09 選択的スプライシング制御機構におけるストレス応答性SRタンパク質atSR30およびatSR45aの機能解析 吉村和也¹, 田部記章², 森達也², 木村彩子², 重岡成² (¹中部大・応生・食栄, ²近畿大・農・バイオ)</p>	<p>1pJ09 ウイルス感染時における新規宿主因子 XYPPX repeat 遺伝子の機能解析 厚見剛, 上田一郎 (北大・農)</p>	15:30						
技術開発										
<p>1pG10 ジックフィンガーヌクレアーゼを用いた高等植物のゲノム遺伝子改変 刑部敦史, 土岐精一 (生物研, 遺伝子組換え技術)</p>	<p>1pH10 シロイヌナズナ ELO 相同因子の機能と細胞死との関連 角田智佳子¹, 長野稔¹, 内宮博文^{1,2}, 川合真紀^{1,3} (¹東大・分生研, ²若手生工研, ³埼玉大・理工)</p>	<p>1pI10 シロイヌナズナ ADP-ribose/NADH pyrophosphohydrolase, AtNUDX7, による poly (ADP-ribosylation) 反応の制御が酸化ストレス耐性に及ぼす影響 石川和也¹, 小川貴央², 吉村和也³, 重岡成^{1,2} (¹近畿大・院・バイオ, ²近畿大・農・バイオ, ³中部大・応用生物学)</p>	<p>1pJ10 イネウイルスは如何に宿主を乗り取り、宿主は如何にそれに抵抗しているか 佐藤浩二¹, 笹谷孝英², 近藤博明¹, 清水巧², Il-Ryong Choi³, 大村敏博², 菊池高志¹ (生物研, ²中央農研, ³国際イネ研究所)</p>	15:45						
<p>1pG11 機能誘導系を利用した新規転写因子過剰発現系統の作出と光低感受性変異体の単離と解析 近藤陽二¹, 吉積毅¹, 川島美香¹, 栗山朋子¹, 長谷川由果子¹, 武藤周², 光田展隆³, 瀧口裕子⁴他 (¹理研・PSC, ²NECソフト, ³産総研・ゲノムファクトリー研究部門)</p>	<p>1pH11 シロイヌナズナにおけるスフィンゴ脂質脂肪酸ヒドロキシラーゼの役割 長野稔¹, 内宮博文^{1,2}, 川合真紀^{1,3} (¹東大・分生研, ²若手生工研, ³埼玉大・理工)</p>	<p>1pI11 シロイヌナズナにおけるホスホマノースイソメラーゼの機能分化 丸田隆典¹, 田茂井政宏¹, 藪田行哲¹, 石川孝博², 重岡成¹ (¹近畿大院農・バイオ, ²鳥取大・農・生資源, ³鳥根大生資料・生命工)</p>	<p>1pJ11 タバコ MAPK である WIPK と SIPK はタバコモザイクウイルスの全身移行を抑制するがウイルス増殖は高める 瀬尾茂美¹, 平井克之^{1,2}, 小林光智衣¹, 加藤新平^{1,2}, 光原一朗¹, 飯哲夫¹, 大橋祐子¹ (¹農業生物資源研, ²京大院・理, ³信州大・国際若手育成拠点)</p>	16:00						
<p>1pG12 ヒメツリガネゴケの逆遺伝学的解析のための分子ツール 久保隆¹, 小栗康子¹, 小原真理¹, 秋田朝日¹, 今井章裕¹, 石川雅樹¹, 日渡祐二^{2,3}, 西山智明^{1,4}他 (JST・ERATO, ²基生研, ³総研大・生命科学, ⁴金沢大・学際)</p>	<p>1pH12 AtPSSI 遺伝子の雄性配偶子における役割と AtPSSI 酵素特性の解析 山岡靖佳¹, 濱井順哉², 齊藤恭子³, 西島正弘⁴, 西田生郎¹ (¹埼玉大・院・理工, ²国際農林水産業研究センター, ³国立感染症研究所)</p>	<p>1pI12 エチレンとサリチル酸はオゾン暴露されたシロイヌナズナにおいてグルタチオン合成を制御している 吉田征司¹, 玉置雅紀^{1,2}, 佐治光², 青野光子², 久保明弘², 中嶋信実² (¹筑波大学大学院, ²国立環境研究所)</p>	<p>1pJ12 リボフラビン合成は植物免疫応答に関与する 浅井秀太, 間瀬圭介, 吉岡博文 (名大院・生農)</p>	16:15						

● 第 1 日 3月21日(土) 午後

時 間	A会場	B会場	C会場	D会場	E会場	F会場
16:30	<p>1pA13 発芽後の成長および器官サイズ制御における <i>FUGU5/AVP1</i> の役割 Ali Ferjani¹, 武藤由香理², 堀口吾朗³, 前島正義², 塚谷裕一^{4,5} (1東京学芸大・教育・生命, 2名大・院・生命農, 3立教大・理・生命理, 4東大・院・理, 5基生研)</p>	<p>1pB13 担子菌由来のラッカーゼが植物の形態形成に及ぼす影響 吉川海輝¹, Nasrin Zannatul¹, 園木和典², 飯村洋介³, 佐藤かんな¹, 片山義博¹, 梶田真也¹ (1東京農工大・生物システム応用科学府, 2弘前大・農生, 3産総研)</p>	<p>1pC13 rRNA プロセッシングに関わるシロイヌナズナの新規核小体因子 RID2 の解析 大林祝, 杉山宗隆 (東大・院・理・植物園)</p>	<p>1pD13 シロイヌナズナ斑入り変異体の葉緑体における活性酸素生成と病原細菌抵抗性 三浦栄子¹, 加藤裕介¹, 坂本亘¹, 一瀬勇規² (1岡山大・資生研, 2岡山大院・自然科学)</p>	<p>1pE13 ミヤコグサにおける根粒形成は R/FR 比受容反応である 鈴木章弘¹, Lalith Suriyagoda¹, 富永見好¹, 平塚芳美¹, 佐々木雅代¹, 東江栄¹, 内海俊樹², 阿部美紀子² 他 (1佐賀大・農, 2鹿児島大・理, 3宮崎大・フロンティア, 4理研植物科学, 5かずさ DNA 研究所)</p>	<p>1pF13 マメ科モデル植物ミヤコグサの窒素固定活性発現に関わる変異体 <i>LjSym102</i> の解析 山谷敏子¹, 箱山雅生¹, 佐藤修正², 金子貴一², 柴田哲¹, 長谷純宏², 田中淳², 川口正代司¹ 他 (1生物研, 2かずさ DNA 研究所, 3日本原子力研究開発機構, 4東大・農, 5愛教大)</p>
16:45	<p>1pA14 CRE/Lox システムにより誘導した <i>KRP2</i> モザイク葉における補償作用の解析 川出健介¹, 堀口吾朗², 塚谷裕一^{3,4} (1東大・院・理, 2立教大・理・生命理, 3基生研)</p>	<p>1pB14 シロイヌナズナ葉のタペト細胞特異的に働くプロモーターの探索と解析 鈴木俊哉, 中村研三, 石黒澄衛 (名大院・生命農)</p>	<p>1pC14 シロイヌナズナの新規プロモドオキシウリジン耐性変異体 <i>bro3</i> および <i>bro4</i> の解析 今村建樹, 杉山宗隆 (東京大院・理・植物園)</p>	<p>1pD14 花粉においてオルガネラ DNA の分解を担う遺伝子の単離と解析 松島良¹, Lay Yin Tang¹, 蘇都莫日根¹, David Twell¹, 坂本亘¹ (1岡山大・資源生物科学研究所, 2北京大学・生命科学学院, 3レスター大学・生物学部)</p>	<p>1pE14 葉緑体の発達を制御するイネ転写因子 <i>OsGLK1</i> および <i>OsGLK2</i> の機能解析 村松昌幸¹, 中村英光^{1,2}, 廣瀬文昭¹, 羽方誠³, 稲垣言要¹, 上野修^{1,4}, 長村吉見¹, 廣近洋彦¹ 他 (1農業生物資源研, 2東大院・農学生命, 3中央農研, 4九大院)</p>	<p>1pF14 共生窒素固定に必要なミヤコグサ <i>FEN1</i> タンパク質の機能解析 箱山雅生^{1,6}, 新實香緒里¹, 渡辺博和¹, 田畑亮平¹, 松原潤一¹, 佐藤修正², 中村保一², 田畑哲之² 他 (1愛教大, 2かずさ DNA 研, 3名大・院理, 4農環研, 5東北大・院生命科学, 6生物研, 7東大・院理)</p>
17:00	<p>1pA15 <i>ROT4</i> ペプチドはシロイヌナズナの成長をいかに制御するのか 池内桃子¹, 山口貴大², 堀口吾朗³, 塚谷裕一^{1,2} (1東大院・理, 2基生研, 3立教大院・理)</p>	<p>1pB15 ライブイメージングによる重複受精機構の解析 浜村有希¹, 齊藤知恵子², 金岡雅浩¹, 佐々木成江¹, 東山哲也^{1,3} (1名古屋大学・院・理, 2理研・中野生体膜, 3JST・さきかけ)</p>	<p>1pC15 スプライセオソームの構成因子と相同性を持つシロイヌナズナ <i>SD5</i> の欠損は、細胞増殖の抑制を引き起こす 吉積毅¹, 本郷洋明^{1,3}, 黒森崇², 井村優子², 神谷麻子², 島田浩章², 松井南¹ (1理研 PSC・植物ゲノム, 2理研 PSC・機能開発研究, 3東京理科大・生物工)</p>		<p>1pE15 イネ <i>phyB</i> 変異株が示す薄緑葉表現型の分子機構の解析 稲垣言要¹, 木下圭祐^{1,2}, 田中夢², 島田浩章², 高野誠¹ (1生物研・光環境, 2東京理大院・基礎工, 3北大・低温研)</p>	<p>1pF15 塩ストレスが誘導するミヤコグサの根粒共生阻害に対する brassinosteroid の相乗的な効果 園本繁久¹, 二反田康秀¹, 吉満勇也¹, 内海俊樹², 九町健一², 阿部美紀子², 浅見忠男³, 吉田茂男⁴ 他 (1鹿児島大・農, 2鹿児島大・理, 3東京大院・農, 4理研, 5京都府大・人環)</p>
17:15		<p>1pB16 <i>MYB98::GFP</i> 可視スクリーニングによる植物の生殖に必要な遺伝子群の同定 笠原章四郎¹, 樺原卓¹, 東山哲也^{1,2} (1名大院・理, 2JST・さきかけ)</p>			<p>1pE16 乾燥ストレス条件下で発現が抑制されるイネの <i>OsPIF1</i> 遺伝子の機能解析 巨高大輔¹, 中島一雄², 松倉智子^{1,2}, 伊藤裕介², 高木優³, 篠崎一雄⁴, 篠崎和子^{1,2} (1東大院・農学生命科学, 2国際農研・生物資源, 3産総研・ゲノムファクトリー, 4理研・植物科学セ)</p>	<p>1pF16 宿主由来根粒特異的ペプチドと根粒菌のバクテロイド化 内海俊樹¹, Peter Mergaert², Willem Van de Velde², Benoit Alunni², Grigor Zehirov³, 石原寛信⁴, Eva Kondorosí², 九町健一¹ 他 (1鹿児島大・理, 2ISV-CNRS, France, 3BAS, Bulgaria, 4鹿児島大院・理工)</p>
17:30		<p>1pB17 雌性配偶体細胞の細胞個性獲得に関する顕微分子解析 須崎大地¹, 大塚蔵嵩², 金岡雅浩¹, 佐々木成江¹, 東山哲也^{1,3} (1名大院・理, 2東大院・理, 3JST・さきかけ)</p>			<p>1pE17 シロイヌナズナの伸長成長における PIF4 を介した温度・光シグナルのクロストーク 小川岳人, 高橋陽介, 古本強 (広島大院・理)</p>	<p>1pF17 ダイズ共生窒素固定に関与する金属シャペロンの機能解析 野村美加¹, Arunothayanan Hatthaya¹, Van Dao Tan¹, 野田朱花¹, 南澤亮², 板倉学², 田島茂行¹ (1香川大・農, 2東北大院・生命科)</p>
17:45		<p>1pB18 サゼンソウの発熟ステージ移行にともなう生殖器官の発達とオルガネラダイナミクス 稲葉靖子¹, 飛田耶馬人¹, 増子潤美², 渡辺正夫^{2,3}, 稲葉丈人³ (1岩手大・農・寒冷バイオ, 2東北大・生命科学, 3岩手大・21世紀 COE プログラム)</p>			<p>1pE18 シロイヌナズナの遮陰応答における器官・組織間光シグナル伝達 小林淳子, 小塚俊明, 望月伸悦, 長谷あきら (京大院・理)</p>	

● 第2日 3月22日(日) 午前

時間	A会場	B会場	C会場	D会場	E会場	F会場
	植物ホルモン・成長調節物質 1	光周性・リズム・時計 1	転写制御	オルガネラ 3	光受容体・光応答 2	シアノバクテリア
9:00	2aA01 ジベレリン受容体の立体構造を基にした分子進化と基質特異性の解析 島田麻子 ¹ , 上口(田中)美弥子 ¹ , 中津亨 ^{2,3} , 中嶋正敏 ⁴ , 直江洋一 ² , 大宮博子 ¹ , 加藤博章 ^{2,3} , 松岡信 ¹ (名大・生物機能開発利用研究センター, ² 京大院・薬, ³ 理研・播磨, ⁴ 東大院・農生科)	2aB01 シアノバクテリア <i>Synechococcus elongatus</i> PCC 7942における遺伝子発現リズム出力機構の解明 谷口靖人 ¹ , 高井直樹 ¹ , 片山光徳 ³ , 近藤孝男 ¹ , 小山時隆 ² (¹ 名大・理・生命, ² 京都大・理・植物, ³ 日大・生産工)	2aC01 シロイヌナズナのトライコム形成におけるGL3とGL1を中心とした転写制御ネットワークの解明 諸橋賢吾 ¹ , Erich Grotewold ^{1,2} (¹ オハイオ州立大学・植物細胞分子, ² オハイオ州立大学・数理生物学)	2aD01 ミトコンドリアのRNA編集に働くDYWドメインをもつPPRタンパク質 田崎瑛示, 青木良見, 杉田護(名大・遺伝子)	2aE01 苔類ゼニゴケのフィトクロムを介する光応答 保坂将志, 片岡秀夫, 石崎公庸, 大和勝幸, 河内孝之(京大院・生命)	2aF01 <i>Synechococcus elongatus</i> PCC 7942におけるグリコーゲン分解代謝 鈴木英治, 阿部夏子, 足利翼, 石川理美, 中村保典(秋田県大・生物資源)
9:15	2aA02 イネのジベレリンシグナル伝達の初期過程にかかわるGID1, SLR1, GID2の相互作用 平野恒, 辻寛之, 上口(田中)美弥子, 松岡信(名大・生物機能開発利用研究センター)	2aB02 単細胞クラミドモナスにおいてルシフェラーゼレポーターの概日リズムは転写後に調節される 丹羽由実, 松尾拓哉, 立川誠, 小内清, 石浦正寛(名古屋大学・理)	2aC02 シロイヌナズナの新規転写制御因子 EDM2 による免疫反応と発生過程の制御 土屋徳司, オルガムトーマス(カリフォルニア大リバーサイド・植物)	2aD02 葉緑体におけるDYWモチーフを持つPPRタンパク質の多様化した機能 奥田賢治 ¹ , Anne-Laure Chateigner-Boutin ² , 中村崇裕 ³ , Etienne Delannoy ² , 杉田護 ⁴ , 明賀史純 ⁵ , 本橋令子 ⁶ , 篠崎一雄 ⁷ 他(¹ 京大・理, ² ARC Center of Excellence in Plant Energy Biology, University of Western Australia, ³ 九大院・農, ⁴ 名大・遺伝子, ⁵ 理研・植物科学研究センター, ⁶ 静岡大・農)	2aE02 Phytochrome BのN末端領域内の結び目構造はPIF3との相互作用に関わる 園義人 ^{1,2} , Elise Kikis ¹ , Matthew Hudson ³ , 長谷あきら ⁴ , Peter Quail ¹ (カリフォルニア大バークレイ校/PGEC, ² 京大院・理, ³ National Soybean Research Center)	2aF02 Oligomeric states and Hetero-oligomeric Interaction of Cyanobacterial GroEL Homologues Saaimatul Hug, Hitoshi Nakamoto (Department of Biochemistry and Molecular Biology, Saitama University)
9:30	2aA03 gid2変異体における、SLR1タンパク質分解を伴わないGAシグナルの脱抑制 上口(田中)美弥子, 平野恒, 長谷川慶子, 北野英巳, 松岡信(名大・生物機能開発利用研究センター)	2aB03 ヒメツリガネゴケにおけるCCA1/LHY相同遺伝子PpCCA1aとPpCCA1bの機能解析 岡田龍, サントーシュB, サトバイ, 近藤紗代, 青木撰之(名大院・情報科学)	2aC03 セリン残基のICE1活性化における役割 太田賢 ¹ , Paul M Hasegawa ² , 三浦謙治 ¹ (筑波大学・生命環境科学研究科, ² Center for Plant Environmental Stress Physiology, Purdue University)	2aD03 シロイヌナズナRPOTp(RPOT;3)と高い発現相関性がある遺伝子の生理・分子機能 山本俊佐, 能勢琢也, 宇野知秀, 山形裕士, 金丸研吾(神大院・農)	2aE03 PHYTOCHROME KINASE SUBSTRATE (PKS) 1とPKS4はフィトクロムおよびフォトトロピン1依存の屈性反応に関与する 嘉美千歳, Christian Fankhauser (Center for Integrative Genomics, University of Lausanne, Switzerland)	2aF03 ラン藻 <i>Synechococcus elongatus</i> PCC 6301のrplKAL/Oペロンの下流に存在する低分子RNAは遺伝子ファミリーを形成している 杉田千恵子, 杉田護(名大・遺伝子)
9:45	2aA04 ジベレリンとその受容体、およびDELLAタンパク質複合体の結晶構造 村瀬浩司 ¹ , 平野良憲 ¹ , Tai-ping Sun ² , 箱嶋敏雄 ¹ (¹ 奈良先端大・情報, ² Duke Univ.)	2aB04 Characterization of the PRR (Pseudo-Response Regulator) Genes in the Moss <i>Physcomitrella patens</i> . Santosh Satbhai, Ryo Okada, Yuki Tezuka, Setsuyuki Aoki (Graduate School of Information Science, Nagoya University, Furo-cho, Chikusa-ku, Nagoya 464-8601, Japan.)	2aC04 ストレス誘導性遺伝子の再吸水過程における転写とヒストン修飾の変化 金鐘明 ¹ , 藤泰子 ¹ , 栗原志夫 ¹ , 松井章浩 ¹ , 石田順子 ² , 諸沢妙子 ¹ , 川嶋真貴子 ¹ , 木村宏 ² 他(¹ 理研PSC・植物ゲノム発現, ² 阪大院生命機能, ³ 理研BASE, ⁴ 理研PSC・機能開発, ⁵ 横浜市大院・木原研)	2aD04 シロイヌナズナRPOTmp (RPOT;2)の生理・分子機能 李棟梁, 宇野知秀, 山形裕士, 金丸研吾(神大院・農)	2aE04 イネ幼葉鞘の光屈性におけるフォトトロピン信号伝達系と光量反応曲線の因果関係 張博, 飯野盛利(大阪市大院・理・附属植物園)	2aF04 ラン藻のCbbRホモログによる2-ホスホグリコール酸を介したCCM関連遺伝子群の転写制御機構 西村崇史, 岡田友子, 前田真一, 小俣達男(名古屋大院・生命農)
10:00	2aA05 新奇ジベレリン信号伝達因子GAF1の機能解析 深澤壽太郎 ^{1,2,3} , 村越悟 ² , 寺村浩 ² , 那須野慶 ² , 西田尚敬 ² , 吉田充輝 ² , 神谷勇治 ¹ , 山口信次郎 ¹ 他(¹ 理研・PSC, ² 東理大・基礎工, ³ 広島大・理)	2aB05 シロイヌナズナ時計関連遺伝子の解析による概日時計機構モデルに関する考察 伊藤照悟, 川村英彰, 丹羽悠介, 中道範人, 山篠貴史, 水野猛(名古屋大院・生命農)	2aC05 EAR転写抑制ドメインを用いたtransrepressionによるタンパク質間相互作用の検出 松井恭子, 高木優(産業技術総合研究所 ゲノムファクトリー研究部門)	2aD05 単細胞紅藻 <i>Cyanidioschyzon merolae</i> の葉緑体における光応答転写制御に関わる二成分制御系の役割 安岡光正 ^{1,2} , 川上隆之 ¹ , 今村壮輔 ¹ , 田中寛 ^{1,2} (¹ 東大・分生研, ² 千葉大・園芸)	2aE05 シロイヌナズナphot2 LOV2ドメインの光シグナル伝達に関わる二つのアミノ酸柱ひとみ ¹ , 鍋野美香 ⁴ , 末次憲之 ^{2,3} , 直原一徳 ¹ , 桜井実 ⁴ , 徳富哲 ¹ (大阪府立大学・理, ² 九州大学・理, ³ 基生研・理, ⁴ 東工大・生命理工)	2aF05 光化学系I遺伝子発現におけるRpaA関与の検討 緑川貴文 ¹ , 成川礼 ¹ , 池内昌彦 ^{1,2} (¹ 東大院・理・生物科学, ² 東大院・総合文化)
10:15	2aA06 転写因子AtRSGによるGA生合成酵素遺伝子の転写制御機構の解析 伊藤岳 ¹ , 渡邊哲史 ¹ , 竹尾絃一 ¹ , 山口理絵 ¹ , 深澤壽太郎 ² , 高橋陽介 ¹ (¹ 広島大・理, ² 理研・PSC)	2aB06 シロイヌナズナの擬似レスポンスレギュレーター分子PRRファミリーは、明暗、温度サイクルに同調した概日リズムの生成に必須である 山篠貴史, 伊藤照悟, 丹羽悠介, 園広篤史, 中道範人, 水野猛(名古屋大院・生命農)	2aC06 植物特異的なTFIIB相同蛋白質pBrpはRNAポリメラーゼIの基本転写因子である 今村壮輔 ¹ , 華岡光正 ^{1,2} , 田中寛 ^{1,2} (¹ 東大・分生研, ² 千葉大・園芸)	2aD06 プラスチドDNAはrRNAオペロンの下流領域に複製フォーク障壁をもつ 千代田将大, 石崎公庸, 大和勝幸, 河内孝之(京大・生命)	2aE06 葉緑体の運動速度を制御するタンパク質複合体 児玉豊, 末次憲之, 和田正三(九州大・理)	2aF06 シアノバクテリア時計タンパク質のATP加水分解がみだす概日時計発振メカニズム解析 寺内一輝 ¹ , 岩田智成 ¹ , 角田明奈 ¹ , 近藤孝男 ^{1,2} (¹ 名古屋大・理・生命理学, ² JST・CREST)

G会場	H会場	I会場	J会場	K会場	L会場	M会場	時 間
<p>プロテオーム</p> <p>2aG01 シロイヌナズナおよびイネにおけるリン酸化部位の大規模解析 (リン酸化プロテオミクス) 中神弘史¹, 杉山直幸², 持田恵一¹, Arsalan Daudi¹, 富田勝², 石濱泰², 白須賢¹ (理研・PSC, ²慶大・先端生命研)</p>	<p>乾燥・水分・浸透圧</p> <p>2aH01 ムジナモ捕虫葉の閉合運動におけるCa²⁺の役割 安井悦子¹, 筒井泉雄², 深城英弘¹, 三村徹郎¹ (神戸大 院 理, ²一橋大 商)</p>	<p>細胞内輸送・蓄積・分泌 1</p> <p>2aI01 遺伝子共発現解析によるシロイヌナズナ・アントシアニン糖転移酵素遺伝子の機能同定 樽原圭子¹, 井上恵理¹, 松田史生¹, Bunyapa Wangwattana², 山崎真巳², 斉藤和季¹² (理研・植物科学研究センター, ²千葉大院・薬)</p>	<p>病虫害応答・傷害応答 3</p> <p>2aJ01 bZIP型転写因子OsTGAPによるイネモミラクソン生成遺伝子クラスターの同調的な発現制御 岡田敦¹, 岡田憲典¹, 澁谷直人², 古賀仁一郎², 野尻秀昭¹, 山根久和¹ (¹東大生物工学セ, ²明大・農, ³明治製菓)</p>	シンポジウム 6 植物の発生・細胞分化におけるキーププロセス	シンポジウム 7 神秘の生理活性物質ホリアミンの植物におけるはたらき	シンポジウム 8 植物をシステムとして捉える…植物らしさとは何か?	9:00
<p>メタボローム</p> <p>2aG02 植物インタクト液胞のポストゲノム解析 大西美輪¹², 原田和生³, 及川彰⁴, 姉川彩¹², 小田祥久⁵, 中山泰宗⁶, 七條千津子¹², 深城英弘¹²他 (神戸大院・理, ²JST-CREST, ³阪大院・薬, ⁴理研・PSC, ⁵東大院・理, ⁶阪大院・工, ⁷兵庫県立大・環境人間, ⁸Department of Chemistry and Biochemistry, Old Dominion Univ.)</p>	<p>2aH02 シロイヌナズナ LOV Kelch Protein 2 (LKP2) 過剰発現による遺伝子発現の変化とストレス耐性 宮崎裕士¹, 高瀬 智敬², 安部洋³, 吉積毅⁴, 黒田浩文⁴, 松井南⁴, 小林正智⁵, 清未知宏² (愛媛大院・連農, ³香川大・総合生命, ²理研・BRC, ⁴理研・PSC)</p>	<p>2aI02 シロイヌナズナの浸透圧ストレス誘導性単糖トランスポーターの機能解析 山田晃暉¹², 刑部祐里子¹, 溝井順哉², 篠崎一雄², 篠崎和子¹² (東大院・農学生命科学, ²国際農研・生物資源, ³理研・植物科学セ)</p>	<p>2aJ02 白葉枯病圃場抵抗性関連遺伝子xc20の単離及び解析 青木秀之¹, 山元剛¹, 宮尾安藝雄², 廣近洋彦², 矢頭治¹ (中央農研, ²農業生物資源研究所)</p>				9:15
<p>2aG03 シロイヌナズナ単離液胞代謝物のLC-FTICR-MS分析データに基づく包括的アノテーション 佐々木亮介¹⁴, 大西美輪²⁴, 姉川綾²⁴, 杉山裕子³⁴, 飯島陽子¹⁴, 櫻井望¹⁴, 柴田大輔¹, 三村徹郎²⁴他 (財)かずさDNA研究所, ²神戸大・理, ³兵庫県立大, ⁴CREST)</p>	<p>2aH03 根の水分屈性制御遺伝子MIZ1の光による発現制御 森脇哲平, 小林啓恵, 宮沢豊, 藤井伸治, 高橋秀幸 (東北大・院・生命科学)</p>	<p>2aI03 スペインカンゾウ培養細胞を用いたグリチルリチン輸送機能の解析 加藤重己¹, 寺坂和祥¹, 林宏明², 水上元¹ (名市大院・薬, ²岩手医大・薬)</p>	<p>2aJ03 Ptila interacting kinase1 (Pik1) はROSシグナルを介して耐病性を正に制御する因子である 松井英謙, 山崎宗郎, 加見光子, 宮尾安藝雄, 高橋章, 廣近洋彦 (生物研)</p>				9:30
<p>2aG04 単一細胞・単一液胞メタボロミクス 及川彰¹, 松田史生², 三村徹郎³⁴, 斉藤和季²⁵ (理研P S C 鶴岡, ²理研PSC 横浜, ³神戸大・理, ⁴JST-CREST, ⁵千葉大・薬)</p>	<p>2aH04 シロイヌナズナのストレス応答に関与するジンクフィンガー型転写因子の機能解析 小平憲祐¹², トラン・ラム・ソン・ファン², 圓山恭之進², 藤田泰成², 秦峰², 坂本秀樹², 篠崎一雄², 篠崎和子¹² (東大院・農学生命科学, ²国際農研・生物資源, ³理研・植物科学セ)</p>	<p>2aI04 輸送シグナルに依存したホウ酸トランスポーターのエンドサイトーシスと極性輸送 高野順平¹, 豊田敦至², 笠井光治², 三輪京子², 富士健太郎², 尾之内均¹, 藤原徹²³, 内藤哲⁴ (北大・農, ²東大・生セ, ³SORST, JST, ⁴北大・先端生命)</p>	<p>2aJ04 イネエリシター応答性MAPKカスケードにより誘導される防御応答反応とその調節機構の解析 加見光子¹, 岡田和憲³, 村上真也², 梅澤俊明¹, 山根久和¹, 高橋章¹, 廣近洋彦¹ (農業生物資源研究所, ²京大・生存研, ³東大・生物工学セ)</p>				9:45
<p>2aG05 シロイヌナズナ二次代謝産物の部位別プロファイルデータベース AtMetExpress Developmentの構築 松田史生¹, 秋山顕治¹, 佐々木江理子¹, 嶋田幸久¹, 櫻井哲也¹, 斉藤和季¹² (理研PSC, ²千葉大院・薬)</p>	<p>2aH05 イネの環境ストレス誘導性NACファミリーに属するOsNAC5の解析 高崎寛則¹², 中島一雄¹, 圓山恭之進¹, 城所聡¹², 伊藤裕介¹, 篠崎一雄¹, 篠崎和子¹² (国際農研・生物資源, ²東大院・農学生命科学, ³理研・植物科学セ)</p>	<p>2aI05 ホウ酸トランスポーターBOR1分解に関わる制御因子の同定 富士健太郎¹, 高野順平¹, 竹本仁子², 森田 (寺尾) 美代², 西村いくこ³, 藤原徹¹⁴ (東大・生セ, ²奈良先端大・バイオ, ³京大院・理, ⁴SORST, JST)</p>	<p>2aJ05 イネ穂いもち抵抗性遺伝子Pb1の単離と発現特性 林長生¹, 早野由里子², 加藤恭宏³, 城田雅毅², 船生岳人³, 清水武彦⁴, 井上晴彦¹, 高辻博志¹ (生物研, ²農研機構・北海道農研, ³愛知県農総試, ⁴農林水産先端技術研究所)</p>				10:00
<p>2aG06 LCMSを用いた植物のリピドミクス解析系と脂質合成新規遺伝子機能同定への応用 岡咲洋三¹, 下嶋美恵², 澤田有司¹³, 豊岡公徳¹, 成澤知子¹, 持田恵一¹, 田中宏憲², 松田史生¹他 (理研・PSC, ²東工大・生命理工, ³JST-CREST, ⁴東工大・バイオ研究基盤支援総合センター, ⁵千葉大院・薬)</p>	<p>2aH06 イネの環境ストレス応答に関与する転写因子OsDREB2Bの機能解析 松倉智子¹², 吉田拓実¹, 戸高大輔¹, 溝井順哉², 伊藤裕介², 圓山恭之進², 篠崎一雄³, 篠崎和子¹² (東大院・農学生命科学, ²国際農研・生物資源, ³理研・植物科学セ)</p>	<p>2aI06 Qb-SNARE ZIG/VTI11欠損変異を抑制するzig suppressor4の遺伝学的解析 竹本仁子¹, 橋口泰子², 新濱充³, 田坂昌生¹, 森田 (寺尾) 美代¹⁴ (奈良先端大・バイオ, ²九州大院・理, ³遺伝研, ⁴科学技術振興機構・さきがけ)</p>	<p>2aJ06 穂いもち抵抗性遺伝子Pb1下流の防御応答シグナル伝達の解析 井上晴彦, 林長生, 松下茜, 中山明, 菅野正治, 姜昌杰, 高辻博志 (農業生物資源研究所)</p>				10:15

● 第2日 3月22日(日) 午前

時間	A会場	B会場	C会場	D会場	E会場	F会場
10:30	<p>2aA07 栄養飢餓条件下におけるイネのストロゴラクトン生産とシュート分枝の関係 梅原三貴久¹, 花田篤志¹, 吉田聡子¹, 秋山康紀², 有手友嗣³, 武田(神谷)紀子¹, 真龍洋¹, 神谷勇治⁴他¹(¹理研・PSC, ²大阪府立大・生命環境, ³東大院・農, ⁴宇都宮大・WSC)</p>	<p>2aB07 シロイヌナズナにおける光周期(季節)に依存した胚軸伸長を制御する概日時計機構 丹羽悠介, 国広篤史, 山篠貴史, 水野猛(名古屋大・生命農)</p>	<p>2aC07 オオムギアルミニウム活性型クエン酸トランスポーター遺伝子(<i>HvAACT1</i>)の発現調節機構に関する研究 藤井美帆, 山地直樹, 佐藤和広, 馬建鋒(岡大資生研)</p>	<p>2aD07 シロイヌナズナ切雑葉におけるRubisco-containing body(RCB)の形成に影響を及ぼす要因の解析 泉正範, 石田宏幸, 牧野周(東北大院・農)</p>	<p>2aE07 ホスファチジン酸は青色光による気孔開口を阻害する 武宮淳史, 島崎研一郎(九大院・理)</p>	<p>2aF07 変異株のクロロフィル蛍光から機能を推定できる遺伝子群とその特徴 尾崎洋史, 園池公毅(東京大・新領域)</p>
10:45	<p>2aA08 ストロゴラクトンの生産・分泌を制御するシグナル 米山香織¹, 関本均², 竹内安智¹, 米山弘一¹(¹宇都宮大・雑草研, ²宇都宮大・農)</p>	<p>2aB08 シロイヌナズナ時計変異体のアレイン解析 中道範人^{1,2}, 草野都¹, 福島敦史¹, 伊藤照悟³, 山篠貴史³, 北雅規³, 斉藤和季^{1,4}, 榎原均¹他¹(¹理研・植物科学センター, ²名古屋大・院生命理, ³名古屋大・院生命農, ⁴千葉大・院薬)</p>	<p>2aC08 鉄欠乏応答性シスエレメントIDE2に結合する新規NAC型転写因子IDEF2の単離と解析 小郷裕子¹, 小林高範¹, 板井玲子¹, 中西啓仁¹, 眞雄介¹, 高橋美智子¹, 土岐精一², 森敏⁴他¹(¹東大農, ²農業生物資源研究所)</p>	<p>2aD08 シロイヌナズナ個別暗処理葉におけるオートファジーに依存した葉緑体の分解 和田慎也¹, 石田宏幸¹, 吉本光希², 大隅良典³, 前忠彦², 牧野周¹(¹東北大院・農, ²理研, ³基生研)</p>	<p>2aE08 気孔開度変異体<i>scs1</i>の原因遺伝子の同定と機能解析 木下俊則^{1,2}, 森本小百合¹, 小野奈津子³, 井上晋一郎³, 中野雄司⁴, 島崎研一郎³(¹名古屋大・院理・生命理学, ²JST・さきかけ, ³九州大・院理・生物科学, ⁴理研・中央研・植物化学)</p>	<p>2aF08 アナベナチラコイド膜の栄養環境依存性の顕微蛍光スベクトル解析 藪田光教, 長谷川慎, 寺嶋正秀, 熊崎茂一(京大院・理)</p>
11:00		<p>2aB09 シロイヌナズナPSEUDO RESPONSE REGULATOR (PRR)ファミリータンパク質のリン酸化修飾を介した概日時計の制御機構 藤原すみれ^{1,2}, Lei Wang¹, Linqu Han¹, Sung-Suk Suh¹, Patrice A. Salome³, C. Robertson McClung², David E. Somers¹(¹Ohio State Univ, USA, ²(独)理化学研究所PSC, ³Dartmouth College, USA)</p>	<p>2aC09 マイクロアレインを利用したシスエレメント予測プログラム(MAMA)の開発とイネ鉄欠乏誘導性遺伝子への応用 眞雄介, 小林高範, 小郷裕子, 板井玲子, 高橋美智子, 中西啓仁, 森敏, 西澤直子(東大院)</p>			<p>2aF09 <i>Nostoc</i>属シアノバクテリア-植物共生系の進化 富谷朋子¹, Paula S. Duggan², David G. Adams²(¹(独)海洋研究開発機構・地球内部変動研究センター, ²リーズ大・生物)</p>
11:15			<p>2aC10 クラミドモナスの高CO₂応答性シスエレメントの解析 馬場将人¹, 塙優², 鈴木石根¹, 白岩善博¹(¹筑波大院・生命環境, ²産総研・特許生物寄託センター)</p>			
11:30			<p>2aC11 ヒメツリガネゴケのD of 転写因子の機能解析 杉山巧¹, 執行美香保¹, 田部井信充¹, 米山忠克¹, 柳澤修一^{1,2}(¹東大院・農学生命科学, ²CREST, JST)</p>			
11:45			<p>2aC12 ハツカダイコン<i>Gml1</i>:1遺伝子周辺の染色体高次構造が引き起こす形態異常について 渡辺明夫, 佐藤奈美子, 高橋秀和, 櫻井健二, 赤木宏守(秋田県立大・生物資源科学)</p>			

● 第3日 3月23日(月) 午前

時間	A会場	B会場	C会場	D会場	E会場	F会場
	植物ホルモン・成長調節物質2	栄養器官の発生・分化3	成長制御	光周性・リズム・時計2	光合成色素・光捕集系	電子伝達系・呼吸
9:00	3aA01 花粉管に誘引物質応答能を与える母体因子AMORの解析 水上茜 ¹ , 清水理恵 ² , 小竹敬久 ³ , 円谷陽一 ³ , 森仁志 ⁴ , 金岡雅浩 ¹ , 佐々木成江 ¹ , 東山哲也 ^{1,5} (1名大院・理, 2Fac. of Sci., Zurich Univ, 3埼玉大院・理, 4名大院・生命農, 5JST・さきがけ)	3aB01 シロイヌナズナの葉の気孔形成におけるEPF1とMUTE、EPF2とSPEECHLESSの発現制御関係の解析 榎尾俊哉 ¹ , 原健太 ¹ , 大西毅明 ¹ , 鳥居啓子 ² , 柿本辰男 ¹ (1阪大・院・理, 2ワシントン大学・生物)	3aC01 シロイヌナズナにおけるオーキシン反応と生長に及ぼす低温ストレスの影響 柴崎杏平 ¹ , 上村松生 ¹ , 鶴見誠二 ² , Abidur Rahman ¹ (1岩手大学・農, 2神戸大学・理)	3aD01 シロイヌナズナの概日時計制御因子LHYとCCA1を介した花成制御と器官伸長制御におけるPTAIの役割 富田佳奈 ¹ , 小田篤 ^{1,2} , 溝口剛 ¹ (1筑波大, 2農研機構花き研)	3aE01 酵素パルバインによる効率的なChl a → Chl d変換 園田尚紀 ¹ , 大橋俊介 ¹ , 岩本浩二 ² , 白岩善博 ² , 宮下英明 ² , 小林正美 ³ (1筑波大学物質工科学系, 2筑波大学生物科学系, 3京都大学大学院人間・環境学研究所)	3aF01 Two novel NDH subunits were identified by proteomics and genetics approach Lianwei Peng ¹ , Yoichiro Fukao ² , Masayuki Fujiwara ² , Toshiharu Shikanai ¹ (1Department of Botany, Graduate School of Science, Kyoto University, 2Graduate School of Biological Sciences, Nara Institute of Science and Technology)
9:15	3aA02 DnaJはACC合成酵素タンパク質の安定性を変化させることによりエチレン生合成を調節する 棚瀬幸司 ^{1,2} , Hyun Sook Chae ¹ , Gyeong Mee Yoon ¹ , Maureen Hansen ¹ , Joseph J. Kieber ¹ (1ノースカロライナ大, 2農研機構・花き研)	3aB02 気孔分化を促進する新規の分泌性ペプチド 萱野茂夫, 今井悠, 嶋田知生, 西村いくこ (京大院・理)	3aC02 シロイヌナズナ <i>acaulis1-1</i> 変異体において単離された逆位は <i>acaulis1-1</i> 表現型をエンハンスする 鎌田直子, 米田好文 (東大院・理)	3aD02 <i>betanko5 (pta5)</i> 変異は恒明条件下で概日時計遺伝子LHYとCCA1の二重変異体に見られる花成遅延と葉柄・胚軸長の短縮形質を増強する 鈴木俊二 ¹ , 宮田佳奈 ¹ , 小田篤 ^{1,2} , 溝口剛 ¹ (1筑波大, 2農研機構花き研)	3aE02 ニトロゲナーゼ類似型プロトクロロフィリド還元酵素の触媒コンポーネントNB-蛋白質の立体構造に基づく立体特異的なD環二重結合還元機構 野亦次郎 ¹ , 張本順平 ¹ , 村木則文 ² , 溝口正 ² , 民秋均 ² , 栗栖源嗣 ² , 藤田祐一 ^{1,4} (1名大院・生命農, 2東大院・総合文化, 3立命館大・理工, 4JST・さきがけ)	3aF02 HPLCによるPQ・UQレドックスの同時分析とAOX欠損による影響 吉田啓亮 ¹ , 秋田駿介 ² , 柴田勝 ³ , 寺島一郎 ³ , 野口航 ¹ (1東京大・理, 2長岡高専・物質)
9:30	3aA03 エチレン生合成調節におけるプロテインホスファターゼ2Aの調節サブユニットRCN1の機能解析 上吉原裕亮, 森仁志 (名大院生命農)	3aB03 CLV3シグナリングの分子機構の解析 別役重之 ¹ , 三輪大樹 ¹ , 黒森孝 ² , 篠崎一雄 ² , 鈴木昭徳 ² , 高橋英樹 ² , 福田裕穂 ¹ , 澤進一郎 ¹ (1東京大・理・生物, 2理研・植物科学センター)	3aC03 水分屈性突然変異体 <i>miz2</i> の変異原因遺伝子はGNOMをコードしている 宮沢豊, 高橋あき子, 小林啓生, 藤井伸治, 高橋秀幸 (東北大・院・生命科学)	3aD03 Characterization of suppressors and enhancer of a clock mutation <i>early flowering 3 (elf3)</i> in <i>Arabidopsis</i> Rim Nefssi ^{1,3} , Kana Miyata ¹ , Atsushi Oda ^{1,4} , Yu Natsui ¹ , Yoshihiro Hase ¹ , Mayu Nakagawa ¹ , Abdel-Wahed Ghorbel ¹ , Tsuyoshi Mizoguchi ¹ (1Gene Research Center, University of Tsukuba, Japan, 2JAEA, 3Biotechnology Center, Borj Cedria Science and Technology Park, Tunisia, 4National Institute of Floriculture, NARO)	3aE03 ラン藻 <i>Leptolyngbya boryana</i> におけるニトロゲナーゼ類似型プロトクロロフィリド還元酵素の酸素感受性 山本治樹 ¹ , 久留宮祥平 ¹ , 大橋理恵 ¹ , 藤田祐一 ^{1,2} (1名大院・生命農, 2JST さきがけ)	3aF03 シアノバクテリア <i>Synechocystis</i> sp. PCC6803におけるCF ₁ -εサブユニット変異株の解析 小林真理 ¹ , 伊里耕太 ¹ , 紺野宏記 ¹ , Gabor Bernat ² , Matthias Roegner ² , 久堀徹 ¹ (1東工大・資源研, 2ルール大学・植物)
9:45	3aA04 浮イネ遺伝子 <i>Snorkel1</i> および <i>Snorkel2</i> の単離とその機能解析 永井登祐 ¹ , 服部洋子 ^{1,3} , 古川静佳 ¹ , 松本隆 ² , 呉健忠 ² , 北野英巳 ¹ , 芦刈基行 ¹ (1名大・生物機能, 2農産生物資源研究所, 3日本学術振興会 特別研究員)	3aB04 茎頂分裂組織におけるCLVシグナル伝達系の解析 木下温子, 別役重之, 福田裕穂, 澤進一郎 (東大院・理)	3aC04 ミオシン変異体の葉柄は光と重力に過敏に反応して屈曲する 園本圭史, 上田晴子, 田村謙太郎, 嶋田知生, 鈴木友美, 長谷あきら, 西村いくこ (京大院・理)	3aD04 概日リズム変異体 <i>elf3</i> における多面的変異形質の <i>flh/cry2</i> 欠失型変異による抑圧 夏井悠 ¹ , Rim Nefssi ¹ , 宮田佳奈 ¹ , 小田篤 ^{1,2} , 長谷純宏 ³ , 中川禰 ² , 溝口剛 ¹ (1筑波大学, 2農研機構花き研, 3原子力機構)	3aE04 シロイヌナズナのクロロフィルb還元酵素の生理機能解析 中島沙織 ¹ , 伊藤寿 ¹ , 草場信 ² , 田中亮一 ¹ , 田中歩 ¹ (1北大・低温研, 2広島大・院・理)	3aF04 単細胞性紅藻 <i>Cyanidioschyzon merolae</i> における有機物利用の解析 小池美佳, 森山崇, 藤原誠, 藤森直樹 (東京大・院・総合文化)
10:00	3aA05 浮イネ遺伝子 <i>Snorkel1</i> および <i>Snorkel2</i> の解析 服部洋子 ^{1,4} , 永井啓祐 ¹ , 宋猷軍 ¹ , 古川静佳 ¹ , 榎原均 ² , 森仁志 ³ , 松岡信 ¹ , 芦刈基行 ¹ (1名大・生物機能, 2理研・植物科学センター, 3名大・院生命農学, 4日本学術振興会 特別研究員)	3aB05 CLV3シグナル伝達経路で機能するSOL2の同定と機能解析 三輪大樹, 別役重之, 岩本訓知, 木下温子, 福田裕穂, 澤進一郎 (東大院・理)	3aC05 シロイヌナズナ花茎重力屈性に関与する新規遺伝子の単離とその解析 伏田豊仁 ¹ , 中村守貴 ¹ , 田坂昌生 ¹ , 森田(寺尾)美代 ^{1,2} (1奈良先端科学技術大学院大学・バイオサイエンス研究科, 2科学技術振興機構・さきがけ)	3aD05 トマトにおけるT-DNA挿入変異系統の作出及びT-DNA隣接配列の解析 園部利恵, 浅水恵理香, 江面浩, 溝口剛 (筑波大学院・生命環境)	3aE05 新規イネ <i>stay-green</i> 遺伝子NYC3はαβ hydrolase-fold family proteinをコードする。 森田竜平 ¹ , 佐藤豊 ² , 増田俊 ³ , 西村実 ¹ , 草場信 ¹ (1生物研・放育場, 2生物研, 3広島大院・理)	3aF05 ジビニクロロフィルを持つシアノバクテリア変異体の色素分析と酸化還元電位 大橋俊介 ¹ , 家村達也 ¹ , Md. Rafiqul Islam ² , 黒岩善徳 ³ , 加藤祐樹 ³ , 渡辺正 ³ , 小池裕幸 ² , 小林正美 ¹ (1筑波大学・物質工科学系, 2兵庫県立大・院・生命農学, 3東大・生研)
10:15	3aA06 安定同位体標識化合物を用いたサイトカニン活性化経路の研究 徳永浩樹 ^{1,2} , 黒羽剛 ¹ , 小嶋美紀子 ² , 榎原均 ^{1,2} (1名大院・生命農学, 2理研・PSC)	3aB06 葉脈の連続性に関わるCLEペプチド 近藤侑貴, 平川有宇樹, 伊藤恭子, 福田裕穂 (東京大・院・理)	3aC06 シロイヌナズナのCLE3遺伝子の根の形態形成における機能解析 新谷孝史 ¹ , 鈴木昭徳 ^{1,2} , 宮本摩由 ^{1,2} , 高橋秀樹 ^{1,2} (1理化学研究所・植物科学研究センター, 2横浜市立大学・木原生物学研究所)	3aD06 概日時計関連因子多重機能欠損変異体が示す器官サイズ異常の解析 新沼諭 ¹ , 高瀬輝映 ² , 塚谷裕一 ^{2,3} , 溝口剛 ¹ , 杉本慶子 ¹ (1理化学研究所植物科学研究センター, 2東大院・理, 3基生研, 4筑波大遺伝子実験センター)	3aE06 ラン藻 <i>Synechocystis</i> sp. PCC 6803のヘム・クロロフィル生合成系における2つのコプロポルフィリノーゲンIIIオキシダーゼ 後藤武知 ¹ , 藤田祐一 ^{1,2} (1名大院・生命農, 2JST さきがけ)	3aF06 酸化電位から考察したP700とP740のモデル 家村達也 ¹ , 大橋俊介 ¹ , 宮下英明 ² , 岩本浩二 ² , 白岩善博 ² , 加藤祐樹 ³ , 渡辺正 ³ , 小池裕幸 ² , 小林正美 ¹ (1筑波大学・物質工科学系, 2京都大学大学院人間・環境学研究所, 3筑波大学生物科学系, 4東京大学生産技術研究所)
光化学系						

G会場	H会場	I会場	J会場	K会場	L会場	M会場	時 間
転写後制御	細胞内輸送・蓄積・分泌2	イオン・塩・金属1	情報伝達1	シンポジウム9 植物科学におけるタイリングアレインと次世代シーケンサーの利用	シンポジウム10 ミヤコグサ・根粒菌共生研究の新展開	シンポジウム11 地球環境を紡ぐ好冷性生物の光合成―知られざる寒冷域の光合成―	
3aG01 植物の翻訳開始因子 eIF6 遺伝子の解析 加藤祐樹 ¹ , 小西美穂子 ¹ , 執行美香 ² , 保 ³ , 米山忠克 ³ , 柳澤修 ^{1,2} (東大院・農学生命科学, ¹ JST, CREST)	3aH01 シロイヌナズナの細胞体ストレス応答に関わる膜局在型転写因子小泉望 ¹ , 田嶋結美 ² , 岩田雄二 ² (大阪府立大学・生命環境, ² 奈良先端大・バイオサイエンス)	3aI01 Characterization of AtSTAR1, an orthologue of rice STAR1, which is involved in Al tolerance in <i>Arabidopsis</i> 黄朝鋒, 山地直樹, 馬建鋒 (RIB, Okayama Univ.)	3aJ01 強光ストレス条件下における膜結合型 NAC 転写因子 (HLN) を介した遺伝子発現制御機構 森下輝之 ¹ , 長田龍治 ² , 小島雄介 ¹ , 石田佑介 ¹ , 西澤 (横井) 彩子 ² , 藪田行哲 ³ , 重岡成 ^{1,2} (近畿大院農・バイオ, ² 近畿大農・バイオ, ³ 鳥取大農・生資環)				9:00
3aG02 CGSI 遺伝子の新生ペプチドと S-アデノシルメチオニンによるリボソームの翻訳アレト機構 尾上典之 ¹ , 長谷川傑 ¹ , 中嶋一恵 ² , 平松俊行 ³ , 細谷孝光 ³ , 鈴木正昭 ⁴ , 大野敏 ² , 横川隆志 ² 他 (北大・院生命, ² 北大・院農, ³ 東工大・院生命理工, ⁴ 理研・分子イメージング, ⁵ 岐阜大・工・生命工, ⁶ CREST)	3aH02 シロイヌナズナの NAI2 は ER ボディに局在する ER ボディ形成因子である 山田健志 ¹ , 永野惇 ² , 仁科桃子 ¹ , 西村いくこ ² , 西村幹夫 ¹ (基生研・細胞生物, ² 京大院・理)	3aI02 イネアルミニウム耐性における OsFRDL4 の機能解析 横正健剛, 山地直樹, 馬建鋒 (岡山大・資生研)	3aJ02 アブシジン酸シグナル伝達における SnRK2 プロテインキナーゼと PP2C プロテインホスファターゼの相互作用 梅澤泰史 ¹ , 溝口昌秀 ^{1,2} , 林晋平 ² , 平山隆志 ³ , 篠崎一雄 ⁴ (理研 PSC・機能開発, ² 東大院・農学生命科学, ³ 横浜市大院・国際総合科学, ⁴ 理研・基幹研)				9:15
3aG03 上流 ORF にコードされる新生ペプチドによる翻訳アレトと共役した mRNA 分解 内山尚子 ¹ , 内藤哲 ² , 尾之内均 ^{1,3} (北大・院農, ² 北大・院生命科学, ³ CREST)	3aH03 オルガネラ定量解析システムによる ER ボディ形態異常変異の解析 永野惇 ¹ , 山田健志 ² , 西村いくこ ¹ (京大・理, ² 基生研・細胞生物)	3aI03 植物細胞におけるアルミニウムの糖代謝への影響 山本洋子, 藤川雅子, 古市卓也, 佐々木孝行 (岡山大・資生研)	3aJ03 乾燥ストレス時のアブシジン酸シグナル伝達に関するシロイヌナズナの bZIP 型転写因子 AREB ファミリーの機能解析 吉田拓也 ^{1,2} , 藤田泰成 ² , 佐山博子 ¹ , 岡山恭之進 ² , 篠崎一雄 ³ , 篠崎和子 ^{1,2} (東大院・農学生命科学, ² 国際農研・生物資源, ³ 理研・植物科学セ)				9:30
3aG04 イネ種子低システインプロラミンの集積制御に関わる Esp1 遺伝子は eucaryotic Release Factor 1 (ERF1) をコードする 生島智一 ¹ , 川越靖 ² , 小川雅広 ³ , 佐藤光 ⁴ , 熊丸敏博 ¹ (九大・農, ² 生物研・植物科学, ³ 山口県大・生命科学)	3aH04 MIP proteins Are Novel Factors Responsible for Transport of Seed Storage Proteins in <i>Arabidopsis</i> Lixin Li ^{1,2} , Tomoo Shimada ² , Hideyuki Takahashi ² , Baoyu Tu ¹ , Hongmin Jin ¹ , Baoda Han ¹ , Junpei Takagi ² , Maki Kondo ² 他 (College of Life Sci., Northeast Forestry Univ., ² Grad. School of Sci., Kyoto Univ., ³ Dept. of Cell Biol., NIBB)	3aI04 イネのミトコンドリアにおける鉄硫黄クラスター形成に関わる OsIru1 遺伝子の機能解析 津釜大直, 西内俊策, 高野哲夫 (東大アジアセンター)	3aJ04 ラン藻 <i>Synechocystis</i> sp. PCC 6803 の Hik33 のシグナルインプットドメインの機能解析 志村暁平, 木村聡, 白岩善博, 鈴木石根 (筑波大院・生命環境)				9:45
エビジェネティック制御							
3aG05 ROS3 is an RNA-binding protein required for DNA demethylation in <i>Arabidopsis</i> . Xianwu Zheng ¹ , Olga Pontes ² , Jianhua Zhu ¹ , Daisuke Miki ^{1,3} , Fei Zhang ¹ , Wen-Xue Li ¹ , Kei Iida ¹ , Avnish Kapoor ¹ 他 (UC Riverside, BPS, ² Washington University, ³ University of Tokyo)	3aH05 膜交通機構における植物特異的ミトコンドリア VIII と XI の機能 富永基樹 ¹ , 阿部弘 ¹ , 齊藤知恵子 ¹ , 庄田恵子 ¹ , 粟井千絵 ¹ , 植村知博 ² , 上田貴志 ² , 中野明彦 ^{1,2} (理研・基幹研・中野生体膜, ² 東京大・院・理・生物科学)	3aI05 シロイヌナズナ鉄吸収遺伝子の発現に対するジベレリンの作用 松岡啓太 ¹ , 古川純 ¹ , ビタディ・ハニエ ¹ , 山口信次郎 ² , 朝比奈雅志 ¹ , 佐藤忍 ¹ (筑波大・生命環境, ² 理研・植物科学研究センター)	3aJ05 シロイヌナズナの乾燥ストレス応答に関わる転写因子 AREB1 とその上流制御因子の解析 藤田泰成 ¹ , 中島一雄 ¹ , 吉田拓也 ^{1,2} , 金森紀仁 ¹ , 片桐健 ³ , 梅澤泰史 ³ , 藤田美紀 ³ , 城所聡 ^{1,2} 他 (国際農研・生物資源, ² 東大院・農学生命科学, ³ 理研・植物科学セ, ⁴ 理研・BRC)				10:00
3aG06 ALARM CLOCK1 は DNA 脱メチル化を介してゲノムインプリンティングの確立に関与する 池田陽子 ^{1,2} , 木下由紀 ¹ , 角谷徹仁 ³ , 木下哲 ^{1,2} (奈良先端大・バイオ, ² 生研センター・イノベーション創出事業, ³ 遺伝研・育種遺伝研究部門)	3aH06 シロイヌナズナダイナミン様タンパク質 DRP2B は細胞膜のクラスリン集積部位に蓄積する 藤本優, 有村慎一, 高梨秀樹, 堤伸浩 (東大院・農学生命科学)	3aI06 鉄欠乏オオムギ葉緑体における Lhcb1 蛋白質に依存した光保護機構の解析 齋藤彰宏 ¹ , 園池公毅 ² , 三輪睿太郎 ² , 樋口恭子 ¹ (東京農大・応用生物, ² 東大・新領域・先端生命)	3aJ06 シロイヌナズナ AHK5 は孔辺細胞内の ABA シグナリングにおいて負の制御因子として機能する 宗正晋太郎 ¹ , 中村宜督 ¹ , 森泉 ² , 村田芳行 ¹ (岡大院・自然科学, ² 岡大・資生研)				10:15

● 第3日 3月23日(月) 午前

時間	A会場	B会場	C会場	D会場	E会場	F会場
			老化・細胞死	花成 1		
10:30	<p>3aA07 クラウンゴール形成時におけるプラスチド内でのゼアチン型サイトカイニンの直接合成の重要性 上田七重¹, 小嶋美紀子¹, 鈴木克周², 榊原均¹ (理研PSC, ²広島大院・理)</p>	<p>3aB07 TDIFシグナル伝達における標的遺伝子の解析 平川有宇樹, 福田裕穂 (東大院・理・生物)</p>	<p>3aC07 ヒメツリガネゴケを用いた軟腐菌誘導性細胞死の解析 野村俊尚¹, 朽名夏磨^{1,2}, 佐野俊夫^{1,2}, 馳澤盛一郎^{1,2} (東京大・院・新領域, ²BIRD・JST)</p>	<p>3aD07 FT/TFL1ファミリーを利用したボブラの早期開花 伊ヶ崎知弘, 西口満 (森林総研)</p>	<p>3aE07 Understanding the evolution of eukaryotic light-harvesting through biochemical analysis of the prasinophyte alga <i>Ostreococcus tauri</i> Wesley Swingley, Masakazu Iwai, Jun Minagawa (Institute of Low Temperature Science, Hokkaido University)</p>	<p>3aF07 光化学系Iサイクリック電子伝達反応の制御機構 後藤栄治¹, 松本雅好², 小川健一³, 津山孝人¹, 小林善親¹ (¹九大院・農, ²岡山県生物科学総合研究所)</p>
10:45	<p>3aA08 シロイヌナズナカラスのサイトカイニン応答におけるCKH1/EER4/AtTAF12bとCK2H/PKLの相互作用の解析 古田かおり¹, 久保稔², 出村拓¹, 榊本辰男¹ (¹大阪大・院・理, ²基生研, ³理研PSC)</p>	<p>3aB08 COE1はイネ葉脈における横走維管束の分化起点形成を負に制御する 坂口潤¹, 澤進一郎¹, 伊藤純一², 福田裕穂¹ (東大・院・理・生物科学, ²東大・院・農・生産環境生物学)</p>	<p>3aC08 プログラム細胞死制御因子である細胞質リテンションタンパク質AtLSD1/AtLOL1の機能解析 天野晃彰¹, 高林賢吾¹, 中村歩¹, 田中浄¹, Jeffery L Dangel², 上中弘典¹ (鳥取大・農, ²ノースカロライナ大)</p>	<p>3aD08 イネ花成ホルモンHd3aタンパク質の移動メカニズムの解析 玉置祥二郎, Yekti Asih Purwestri, 辻寛之, 鳥本功 (奈良先端大・バイオ)</p>	<p>3aE08 緑色光合成細菌のアンテナ複合体クロロゾームの構造解析 柿谷吉則¹, 小山泰¹, 下池田勇一², 中井利仁², 内海博明², 清水植³, 長江裕芳⁴ (関西学院大・理工, ²日本電子㈱, ³物質・材料研究機構, ⁴神戸市外国語大)</p>	<p>3aF08 弱光下の光合成電子伝達反応の制限 津山孝人, 後藤栄治, 小林善親 (九州大・農)</p>
11:00	<p>3aA09 シロイヌナズナにおけるインドール-3-アセトアルドキシムを介するオーキシン生合成経路の解析 菅原聡子^{1,2}, 菱山正二郎², 軸丸裕介¹, 花田篤志¹, 西村岳志³, 小柴共一², Yunde Zhao⁴, 神谷勇治¹他 (理研・植物科学センター, ²首都大院・理工・生命科学, ³森林総合研究所, ⁴Section of Cell & Dev. Biol., UCSD)</p>	<p>3aB09 ミロシン細胞と維管束の協調的な分化機構におけるAtVAM3の機能解析 白川二, 上田晴子, 西山千晶, 嶋田知生, 西村いくこ (京大院・理)</p>	<p>3aC09 プログラム細胞死の誘導機構における微小管プラスチン集積因子AtEB1の機能解析 三賀森造紀, 寺岡悠樹, 山本優香, 田中浄, 上中弘典 (鳥取大・農)</p>	<p>3aD09 イネのフロリゲンHd3aによる分枝の促進 辻寛之, 橋知夏, 玉置祥二郎, 鳥本功 (奈良先端大・バイオサイエンス研究科)</p>	<p>3aE09 紅色光合成細菌の光反応中心におけるサブピコ秒時間分解吸収分光を用いた電子伝達反応の追跡 柿谷吉則, ホウアリ, 宮迫祐也, 小山泰 (関西学院大・理工)</p>	<p>3aF09 バリディニン型渦鞭毛藻におけるPSIIコアタンパク質の変異性 飯田聡子¹, 小椋山篤志², 緒方武比古², 村上明男¹ (神戸大・内海城環境教育研究センター, ²北里大・海洋生命科学部)</p>
11:15	<p>3aA10 AtGenExpressホルモンデータの解析とオーキシン生合成阻害剤の発見 郷田秀樹¹, 添野和雄^{1,2}, 佐々木江理子^{1,2}, 吉田茂男¹, 浅見忠男³, 藤岡昭三⁴, 嶋田幸久¹ (理研・PSC, ²農研機構・近中四農研, ³東大院・農生科・応生化, ⁴理研・ASI)</p>	<p>3aB10 前維管束細胞特異的に発現するシロイヌナズナDof5.8転写因子の解析 小西美穂子¹, 柳澤修一^{1,2} (東京大・院・農, ²CREST, JST)</p>	<p>3aC10 NuERF4はAAL毒素に誘導される細胞死を促進する阻害因子 間瀬圭介¹, 石濱伸明¹, 水野貴仁¹, 森仁志¹, 児玉基一朗¹, 吉岡博文¹ (名古屋大学・農, ²鳥取大学・農)</p>	<p>3aD10 GF14c, a 14-3-3 protein, acts as a negative regulator of flowering by interacting with Hd3a in rice Yekti Asih Purwestri, Yuka Ogaki, Shojiro Tamaki, Hiroyuki Tsuji, Ko Shimamoto (Plant Molecular Genetics Lab., Nara Institute of Science and Technology)</p>	<p>3aE10 フェムト秒誘導発光によるカロチノイドの光学禁制1B_v(0), 3A_v(0)振電準位と²⁵Mg-NMRシグナルの線幅を用いたバクテリオクロロフィルの配位状態の決定: LH2への応用 クリスティアーナレベッカ¹, 青柳志保¹, 柿谷吉則¹, 三木健嗣¹, 小山泰¹, 中井利仁², 内海博明², 清水植³ (関西学院大・理工, ²日本電子㈱, ³物質・材料研究機構)</p>	<p>3aF10 葉緑体チラコイド膜プラスチキノン酸化還元レベルの光環境応答～プラスチキノン酸化システム～ 三宅麗弘¹, 杉本敏男¹, 白石齊聖¹, 尼子克巳² (神戸大・院・農, ²神戸学院大・栄)</p>
11:30	<p>3aA11 オーキシン生合成阻害剤を用いた生合成経路の解析 添野和雄^{1,2}, 石井貴広¹, 立川巴¹, 吉田茂男¹, 藤岡昭三³, 浅見忠男⁴, 嶋田幸久¹ (理研・PSC, ²農研機構・近中四農研, ³理研・ASI, ⁴東大院・農生科・応生化)</p>	<p>3aB11 植物オートファジーの新たな生理的役割 吉本光希¹, 大隅良典², 白須賢¹ (理化学研究所・PSC, ²基礎生物学研究所)</p>	<p>3aC11 植物オートファジーの新たな生理的役割 吉本光希¹, 大隅良典², 白須賢¹ (理化学研究所・PSC, ²基礎生物学研究所)</p>	<p>3aD11 長日特異的フロリゲンRFT1による花成の制御機構 小宮愷空¹, 横井修司², Shinyoung Lee³, Gynheung An³, 鳥本功¹ (奈良先端大・バイオ, ²岩手大・農, ³POSTECH, Korea)</p>	<p>3aE11 Rhodobacter sphaeroides R26.1培養中に得られたピンク株の Ali Hou (関西学院大・理工, Research Institute for Production Development, Division for Food Function and Chemistry)</p>	<p>3aF11 過酸化脂質由来α, β-不飽和アルデヒド消去酵素による強光耐性のメカニズム 真野純二 (山口大・総合科学セ)</p>
11:45	<p>3aA12 トウモロコシ幼葉鞘の重力屈曲にはZmPIN1によって先端から輸送されるIAAの偏差分布が必須である 西村岳志, 中野仁美, 丹羽理陽, 小柴共一 (首都大院・理工学研究科・生命科学専攻)</p>			<p>3aD12 栽培イネ品種における花成時期の多様性をもたらす分子機構の解析 高橋達史, 横井修司¹, 手島康介², 印南秀樹², 鳥本功¹ (奈良先端大・バイオ, ²総研大)</p>	<p>3aE12 偏光選択励起蛍光スペクトル顕微鏡による葉緑体チラコイド膜構造の解析 長谷川慎¹, 椎名隆², 寺嶋正秀², 熊崎茂一¹ (京大院・理, ²京府大・人環)</p>	
						光阻害

G会場	H会場	I会場	J会場	K会場	L会場	M会場	時 間
	タンパク質・酵素 1						
<p>3aG07 RDR2, DDC に非依存的な HDA6 による遺伝子抑制機構 藤泰子^{1,2}, 金鍾明¹, 栗原志夫¹, 松井章浩¹, 石田順子¹, 田中真帆¹, 諸沢妙子¹, 川嶋真貴子¹他¹(¹理研 PSC・植物ゲノム発現, ²東大・院理, ³理研 BASE, ⁴理研 PSC・機能開発, ⁵横浜市大・木原生研)</p>	<p>3aH07 原始紅藻 <i>Cyanidioschyzon merolae</i> の核及び色素体ゲノムにコードされた <i>secA</i> 遺伝子の機能解明 小山陽亮, 太田にじ (埼玉大院・理工)</p>	<p>3aI07 アラビドプシスの根において長距離シグナルと局所的シグナルに制御される鉄吸収遺伝子の網羅的解析 榎本裕介^{1,2}, 橋田慎之介², 庄子和博², 島田浩章¹, 吉原利一², 後藤文之² (¹東京理科大・生物工, ²電中研・環境研)</p>	<p>3aJ07 シロイヌナズナにおけるジャスモン酸メチル誘導気孔閉鎖シグナル伝達経路でのプロテインホスファターゼ2Aの役割 齋藤直毅¹, 中村宜督¹, 森泉², 村田芳行¹ (¹岡大院・自然科学, ²岡大・資生研)</p>	シンポジウム 9 植物科学におけるタイリリングアレイト次世代シーケンサーの利用	シンポジウム 10 ミヤコグサ・根粒菌共生研究の新展開	シンポジウム 11 地球環境を紡ぐ好冷性生物の光合成―知られざる寒冷域の光合成―	10:30
<p>3aG08 SUP32/UBP26によるヒストン H2Bの脱ユビキチン化は花成抑制因子 <i>FLC</i> のエピジェネティックな転写活性化に必要である 玉田洋介¹, Robert J. Schmitz², Mark R. Doyle¹, Xiaoyu Zhang², Richard M. Amasino¹ (¹Dept. of Biochem., Univ. of Wisconsin-Madison, ²Dept. of Plant Biol., Univ. of Georgia)</p>	<p>3aH08 植物カタラーゼのペルオキシソーム内輸送機構の解明 前田裕太郎, 藤川倫吉, 江坂宗春 (広島大院・生物圏)</p>	<p>3aI08 シロイヌナズナのモリブデン欠乏応答のメタボローム、トランスクリプトーム解析 井出曜子^{1,2}, 及川彩², 草野都², 福高敦史², 遠藤亮², 南原英司², 斉藤和季^{2,3}, 平井優美^{2,4}他¹ (¹東大・BRC, ²理研・PSC, ³千葉大院・薬, ⁴JST・CREST, ⁵JST・SORST)</p>	<p>3aJ08 高等植物のσ因子をリン酸化するタンパク質キナーゼの探索 加藤晃¹, 清水正則¹, 高橋宏隆², 澤崎達也², 遠藤弥重太², 関原明³, 篠崎一雄³, 小林裕和¹ (¹静大院・生生活健康, ²愛媛大・無細胞センター, ³理研・PSC)</p>				10:45
<p>3aG09 シロイヌナズナ26S プロテアソームはmicroRNA形成に関与する 佐古香織¹, 眞木裕子¹, 石田咲子¹, Derek GOTO², 山本宏子¹, 池田亮¹, 山口淳二¹ (¹北大・生命, ²北大・創成)</p>	<p>3aH09 フラボノイド7位グルクロン酸転移酵素における糖供与体選択性の分子機構の解明 小笠原一郎¹, 野口秋雄¹, 福井祐子¹, 堀川学², 石黒正路², 水谷正子³, 中山亨⁴, 木曾良信¹ (¹サントリー健康科学研, ²サントリー生有研, ³サントリー植物科学研, ⁴東北大・工)</p>	<p>3aI09 シロイヌナズナ根の比較トランスクリプトーム解析によるイオンストレスの解析 趙成日, 澤木宣忠, 一家崇志, 小林佑理子, 小山博之 (岐阜大・応生)</p>	<p>3aJ09 原形質連絡による細胞間情報伝達制御と細胞の分化状態との関係性を探る 北川宗典¹, 佐藤良勝³, 藤田知道² (¹北大・生命, ²北大・理, ³ERATO, JST)</p>				11:00
<p>3aG10 ミヤコグサのレトロトランスポゾン LORE1の転移誘導 深井英吾¹, 梅原洋佐¹, 佐藤修正², 河内宏¹, Jens Stougaard³, 廣近洋彦¹ (¹生物研, ²かずさ DNA 研, ³オーフス大)</p>		<p>3aI10 マイクロアレイト法を用いた遺伝子組換えパレイショにおける <i>AtDREB1A</i> 遺伝子の下流因子の探索 島崎高壺¹, 朝比奈雅志¹, 菊池彩¹, 圓山恭之進², 春日美江², 篠崎和子², 渡邊和男³ (¹筑波大院・生命環境, ²国際農研・生物資源)</p>	<p>3aJ10 TDIF様CLEペプチドの腋芽における働き 柳沼秀幸, 平川有宇樹, 井上明日香, 伊藤(大橋)恭子, 福田裕徳 (東京大・院・理)</p>				11:15
			<p>3aJ11 ラン藻 <i>Synechocystis</i> sp. PCC 6803 におけるリン酸イオン応答性ヒスチジンキナーゼ SphS のシグナル検知ドメインの機能解析 木村聡, 白岩善博, 鈴木石根 (筑波大院・生命環境)</p>				11:30
			<p>3aJ12 植物の病害、環境ストレス応答と葉緑体 Ca²⁺ シグナル 小森慎子, 野村裕也, 椎名隆 (京府大・生命環境)</p>				11:45

● 第4日 3月24日(火) 午前

時間	A会場	B会場	C会場	D会場	E会場
	植物ホルモン・成長調節物質3	胚発生, 細胞分化	細胞壁	花成2	光合成と環境
9:00	4aA01 ブラシノステロイド情報伝達突然変異体 <i>bil5</i> におけるエビジェネティック変異と情報伝達下流の解析 中野雄司 ^{1,5} , 山上あゆみ ^{1,3} , 辻本雅文 ¹ , Chory Joanne ² , 浅見忠男 ^{1,4} (理研・基幹研, ² Salk Inst., ³ お茶の水大・理, ⁴ 東大・農学生命, ⁵ JST-さきがけ)	4aB01 シロイヌナズナ <i>BOUQUET</i> 遺伝子のミスセンス変異によるメリステムの過剰形成 高木直人, 上口智治 (名古屋大・生物機能開発利用研究センター)	4aC01 シロイヌナズナ芽生えにおけるエクスパンションの役割 高橋宏三 ¹ , 松田健一 ¹ , 安田理香 ² , 木藤伸夫 ¹ (名古屋大・院・理, ² 名古屋大・理)	4aD01 キクタニギクの光固性花成誘導機構の解析 小田篤, 久松完 (農研機構・花き研)	4aE01 余剰光エネルギー存在下における光合成電子伝達制御の解析 三田智子, 吉田和生, 宗景 (中島) ゆり, 明石欣也, 横田明穂 (奈良先端大・バイオ)
9:15	4aA02 ブラシノステロイド情報伝達因子 <i>BILA</i> の細胞伸長における機能解析 山上あゆみ ^{1,2} , 吉澤江里子 ^{1,2} , 齋藤知恵子 ¹ , 中澤美紀 ³ , 松井南 ¹ , 作田正明 ² , 中野明彦 ¹ , 辻本雅文 ¹ (理研・基幹研, ² お茶大院・人間環境科学, ³ 理研・PSC, ⁴ 東大院・農生科)	4aB02 器官形成に関わる新遺伝子 <i>MACCHI-BOU2</i> の解析 井藤純, 菅野貴子, 古谷将彦, 田坂昌生 (奈良先端大・バイオ)	4aC02 シロイヌナズナ T-DNA 挿入変異体による CWPO-C ホモログの機能解析 堤祐司, 清水裕子, 佐々木慎也, 重藤潤, 近藤隆一郎 (九大・院・農)	4aD02 中日性植物における FT ホモログ遺伝子の発現と機能の解析 高橋恵美, 後藤弘嗣 (岡山・生物研)	4aE02 クロロフィル蛍光寿命イメージングによるステート遷移の可視化 岩井優和 ¹ , 横野牧生 ¹ , 稲田のりこ ² , 皆川純 ¹ (北大・低温研, ² 奈良先端大・バイオ)
9:30	4aA03 ブラシノステロイド情報伝達突然変異体 <i>bpg2</i> の原因遺伝子の葉緑体制御における機能の解析 小松知之 ^{1,2} , 川出洋 ² , 斎藤知恵子 ³ , 中澤美紀 ⁴ , 松井南 ⁴ , 中野明彦 ³ , 辻本雅文 ³ , 夏目雅裕 ² (理研・基幹研 中野植物化学研究ユニット, ² 東京農工大大学院, ³ 理研・基幹研, ⁴ 理研・植物科学研究センター, ⁵ 東京大学 農学生命科学研究科)	4aB03 VNI2は VND7 の転写活性機能を抑制することで道管分化を制御する 山口雅利 ¹ , 久保稔 ^{1,2} , 光田展隆 ³ , 高木優 ³ , 福田裕穂 ⁴ , 出村拓 ¹ (理研・PSC, ² JST-ERATO, ³ 産総研・ゲノムファクトリー, ⁴ 東大・院・理)	4aC03 糖質分解酵素を用いたアラビノガラクトン-プロテイン糖鎖の構造改変 小竹敬久 ¹ , 高田遼平 ¹ , 北澤仁成 ¹ , 金子哲 ² , 五十嵐圭日子 ³ , 鮫島正浩 ³ , 円谷陽一 ¹ (埼玉大・院理工, ² 食総研, ³ 東大・院農生)	4aD03 コムギの葉における花成関連遺伝子ネットワーク: AP1/FUL-like 遺伝子が FT 遺伝子の上流に位置する 村井耕二 ¹ , 鈴木隆之 ¹ , 嶋田早苗 ¹ , 北川哲 ¹ , 阿部知子 ² (福井県大・生物資源, ² 理研・仁科センター)	4aE03 ステート遷移と qE クエンチングの相互作用 滝澤謙二, 高橋新一郎, 得津隆太郎, 皆川純 (北大・低温研)
9:45	4aA04 ブラシノステロイド情報伝達突然変異体 <i>bil2</i> , <i>bil5</i> サプレッサーの解析 嶋田勢津子 ¹ , 中澤美紀 ² , 松井南 ² , 辻本雅文 ³ , 浅見忠男 ^{3,4} , 中野雄司 ¹ (理研・基幹研・植物化学生物学研究ユニット, ² 理研・PSC, ³ 理研・基幹研, ⁴ 東大・農学生命)	4aB04 シロイヌナズナ根の維管束細胞数および対称性を制御する <i>LONESOME HIGHWAY</i> 遺伝子の解析 伊藤 (大橋) 恭子 ¹ , 大口未央 ¹ , Dominique Bergmann ² , 福田裕穂 ¹ (東大・院・理・生物科学, ² スタンフォード大学)	4aC04 イネ UDP-アラビノースムターゼの生化学的特性 古西智之 ¹ , 亀山真由美 ² , 舟根和美 ² , 宮崎安将 ¹ , 山川清栄 ³ , 岩井宏暁 ³ , 佐藤忍 ³ , 石井忠 ¹ (森林総研, ² 農研機構・食総研, ³ 筑波大・生命環境)	4aD04 光中断によるイネ開花抑制の分子機構の解析 伊藤博紀, 野々上慈徳, 矢野昌裕, 井澤毅 (独) 農業生物資源研究所)	4aE04 葉緑体 NAD(P)H dehydrogenase 関連遺伝子 <i>NDF2</i> および <i>NDF5</i> の解析 石田智 ¹ , 羽野泰史 ¹ , 高林厚史 ² , 石川規子 ¹ , 遠藤剛 ¹ , 佐藤文彦 ¹ (京大院・生命科学, ² 名大・遺伝子施設)
10:00	4aA05 シロイヌナズナ発達種子におけるアブジジン酸生成制御機構 瀬尾光範 ¹ , 菅野裕理 ¹ , 原田祥世 ¹ , Delphine Effroy ² , Anne Frey ² , Valerie Lefebvre ² , Sabine Clement ² , 神谷勇治 ¹ (理研 PSC, ² INRA Versailles)	4aB05 シロイヌナズナの胚発生で機能する新規転写因子様タンパク質の解析 中島敬二, 和氣貴光, 日岐武嗣, 渡邊涼平, 橋本隆 (奈良先端大・バイオサイエンス)	4aC05 イネのカマイラズ遺伝子 <i>BC5</i> は節の厚壁組織で二次細胞壁構築に関与する 青原勉 ¹ , 小竹敬久 ¹ , 円谷陽一 ¹ , 川崎信二 ² (埼玉大院・理工, ² 農業生物資源研)	4aD05 シロイヌナズナ <i>FT</i> 遺伝子による花成促進効果の接木伝達性に関する研究 野田口理孝 ¹ , 木村峻裕 ¹ , 大門靖史 ² , 阿部光知 ² , 荒木崇 ² (京大院・理, ² 京大・院・生命)	4aE05 葉緑体 NAD(P)H dehydrogenase が関与する高温ストレスによる PSII 活性の低下 山内靖雄, Yukihiro Sugimoto (神戸大院・農)
10:15	4aA06 Identification of new ABL1-mediated ABA signaling components in <i>Arabidopsis</i> . Noriyuki Nishimura ¹ , Ali Sarkeshik ² , Kazumasa Nito ³ , Sang Park ⁴ , Angela Wang ¹ , Stephen Lee ³ , Sean Cutler ⁴ , Joanne Chory ⁵ 他 (Univ of California, San Diego, ² The Scripps research institute, ³ SALK institute, ⁴ Univ of California, Riverside)	4aB06 シロイヌナズナの受精卵極性と体軸形成の制御機構 植田美那子 ¹ , Thomas Laux ² , 東山哲也 ¹ (名大・院・理・生命科学, ² Inst. Bio. III, Freiburg Univ.)	4aC06 二次壁形成を制御する転写制御ネットワーク 光田展隆, 高木優 (独) 産業技術総合研究所ゲノムファクトリー研究部門)	4aD06 シロイヌナズナ <i>FT</i> と相互作用する因子としての TCP 蛋白質の解析 丹羽優喜, 大門靖史, 阿部光知, 荒木崇 (京大・院・生命)	4aE06 イネ幼苗の低温下の光合成に及ぼす高地温の影響 鈴木健策, Emilien Ratel (東北農業研究センター)
10:30	4aA07 プロテインホスファターゼ2Cによる苔類アブジジン酸応答の制御 東金賢 ¹ , 小松憲治 ² , 坂田洋 ² , 石崎公庸 ³ , 大和勝幸 ³ , 河内孝之 ³ , 竹澤大輔 ¹ (埼玉大学・院・理工学, ² 東京農業大学・応用生物科学, ³ 京都大学・院・生命科学)	4aB07 イネ胚発生におけるサイトカイニンの機能の解明 佐々木恵理加 ¹ , 澤澤一郎 ² , 経塚淳子 ¹ (東大院・農, ² 東大院・理)	4aC07 ポブラセルラーゼを構成発現する <i>FALCATA</i> における糖化性の向上 海田るみ ¹ , 加来友美 ¹ , 馬場啓一 ¹ , Sri Hartati ² , Enny Sudarmonowati ² , 林隆久 ¹ (京大・生存研, ² Research Center for Biotechnology, LIPI, Indonesia)	4aD07 シロイヌナズナ <i>CRYPTIC PRECOCIUS (CRP)</i> 遺伝子の機能解析 井村有里 ¹ , 小林恭士 ² , 大門靖史 ¹ , 阿部光知 ¹ , 荒木崇 ¹ (京大院・生命, ² マックスプランク研)	4aE07 高 CO2 環境がイネ葉の一生における Rubisco の生成と分解に及ぼす影響 川浪悠生, 鈴木雄二, 牧野周 (東北大院・農)

F会場	G会場	I会場	J会場	K会場	L会場	M会場	時 間	
温度	タンパク質・酵素2	イオン・塩・金属2	情報伝達2	シンポジウム12 植物の視覚，赤色光および青色光を視るしくみ 研究の最前線	シンポジウム13 表現型と遺伝子型の接点を探るRNA研究	シンポジウム14 植物科学のフロンティアを切り開く次世代モデル植物	9:00	
4aF01 カラマツ木部柔細胞の深過冷却能に関与する可溶性蛋白質の解析 森本和成 ¹ ，森仁志 ² ，春日純 ³ ，藤川清三 ³ ，荒川圭太 ³ （ ¹ 北海道大院・農学院， ² 名古屋大院・生命農学研究科， ³ 北海道大院・農学研究院）	4aG01 ユーグレナアスコルビン酸生成能に関与するアルドノラクトナーゼの同定と機能解析 西川仁 ¹ ，澤嘉弘 ¹ ，柴田均 ¹ ，藪田行哲 ¹ ，丸田隆典 ³ ，重岡成 ³ ，石川孝博 ¹ （ ¹ 鳥根大・生物資源・生命工， ² 鳥取大・農・生資源， ³ 近畿大・院農・バイオ）	4aI01 耐塩性ラン藻のNa ⁺ /H ⁺ アンチポーターの機能解析 深谷文統 ¹ ，日比野隆 ¹ ，中村辰之介 ³ ，高倍昭洋 ² （ ¹ 名城大院・総合学術， ² 名城大・総合研， ³ 新潟薬科大・薬・衛生薬）	4aJ01 イネ3量体Gタンパク質αサブユニット遺伝子の発現制御機構の解析 高柳欣幸，井沢有希，隠岐勝幸，藤澤由紀子，加藤久晴，岩崎行玄（福井県大・生物資源）					9:15
4aF02 シュロ葉の深過冷却機構に関わる抗水核活性の特徴と測定法 石川雅也，土志田妙子，長谷川郁子（生物研・環境ストレス）	4aG02 分子内二量体構造を形成するユーグレナアスコルビン酸ペルオキシダーゼの分子特性解明 田島奈緒子 ¹ ，澤嘉弘 ¹ ，柴田均 ¹ ，重岡成 ² ，石川孝博 ¹ （ ¹ 鳥根大・生物資源・生命工， ² 近畿大・院農・バイオ）	4aI02 塩ストレス条件下における塩生植物 <i>Atriplex gmelini</i> の塩腺（のう状毛）の機能に関する研究 堤造一 ² ，伊藤貴之 ¹ ，日比野隆 ¹ ，田中義人 ¹ ，高倍昭洋 ² （ ¹ 名城大院・総合学術， ² 名城大・総合研）	4aJ02 シロイヌナズナのストレス誘導性受容体様細胞質型キナーゼ遺伝子の機能解析 田中秀典 ¹ ，刑部祐里子 ¹ ，桂彰吾 ¹ ，水野真二 ^{2,3} ，篠崎一雄 ¹ ，篠崎和子 ^{1,3} （ ¹ 東大院・農学生命科学， ² 千葉大院・自然科学， ³ 国際農研・生物資源， ⁴ 理研・植物科学セ）					9:30
4aF03 シロイヌナズナ低温馴化過程における細胞膜マイクロドメイン脂質組成の解析 古戸あかり ¹ ，南杏鶴 ² ，上村松生 ^{1,2} （ ¹ 岩手大・農・寒冷バイオ， ² 岩手大学21世紀COEプログラム）	4aG03 植物由来クチナーゼの単離同定 高橋徳太郎，嶋田知生，西村いくこ（京大院・理）	4aI03 <i>bHLH106</i> found by activation tagging confers salt tolerance on <i>Arabidopsis</i> Aftab Ahmad, Yasuo Niwa, Hirokazu Kobayashi (Grad. Sch. of Nutr. & Environ. Sci., Univ. of Shizuoka)	4aJ03 シアバクテリア <i>Synechococcus elongatus</i> PCC 7942における二成分制御系NblSのシグナル伝達機構の解析 久保知之，加藤宏明，渡辺智，千葉模拓，吉川博文（東京農大・バイオ）					9:45
4aF04 シロイヌナズナ懸濁培養細胞におけるアブジジン酸応答性凍結耐性とデハイドリンの関係 深澤直美 ¹ ，高橋和恵 ¹ ，佐々木裕 ^{1,2} ，上村松生 ^{1,2,3} （ ¹ 岩手大・農・寒冷バイオ， ² 岩手大・院・連合農学， ³ 岩手大・21世紀COEプログラム）	4aG04 ホウレンソウ葉でセネセンスによって誘導されるシステインプロテアーゼ/シスタチン複合体の精製と性質決定 山口明美 ¹ ，松嶋修平 ¹ ，塩井祐三 ² （ ¹ 静岡大・院・理， ² 静岡大・院・創造）	4aI04 <i>Thehungiella halophila</i> 完全長cDNAライブラリーを用いたFOX huntingによる耐塩性付与遺伝子の同定 小野寛和 ¹ ，南雲美穂 ¹ ，篠崎一雄 ² ，坂田洋一 ¹ ，田中重雄 ¹ ，太治輝昭 ¹ （ ¹ 東京農大・バイオ， ² 理研・PSC）	4aJ04 病音・ストレス応答における葉緑体タンパク質CASの役割 野村裕也 ¹ ，小森祐子 ¹ ，植村周平 ¹ ，吉岡美樹 ² ，吉岡博文 ² ，中平洋一 ¹ ，椎名隆 ¹ （ ¹ 京府大院・生命環境， ² 名大院・生命農学）					10:00
4aF05 陸上植物特異的DNA結合タンパク質VOZは低温ストレス応答に関与する 中井勇介 ¹ ，佐藤雅彦 ¹ ，河内孝之 ² ，中平洋一 ¹ （ ¹ 京都府大・生命環境， ² 京大・生命）	4aG05 CoA及びその誘導体の代謝におけるCoA pyrophosphorylaseの役割 伊藤大輔 ¹ ，山田浩平 ² ，石川和也 ¹ ，小川貴典 ² ，吉村和也 ² ，重岡成 ^{1,2} （ ¹ 近畿大院農・バイオ， ² 近畿大農・バイオ， ³ 中部大応生・食栄）	4aI05 窒素栄養条件に反応して根の生育を制御する転写因子AGL21の機能解析 鈴木昭徳 ¹ ，宮本摩由 ¹ ，土屋有美子 ¹ ，高橋秀樹 ^{1,2} （ ¹ 理研・植物科学研究センター， ² 横浜市大・木原生物学研究所）	4aJ05 植物病原菌が産生するトリコセンによって誘導されるシロイヌナズナの新規MAPKKKの解析 浅野智哉 ¹ ，水野宏美 ¹ ，幸節健 ² ，町田泰則 ² ，山口和男 ¹ ，西内巧 ¹ （ ¹ 金大・学際， ² 名大・理）					10:15
4aF06 シロイヌナズナの環境ストレス応答性転写因子DREB2Aの高温ストレス下における発現制御機構の解明 吉田拓実 ¹ ，中嶋潤 ¹ ，戸高大輔 ¹ ，佐久間洋 ¹ ，中島一雄 ¹ ，溝井順哉 ² ，篠崎一雄 ¹ ，篠崎和子 ^{1,2} （ ¹ 東大院・農学生命科学， ² 国際農研・生物資源， ³ 理研・植物科学セ）	4aG06 イネの分泌型ホスホリパーゼA ₂ アイソフォームの発現解析 木村裕二，藤川倫吉，江坂宗春（広島大院・生物園科学）	4aI06 シロイヌナズナの根Cu耐性に関与するCu輸送蛋白遺伝子HMA5とCu耐性の自然変異との関係 小林佑理子 ¹ ，黒田桂史 ² ，木村圭介 ² ，Jennafer Southron-Francis ¹ ，古澤彩 ² ，木村和彦 ³ ，井内聖 ¹ ，小林正智 ¹ 他（ ¹ 理研BRC， ² 岐阜大・応生， ³ 宮城大・食産業， ⁴ アルバート大）	4aJ06 異種発現系を用いたシロイヌナズナ活性酸素産生酵素Atrbohの網羅的機能解析 藜沼悠 ¹ ，賀屋秀隆 ¹ ，朽津和幸 ^{1,2} （ ¹ 東京理科大・理工・応用生物， ² 東京理科大・ゲノム創業）					10:30
4aF07 転写抑制因子Hsf1, Hsf2Bは、熱誘導性HsfとHSPの発現抑制を介して高温ストレス応答レベルを調節する 池田美穂 ¹ ，光田展隆 ¹ ，関原明 ¹ ，篠崎一雄 ² ，高木優 ¹ （ ¹ 産総研・ゲノム， ² 理研）	4aG07 <i>Cyanidioschyzon merolae</i> における亜硝酸を選択的に還元する新規変異型亜硝酸還元酵素 関根康介 ¹ ，榊原由紀子 ² ，長谷俊浩 ³ ，佐藤直樹 ⁴ （ ¹ 東京大院・総合文化・生命科学構造化セ， ² 東京大院・総合文化・生命環境， ³ 大阪大・蛋白質研）	4aI07 <i>AIMTPI</i> 欠損株を用いた亜鉛障害機構と耐性機構の解析 河内美樹，森春樹，小八重義裕，富岡利恵，前島正義（名大院・生命農）	4aJ07 微細緑藻における植物固有MAPキナーゼ (group D) 情報伝達系の解析 木下耕吾，中島裕人，末松知隆，藤江誠，山田隆，宇佐美昭二（ ¹ 鳥大・先端研）					

● 第4日 3月24日(火) 午前

時 間	A会場	B会場	C会場	D会場	E会場
10:45	<p>4aA08 シロイヌナズナの気孔形成におけるABAの作用について 田中洋子¹, 南原英司², 神谷勇治¹ (¹理研・PSC, ²トロント大学)</p>	<p>4aB08 シロイヌナズナの異なるアクセッションの不定胚発生に対する4-hydroxybenzyl alcohol および類縁化合物の効果の違い 東克己¹, 稲葉史², 阪野淳美², 山本智美², 大久保雄太², 時田陽介², 小林俊弘², 鎌田博⁴ (¹帝京科大・生命環境・生命科学, ²帝京科大・生命環境・バイオ, ³理研・BRC, ⁴筑波大・生物科学)</p>	<p>4aC08 ボリガラクツノナーゼを発現させた形質転換ポプラ 加来友美, 山西由季, 馬場啓一, 林隆久 (京都市大・生存研)</p>	<p>4aD08 ゼニゴケ <i>FLO/LFY</i> 相同遺伝子の単離と解析 辻井由香, 宇山和樹, 大門靖史, 石崎公庸, 大和勝幸, 河内孝之, 荒木崇 (京大・院・生命)</p>	<p>4aE08 生物対流形成における細胞運動動態の時間発展 佐藤直樹 (東京大・院・総合文化)</p>
11:00	<p>4aA09 高湿度に応答してABA 8'-水酸化酵素が維管束と気孔細胞で活性化され、気孔開放に関与する。 岡本昌彦¹, 神谷勇治¹, 関原明¹, 南原英司² (¹理研・植物科学研究センター, ²トロント大学)</p>	<p>4aB09 <i>Anabaena</i> sp. PCC 7120における初期ヘテロシストパターンの形成機構の研究 豊島正和, 佐々木直文, 藤原誠, 佐藤直樹 (東京大・院・総合文化)</p>	<p>4aC09 シロイヌナズナの花萼形成におけるペクチンメチルエステラーゼの機能 佐藤香梨, 横山隆亮, 西谷和彦 (東北大院・生命)</p>		<p>4aE09 海洋性珪藻の塩応答遺伝子群の探索 神田拓也¹, 田中祐二², 松田祐介¹ (¹関学大・理工・生命, ²岩手大・農・寒冷バイオ)</p>
11:15	<p>4aA10 新気孔シグナル分子 — 8-ニトロ c GMP 上土井豊登¹, 前田大一¹, 赤池孝章², 澤智裕², 藤井重二², 岩井純夫¹ (¹鹿児島大・農, ²熊本大院・医)</p>	<p>4aB10 ヒメツリガネゴケのPpPPR_63遺伝子を破壊すると原糸体の分枝形成が異常になる 香村吉洋¹, 佐藤浩之², 杉田護³ (¹名大・遺伝子, ²東邦大・理・生物分子)</p>	<p>4aC10 イネのエンド型キシログルカン転移酵素/加水分解酵素(XTH)の機能解析 原吉直, 横山隆亮, 西谷和彦 (東北大院・生命科学)</p>		<p>4aE10 海洋性珪藻におけるCO₂応答性プロモーター結合転写因子の同定 井上拓也, 北原悠平, 松田祐介 (関西学院大院・理工・生命)</p>
11:30	<p>4aA11 グルタミン酸は気孔閉鎖シグナル分子である。 島谷哲生, 宮田富美花, 岩井純夫 (鹿児島大・農)</p>	<p>4aB11 ヒメツリガネゴケにおける多能性幹細胞化に必要なbZIP型転写因子の同定 宮脇香織¹, 岩田美根子¹, 大島真澄¹, 星野恭子¹, 曾我慶子¹, 小原真理¹, 久保稔², 西山智明²他 (¹JST-ERATO, ²金沢大・学際・ゲノム, ³基生研・生物進化, ⁴総研大・生命科学)</p>	<p>4aC11 ヒメツリガネゴケの新規エンド型転移酵素/加水分解酵素(XTH)遺伝子群の機能解析 横山隆亮¹, 上垣陽平¹, 原田太郎¹, 日渡祐二², 長谷部光泰², 西谷和彦³ (¹東北大院・生命科学, ²基生研・生物進化)</p>		<p>4aE11 光化学系II修復サイクルにおけるシロイヌナズナPsbP-like 1 (PPL1) タンパク質の挙動 石原靖子, 井戸邦夫, 伊福健太郎, 佐藤文彦 (京大院・生命)</p>
11:45	<p>4aA12 水分屈性におけるカリウムチャネルAKT2の機能解析 山本千草, 鈴木美和, 松本修平, 岡村健太, 根岸直希, 太治輝昭, 坂田洋一, 田中重雄 (東京農大・バイオ)</p>	<p>4aB12 次世代シーンサー 454の植物科学への応用 清水健太郎¹, 竹内やよい^{1,2}, 清水(稲継) 理恵^{1,2} (¹チューリヒ大学・理・植物, ²京都大学・農, ³京都大学・生恵研)</p>	<p>4aC12 ミトリササゲ胚軸細胞壁からのレクチン様タンパク質の単離と解析 中里(岡本) 朱根 (昭和薬大・生物)</p>		

F会場	G会場	I会場	J会場	K会場	L会場	M会場	時 間
<p>4aF08 塩生植物 <i>Thellungiella halophila</i> の高温耐性メカニズムの解明およびFOX huntingによる高温耐性付与遺伝子の探索 石川智子¹, 築地由佳¹, 坂田洋一¹, 田中重雄¹, 篠崎一雄², 太治輝昭¹ (¹東京農大・バイオ, ²理研・PSC)</p>	<p>4aG08 Hsp90 (HtpG) の機能及び構造に影響を与える化合物の網羅的探索 皆川俊¹, 近藤恭光², 齊藤安貴子², 長田裕之², 仲本準¹ (¹埼玉大・理分子生物, ²理研・抗生物質)</p>	<p>4aI08 <i>Synechococcus</i> sp. PCC 7002のZn²⁺ストレス応答における転写因子SmtBによる遺伝子発現調節 相原加奈子¹, 杉浦美羽^{1,2,3}, 林秀則^{1,2,3} (¹愛媛大院・理工, ²愛媛大・無細胞研究センター, ³愛媛大・ベンチャービジネスラボ)</p>	<p>4aJ08 植物でのカルモジュリンによるMAPKK非依存的なMAPK活性化機構の解析 高橋史憲¹, 溝口剛², 吉田理一郎³, 市村和也⁴, 篠崎一雄^{1,2} (¹理研PSC・機能開発, ²筑波大院・生命環境科学, ³農業生物資源研究所, ⁴理研PSC・植物免疫)</p>	<p>シンポジウム12 植物の視覚, 赤色光および青色光を視るしくみ 研究の最前線</p>	<p>シンポジウム13 表現型と遺伝子型の接点を探るRNA研究</p>	<p>シンポジウム14 植物科学のフロンティアを切り開く次世代モデル植物</p>	10:45
<p>重力</p>		<p>吸収・転流・蒸散</p>					
<p>4aF09 遠心顕微鏡を用いたシロイヌナズナ花茎重力感受機構の研究 豊田正嗣¹, 田坂昌生¹, 森田(寺尾)美代^{1,2} (¹奈良先端大・バイオ, ²JST, さきがけ)</p>	<p>4aG09 二次代謝に関する膜タンパク質のコムギ無細胞翻訳系による再構成 西山泰孝^{1,2}, 山内清司^{1,2}, 源治尚久¹, 遠藤弥重^{1,2}, 戸澤譲^{1,2} (¹愛媛大・無細胞セ, ²愛媛大・VBL)</p>	<p>4aI09 ケイ酸輸送体Lsi6によるイネ生殖生長期のケイ酸分配 山地直樹, 馬建鋒 (岡山大学・資生研)</p>	<p>4aJ09 2,4-D応答に関わるタンパク質, Small Acidic Protein 1 (SMAP1)はCOP9シグナロソーム(CSN)と結合する 中曾根光^{1,2}, 川合真紀³, 鳴海一成¹, 内宮博文^{2,4}, 大野豊¹ (¹原子力機構・遺伝子資源, ²東京大・分生研, ³埼玉大・理工, ⁴若手生工研)</p>				11:00
<p>4aF10 イネにおけるアセチルコリンエステラーゼの同定および機能解析 山本絃輔, 志田智史, 小林智也, 小栗秀, 桃木芳枝 (東京農科大学大学院 生物産業学研究所)</p>	<p>4aG10 コムギ無細胞翻訳系を利用したタンパク質ミストイル化システムの構築 山内清司^{1,2}, 魚住信之³, 林秀則^{1,2}, 遠藤弥重^{1,2}, 戸澤譲^{1,2} (¹愛媛大・無細胞研究センター, ²愛媛大・VBL, ³東北大院・工・バイオ工学)</p>	<p>4aI10 オオムギ由来排出型ケイ酸輸送体HvLsi2の更なる機能解析 三谷奈見季¹, 山地直樹¹, 千葉由佳子², 馬建鋒¹ (¹岡山大学・資生研, ²北大・創成)</p>	<p>4aJ10 植物におけるCOP9シグナロソーム結合因子の探索 片岡麻由子¹, 安喜史織¹, 堂前直², 岡穆宏¹, 青山卓史¹, 柘植知彦¹ (¹京都大学 化学研究所, ²理化学研究所 バイオ解析チーム)</p>				11:15
	<p>タンパク質修飾・分解</p>						
	<p>4aG11 コムギ無細胞系を用いたモデル植物におけるユビキチン化経路探索法の構築 高橋宏隆¹, 関原明², 篠崎一雄², 遠藤弥重¹, 澤崎達也¹ (¹愛媛大・無細胞センター, ²理研・PSC)</p>						11:30
	<p>4aG12 ABI5のSUMO化によるアブジン酸シグナルの調節 三浦謙治^{1,2}, Jiyong Lee³, Jing Bo Jin⁴, Chan Yul Yoo², 三浦友子², Paul M. Hasegawa² (¹筑波大・生命環境, ²バドュー大・園芸, ³慶尚大), ⁴慶尚大)</p>						11:45

一般講演（ポスター）プログラム

著者が9名以上の講演は、紙面の都合上9番目以下の著者を省略させていただきます。全著者名は要旨集の要旨を参照して下さい。

エネルギー変換・物質代謝

- P001 再構成された西洋ワサビペルオキシダーゼ活性の化学発光検出によるハイスループットなヘム定量法
増田建, 高橋重一, 小林康一 (東大院・総合文化)
- P002 ラン藻 *Synechocystis* sp. PCC 6803 における2つのヘムオキシゲナーゼアイソフォームの機能分化
青木里奈¹, 後藤武知¹, 南崎啓¹, 藤田祐一^{1,2} (¹名大院・生命農, ²JST さきがけ)
- P003 シロイヌナズナの Mg-キラーゼのサブユニット CHLH のポルフィリン結合性の解析
堀恵悟¹, 望月伸悦², 増田建¹ (¹東大院・総合文化, ²京大院・理)
- P004 ラン藻 *Synechocystis* sp. PCC 6803 におけるクロロフィルの E 環生成に関わる2つのアイソフォーム ChlA_I と ChlA_{II} の互換性
川尻安志¹, 南崎啓¹, 藤田祐一^{1,2} (¹名大院・生命農, ²JST さきがけ)
- P005 緑色硫黄細菌 *Chlorobium tepidum* における geranylgeranyl 還元過程の解析
原田二郎¹, 宮郷正平², 溝口正¹, 民秋均¹, 大岡宏造² (¹立命館・理工, ²阪大院・理)
- P006 フィコビリソーム超複合体のアセンブリにおける新規中間体の可能性
佐藤桃子, 成川礼, 池内昌彦 (東大・院・総合文化)
- P007 黄化トウモロコシ葉の緑化途上でのアンテナ系構築過程
中川義章, 田原由香里, 柴田稔, 伊藤繁 (名古屋大・理)
- P008 シロイヌナズナの光形態形成時における子葉でのクロロフィル合成に対する植物ホルモンの役割
小林康一¹, 深城英弘², 増田建¹ (¹東大院・総合文化, ²神戸大院・理)
- P009 クロロフィル分解の中間体を蓄積する変異株の解析
長谷川博之¹, 伊藤寿², 田中亮一², 田中歩² (¹北大・農, ²北大・低温研)
- P010 シアノバクテリア *Nostoc commune* NIES-24 のカロテノイド分析
持丸真里¹, 眞岡孝至², 高市真一³ (¹駒澤大・自然, ²生産開発科研, ³日本医大・生物)
- P011 シアノバクテリアにおけるカロテノイド、合成経路、遺伝子
高市真一¹, 持丸真里² (¹日本医大・生物, ²駒澤大・自然)
- P012 バクテリオクロロフィル-a 型および b 型光合成反応中心を利用したエネルギー移動系
渡部和幸, 溝口正, 波多野吏, 原田二郎, 民秋均 (立命館大・理工)
- P013 オキナワモズク盤状体由来のフコキサンチン-クロロフィル a/c 蛋白質 (FCP) の単離
喜多麻美子¹, 藤井律子¹, 伊波匡彦², 橋本秀樹¹ (¹阪市大・理, ²(株)サウスプロダクト)
- P014 珪藻由来のクロロフィル-c の立体構造解析とそのモデル色素の合成
溝口正, 木村ゆうき, 永井千尋, 国枝道雄, 民秋均 (立命館大・理工)
- P015 緑藻クラミドモナスの光化学系 I サブユニット Psah のステート遷移における機能解析
大西紀和, 高橋裕一郎 (岡大・院・自然科学)
- P016 緑色硫黄細菌 *Chlorobium tepidum* の光合成反応中心複合体のアフィニティクロマトグラフィによる調製
浅井智広¹, 原田二郎², 近藤徹³, 伊藤繁³, 大岡宏造¹ (¹阪大院・理, ²立命大・理工, ³名大院・理)
- P017 クロロフィル誘導体が光化学系 I-Chl a 結合部位に結合し、励起エネルギー伝達機能を持つための条件
池上勇, 渡辺裕次, 森川陽介, 大竹伸也 (帝京大・薬)
- P018 シリカメソ多孔体への光合成膜タンパク質光化学系 I の導入とその機能
上滝千尋¹, 石坂壮二¹, 野地智康¹, 梶野勉², 福嶋喜章², 関藤武士³, 神哲郎⁴, 伊藤繁¹ (¹名大院・理, ²豊田中央研究所, ³トヨタ自動車, ⁴産業技術総合研究所)
- P019 シアノバクテリアにおける光化学系 II 表在性タンパク質の脂質修飾に関する研究
久保田寿子¹, 栗原梓², 水澤直樹¹, 和田元^{1,2} (¹東大院・総合文化, ²東大院・理)
- P020 ジガラクトシルジアシルグリセロールの欠乏は *Synechocystis* sp. PCC 6803 の熱感受性を増大させる
水澤直樹, 酒田慎也, 桜井勇, 佐藤直樹, 和田元 (東大院・総合文化)
- P021 光化学系 II 複合体のアセンブリーに関与する Psb27 タンパク質の機能解析
内海真希, 久保田寿子, 水澤直樹, 和田元 (東大・院・総合文化)
- P022 シアノバクテリアにおける Psb28 タンパク質の機能解析
酒田慎也¹, 久保田寿子¹, 桜井勇², 水澤直樹¹, 和田元¹ (¹東大・院・総合文化, ²岡山大・資生研)
- P023 Quality control of Photosystem II: thylakoid unstacking is necessary for efficient degradation of the D1 protein under light and heat stresses in spinach thylakoids
MAHBUBA Khatoun, KAYO Inagawa, MIHO Yoshioka, NORIKO Morita, YASUSI Yamamoto (Faculty of Science, Okayama University)

- P024 光化学系 II の quality control : 光・熱損傷 D1 タンパク質の分解に関与する FtsH プロテアーゼの分布と存在状態
吉岡美保, 駒山敬介, 猪名川佳代, 山本泰 (岡山大・院・自然科学)
- P025 極低温フェムト-ピコ秒時間分解蛍光測定による乾燥地衣類光化学系 II の高速励起エネルギー消光過程の解析
小村理行¹, 三宅博之¹, 山岸篤史¹, 柴田穰¹, 岩崎郁子², 山本好和², 伊藤繁¹ (1名大・院・理, 2秋田県大・生物資源)
- P026 光化学系 II の酸素発生系における CP43-354 位グルタミン酸残基の役割
嶋田友一郎¹, 鈴木博行², 土屋徹¹, 鞆達也¹, 野口巧², 三室守¹ (1京大院・人間環境, 2筑波大院・数理物質科学)
- P027 *Synechocystis* sp. PCC 6803 からの光化学系 II 反応中心複合体の単離と分光特性の解析
鞆達也¹, 秋本誠志^{2,3}, 土屋徹¹, 福谷通孝³, 田中一徳³, 三室守¹ (1京大院・人間環境, 2神戸大・分子フォト, 3神戸大院・理)
- P028 シリカ多孔体細孔中に導入した好熱性シアノバクテリア光化学系 II 反応中心複合体の機能
野地智康¹, 上滝千尋¹, 川上恵典², 沈建仁², 梶野勉³, 福嶋喜章³, 関藤武士⁴, 伊藤繁¹ (1名古屋大学大学院理学研究科, 2岡山大学大学院自然科学, 3豊田中央研究所, 4トヨタ自動車)
- P029 Nucleotide dependent processes in the thylakoid lumen of higher plant chloroplast
Bjorn Lundin (Graduate School of Natural Science and Technology, Okayama University, Division of Molecular Genetics, Department of Physics, Chemistry and Biology, Linkopings University)
- P030 低窒素下での呼吸系の解析と AOX の役割
渡辺千尋^{1,2}, 蜂谷卓士², 高原健太郎³, 川合真紀⁴, 内宮博文^{3,5}, 寺島一郎², 野口航² (1阪大・理, 2東大・理, 3東大・分生研, 4埼玉大・理工, 5岩手生物工学研究所)
- P031 紅色光合成細菌 *Rubrivivax gelatinosus* のイソ型高電位チトクロム c_8 の光合成電子伝達への寄与及び同遺伝子周辺領域の DNA 解析
永島咲子, 嶋田敬三, 永島賢治 (首都大・理工)
- P032 RBCS 遺伝子を過剰発現した形質転換体イネの Rubisco 量, 光合成および個体生育
鈴木雄二, 宮本武彰, 吉澤隆一, 前忠彦, 牧野周 (東北大院・農)
- P033 カーボニックアンヒドラーゼの海洋性珪藻 *Phaeodactylum tricorutum* における発現制御と局在解析
立花政明², 菊谷早絵¹, 藤井めぐみ², 松田祐介¹ (1関学大・院・理工・生命, 2関学大・理工・生命)
- P034 海洋性珪藻における葉緑体カーボニックアンヒドラーゼ (PtCA1) 超分子複合体形成因子の探索
山崎有希子, 松田祐介 (関学大・院・理工・生命)
- P035 無機炭素濃縮機構を制御する因子 CCM1 複合体の構成因子 P80 の解析
中野博文¹, 山原洋佑¹, 小澤真一郎², 高橋裕一郎², 福澤秀哉¹ (1京都大・院・生命, 2岡山大・院・自然科学)
- P036 マンノース添加・無添加条件下における各種アズキ細胞の糖利用と代謝様式の比較
加藤晶^{1,2}, 井上雅裕¹ (1愛媛大学大学院 理工学研究科 生物環境科学, 2愛媛大学 無細胞生命科学工学研究センター)
- P037 イネのショ糖代謝における Sucrose Synthase の生理的役割とリン酸化による活性制御機構の解析
佐々木忠将, 竹田遥, 角田明奈, 三浦成敏, 島田浩章 (東京理科大・生物工)
- P038 糖応答時のプラスチド局在型インバルターゼの機能
多淵知樹¹, 出村谷昌代², 大鳥久美¹, 田部記章¹, 田茂井政宏^{1,2}, 重岡成^{1,2} (1CREST, JST, 2近畿大院農・バイオ)
- P039 イネ ADP-グルコース分解型 NPP の生理機能の解析
金古堅太郎¹, 山田智恵¹, 柳田愛¹, 北嶋彩¹, 伊藤紀美子¹, 三ツ井敏明^{1,2} (1新潟大院・自然科学, 2新潟大農・応生化)
- P040 緑色硫黄細菌 *Chlorobaculum tepidum* のチオ硫酸酸化酵素系の機能解析
志賀倫子¹, 小川拓郎², 瀬尾悌介⁴, 西本右子¹, 櫻井英博³, 井上和仁¹ (1神奈川大・理, 2東大・理, 3早稲田大・教育・理, 4金沢大院・自然科学・物質科学)
- P041 Roles of thioredoxins in the green sulfur bacterium *Chlorobaculum tepidum*
松田直美¹, 上條純弥¹, 久堀徹², 井上和仁¹ (1神奈川大・理, 2東工大・資源研)
- P042 *Heliobacterium modesticaldum* の光化学反応中心の可溶化とフェレドキシン、NADP⁺還元活性
Wanwipa Ittarat¹, 小川拓郎², 瀬尾悌介³, 上田和芳⁴, 志賀倫子⁴, 桑野修平⁴, 井上和仁^{2,4,5}, 櫻井英博^{1,5,6} (1早稲田大院・先進理工, 2東京大院・理, 3金沢大院・自然科学, 4神奈川大・理, 5神奈川大・光合成水素生産研, 6早稲田大・教育)
- P043 屈光性を示す *Fischerella* 属のシアノバクテリア
片山光徳 (日大・生産工)
- P044 シアノバクテリア光化学系 II の遺伝子置換による D1/D2 ヘテロダイマーの熱安定化とアフィニティー精製
加世田淳, 合島大治, 長濱一弘, 松岡正佳 (崇城大・生物生命)
- P045 *Thermosynechococcus elongatus* BP-1 の活性酸素に応答する転写因子 SufR ホモログは二種類の鉄硫黄クラスターを結合する
若松佑樹¹, 小川拓郎^{2,3}, 小林真理⁴, 成川礼¹, 井上和仁^{2,3}, 池内昌彦^{1,2} (1東大院・総合文化, 2東大院・理, 3神奈川大学・理, 4東工大・資源研)

- P046 チラコイド膜を持たないシアノバクテリア *Gloeobacter violaceus* PCC 7421 のゲノム中に見られる *vipp1* 様遺伝子の機能解析
佐藤壯一郎, 土屋徹, 三室守 (京大院・人間環境)
- P047 糸状性ラン藻 *Anabaena* sp. strain PCC 7120 における細胞表面構造とストレス防御機構の解析
吉村英尚¹, 大森正之², 池内昌彦³ (¹東大・総合文化, ²中央大・理工, ³東大・総合文化)
- P048 シアノバクテリア *Nostoc* sp. PCC 7422 Δ *hupL* 株を用いた光生物的水素蓄積に与える気相中窒素濃度の影響に関する研究
北島正治¹, 増川一^{1,3}, 井上和仁¹, 櫻井英博^{1,2} (¹神奈川大・理, ²早稲田大・教育, ³Dept. of Microbiol. & Mol. Genetics, Michigan State Univ.)
- P049 *Synechocystis* sp. PCC6803 におけるグルコース代謝関連遺伝子群の発現調節
堀井瑛介, 岡田克彦, 酒井勉, 都筑幹夫 (東京薬科大・生命)
- P050 ラン藻 *Synechocystis* sp. PCC 6803 の環境ストレス誘導性機能未知遺伝子の機能解析
武谷真由美, 白岩善博, 鈴木石根 (筑波大院・生命環境)
- P051 ラン藻 *Leptolyngbya boryana* における光依存型プロトクロロフィリド還元酵素の大量発現
小島寛子¹, 大城香², 藤田祐一^{1,3} (¹名大院・生命農, ²福井県立大・生物資源, ³JST さきがけ)
- P052 海洋性中心目珪藻 *Thalassiosira pseudonana* における光化学系タンパク質複合体の解析
得津隆太郎, 皆川純 (北大・低温研)
- P053 カナダ・ポーフォート海の植物プランクトンにおける夏期の光合成特性
藍川晋平¹, 三瓶真², 服部寛³, 佐々木洋⁴, 福地光男⁵, 佐藤和彦¹, 工藤栄⁵, Jean-Eric Tremblay²他 (¹兵県大・生命理, ²ラバル大, ³東海大・工, ⁴石巻専修大・工, ⁵国立極地研)
- P054 LHCII type IV の欠損によるステート遷移への影響
細川真規, 岩井優和, 得津隆太郎, 皆川純 (北大・低温研)
- P055 光化学系 II 修復サイクルにおける酸素発生系 PsbP タンパク質の役割
井戸邦夫, 石原靖子, 山本由弥子, 伊福健太郎, 佐藤文彦 (京大・院・生命)
- P056 シロイヌナズナ遺伝子破壊株を用いた PsbQ-Like (PQL) タンパク質の機能解析
藪田真也, 石原靖子, 高林厚史, 遠藤剛, 伊福健太郎, 佐藤文彦 (京大院・生命)
- P057 D1 タンパク質分解の調節機構における STN8 リン酸化酵素の影響
加藤裕介, 三浦栄子, 坂本亘 (岡山大・資生研)
- P058 The FtsH hetero-complex in chloroplasts: Dispensability of the zinc binding domain in Arabidopsis FtsH2
Di Zhang^{1,2}, Kato Yusuke², Sodmergen¹, Wataru Sakamoto² (¹北京大, ²岡山大・資生研)
- P059 イネにおける光化学系 I サイクリック電子伝達の生理機能解明
川川友季^{1,2}, 山本宏², 遠藤剛³, 小林善親¹, 鹿内利治² (¹九大院・理, ²京大院・理, ³京大院・生命科学)
- P060 シロイヌナズナ [CO₂] 変動応答性遺伝子発現に対する光化学系 I サイクリック電子伝達 (CEF-PSI) の関与
山本宏¹, 川川友季^{1,2}, 深澤美津江³, 林誠³, 鹿内利治¹ (¹京都大院・理・植物, ²九州大院・農・植物資源, ³基生研・細胞生物)
- P061 葉緑体 ATP 合成酵素 γ サブユニットの光還元と活性化
中根健¹, 吉田賢右^{1,2}, 久堀徹^{1,2} (¹東工大・資源研, ²JST・ICORP・ATP 合成制御)
- P062 炭素/窒素代謝と還元力輸送に関わる葉緑体の 2- オキソグルタル酸/ リンゴ酸輸送体
木下浩武, 谷口光隆, 川崎通夫, 三宅博 (名古屋大・農)
- P063 短期的な赤色光および青色光照射下におけるイネとホウレンソウの光合成ガス交換特性と窒素利用特性
大橋敬子, 松田怜, 梶健二, 高瀬将映, 蔵田憲次 (東大院・農)
- P064 日照による CAM 植物葉温の上昇と光合成の高温耐性
下田陽一, 鈴木祥弘 (神奈川大・院・理)
- P065 早春の林床光環境に対するカタクリ光合成系の順化
河野優 (神奈川大・理)
- P066 ラン藻 *Synechococcus elongatus* の硝酸還元酵素の制御機構の解析
大橋慶丈¹, 前田真一¹, 小俣達男¹, 愛知真木子², 渡辺智³, 吉川博文³ (¹名大院・生命農, ²中部大・応用生物, ³東農大・バイオ)
- P067 クロレラの窒素化合物利用に対するアンモニアの役割
谷口陽亮 (帝京大・薬)
- P068 Dof1 形質転換植物体における同化経路の相互活性化機構の解析
藤森玉輝^{1,2}, 吉原昌子¹, 米山忠克¹, 柳澤修一^{1,2} (¹東大院・農, ²JST CREST)
- P069 光センサータンパク質 AnPixJ のシリカ多孔体中への吸着
富田祐介¹, 青木俊¹, 野地智康¹, 上滝千尋¹, 宇津巻竜也¹, 神哲郎², 成川礼³, 池内昌彦³他 (¹名古屋大学大学院理学研

究科物質理学専攻, ²産業技術研究所研究科学技術研究部門高機能ガラスグループ, ³東京大学大学院総合文化研究科,
⁴豊田中央研究所)

発生・分化・成長

- P070 オオムギの約発生過程における高温障害の発生メカニズムの解明
押野健¹, 三浦慎也¹, 菊地俊介², 濱田和輝², 矢野健太郎², 東谷篤志¹ (¹東北大・院・生命科学, ²明治大・農)
- P071 オオムギの高温による雄性不稔に関する生理学的研究
三浦慎也, 苔米地真理, 押野健, 阪田忠, 東谷篤志 (東北大・院・生命)
- P072 MdFT 組み換えリンゴの花の特性
和田雅人¹, 嬉野紋乃¹, 高橋佐栄¹, 田中紀充², 小森貞夫², 守谷友紀¹, 工藤和典¹ (¹農研機構・果樹研, ²岩手大・農)
- P073 アサガオ、品種キダチにおける非光周期的非ストレス応答花成
長谷川博, 岩瀬悠以子, 竹能清俊 (新潟大院・自然科学)
- P074 シロイヌナズナ花芽分化誘導に関わる新規遺伝子の単離
Florent Robvieux¹, Takashi Kuromori², Kazuo Shinozaki², Yoshibumi Komeda¹ (¹Grad. Sch. of Sci., Tokyo Univ., ²RIKEN Plant Sci. Center)
- P075 シロイヌナズナ *PDF2* 過剰発現体における花芽分化誘導遅延表現型の分子遺伝学的解析
松山善亮, Florent Robvieux, 渡辺綾子, 米田好文 (東大院・理)
- P076 花成制御に関わるフィトクロム相互作用因子 VOZ の細胞内局在解析
安居佑季子¹, 硯亮太¹, 西谷亜依子¹, 向川佳子², 佐藤雅彦³, 河内孝之¹ (¹京大・生命科学, ²奈良先端大・バイオ, ³京府大・生命環境)
- P077 変異型 Kai タンパク質を用いた概日時計機構の解析
北山陽子¹, 杉浦安奈¹, 寺内一姫¹, 西脇妙子¹, 近藤孝男^{1,2} (¹名大・理・生命, ²CREST, JST)
- P078 シアノバクテリア時計蛋白質 KaiC の 6 量体形成と ATPase 活性の関係
大川(西脇)妙子^{1,2}, 柴田有紀¹, 近藤孝男^{1,2} (¹名大・院理・生命理学, ²科学技術振興機構・CREST)
- P079 ラン藻の入力系蛋白質 Pex の *in vivo* での複合体と *in vitro* DNA 結合機能の解析
杵名伸介¹, 北山陽子³, 有田恭平², 清水敏之², 近藤孝男³, 佐藤衛², 眞鍋勝司¹ (¹横浜市大・国際総合科学, ²横浜市大・国際総合科学, ³名大・理)
- P080 シロイヌナズナにおける *CUP-SHAPED COTYLEDON (CUC)*、遺伝子の下流遺伝子解析
萩巢寛之, 苅谷綾乃, 椿本有雅, 田坂昌生, 相田光宏 (奈良先端大・バイオ)
- P081 ヒメツリガネゴケの世代交代を制御するポリコム遺伝子 *PpCLF*
岡野陽介¹, 青野直樹¹, 日渡祐二^{1,2}, 村田隆^{1,2}, 久保稔³, 西山智明^{3,4}, 長谷部光泰^{1,2,3} (¹基生研・生物進化, ²総研大・生命科学, ³JST・ERATO 分化全能性進化, ⁴金沢大・学際・ゲノム)
- P082 ヒメツリガネゴケ SBP-box 遺伝子は葉細胞の幹細胞化を抑制する
樋口洋平¹, 大場久美子¹, 馬渡未来¹, 長谷部光泰^{1,2,3}, 佐藤良勝¹ (JST・ERATO, ²基生研・生物進化, ³総研大)
- P083 植物の気孔形成に働く受容体型キナーゼ信号伝達系の解析
中村真也¹, 川向誠², 中川強¹ (¹島根大・総科センター遺伝子, ²島根大・生物資源科学)
- P084 X 線 CT によるミヤコグサ種子内部構造の観察
山内大輔¹, 早見実人¹, 唐原一郎², 早川基実¹, 竹内美由紀¹, 佐藤蘭子³, 豊岡公德³, 上杉健太郎⁴他 (¹兵庫県大・院・生命理学, ²富山大・院・理工, ³理研・植物センター, ⁴高輝度光科学研究センター)
- P085 発芽可能な上限温度で発芽しないシロイヌナズナ突然変異体の選抜と解析
徳地小夏, 岡野侑子, 谷口翔, 小野田誠, 小出正和, 藤茂雄, 川上直人 (明治大・農)
- P086 赤色光照射後の暗所におけるシロイヌナズナ種子発芽の高温阻害では、アブシジン酸ではなく PIL5 が主要な役割を持つ
藤茂雄¹, 渡邊飛鳥¹, 山口信次郎², 神谷勇治², 南原英司³, 川上直人^{1,3} (明治大・農・生命科学, ²RIKEN・植物科学センター, ³トロント大・細胞システム生物学)
- P087 FUS3 による ABA 生合成制御に関与する遺伝子の変異体分離と表現型解析
加賀谷安章¹, 皆巳大輔¹, 香村博之¹, 浅野智也¹, 加賀谷道子¹, 佐野順子¹, 服部東穂² (¹三重大・生命科学セ, ²名大・生物機能セ)
- P088 シロイヌナズナ B3 ドメイン転写抑制因子 HSI2, HSL1 による種子成熟プログラム抑制機構の解析
近藤有里¹, 美野正彰¹, 社本将利¹, 塚越啓央², 前尾健一郎¹, 中村研三¹ (¹名大院・生命農・生化, ²現・Duke University)
- P089 イネ種子発芽時における金属元素の流れ
高橋美智子¹, 野副朋子¹, 北島信行², 福田直樹³, 保倉明子³, 寺田靖子⁴, 中井泉³, 石丸泰寛¹他 (¹東大院・農, ²(株)

- フジタ, ³東理大・理, ⁴Spring-8, JASRI 4)
- P090 シロイヌナズナの茎頂分裂組織新形成に関与する新規因子 RID3 と RGD3 の解析
玉置裕章¹, 相田光宏², 田坂昌生², 杉山宗隆¹ (¹東京大・院・理・植物園, ²奈良先端大・バイオ)
- P091 ヒメツリガネゴケにおける *ANGUSTIFOLIA* 相同遺伝子の機能解析
沖田友美¹, 武智克彰¹, 山本慈恵², 滝尾進³, 塚谷裕一⁴, 高野博嘉^{1,5} (¹熊大院・自然科学, ²熊大・理, ³熊大・沿岸域センター, ⁴東大院・理, ⁵熊大・バイオ)
- P092 葉形態形成の有限性制御の解明— *Monophyllaea* 属植物の解析から
石川直子¹, 山口貴大¹, 塚谷裕一^{1,2} (¹基生研, ²東大・院・理)
- P093 シロイヌナズナの頂端分裂組織におけるレーザーアブレーション系の確立
五十嵐久子, 土田祐平, 岡田清孝 (基生研)
- P094 シロイヌナズナの *asymmetric leaves1*, *asymmetric leaves2* 変異はリボソーム結合低分子化合物によって亢進される
山本高大¹, 中川彩美², 車炳允¹, 禹濟泰¹, 永井和夫¹, 小島晶子^{1,2}, 町田泰則³, 町田千代子^{1,2} (¹中部大・応用生物, ²中部大・植物バイオ, ³名古屋大・院理)
- P095 シロイヌナズナの葉の発生に関わる *asymmetric leaves2 (as2)* 亢進変異体 #27 の解析
今井智哉¹, 佐藤ちひろ¹, 岩崎まゆみ², 松村葉子³, 町田泰則³, 町田千代子^{1,2}, 小島晶子^{1,2} (¹中部大・応生, ²中部大・植物バイオ, ³名古屋院・理)
- P096 シロイヌナズナの *ASYMMETRIC LEAVES1* 及び *ASYMMETRIC LEAVES2* 遺伝子と class 1 *KNOX* 遺伝子との葉の形態形成における分子遺伝学的関係
池崎仁弥¹, 小嶋美紀子², 榊原均², 上野宜久¹, 町田千代子³, 町田泰則¹ (¹名大院・理・生命, ²理研・PSC, ³中部大・応用生物)
- P097 オーキシン応答性を示すシロイヌナズナ *AS2-LIKE GENE 23 (ASL23/LBD19)* 遺伝子の機能解析
渡邊ゆか¹, 中田恵子¹, 松村葉子¹, 町田千代子², 町田泰則¹ (¹名大院・理・生命, ²中部大・応用生物)
- P098 シロイヌナズナ側根形成における *LBD16/ASL18* 下流遺伝子の解析
上原健生¹, 奥島葉子², 三村徹郎³, 田坂昌生², 深城英弘³ (¹神戸大・院・自然科学, ²奈良先端大・バイオ, ³神戸大・院・理)
- P099 側根形成過程におけるオーキシン誘導性 *LBD/ASL* ファミリーの機能解析
郷達明¹, 上原健生², 三村徹郎¹, 深城英弘¹ (¹神戸大・院・理, ²神戸大・院・自然科学)
- P100 イネ冠根形成を制御する *CROWN ROOTLESS5 (CRL5)* 遺伝子の解析とその下流因子の探索
木富悠花¹, 伊藤寛子², 北野英己³, 犬飼義明¹ (¹名古屋大・生命農学, ²名古屋大・農, ³名古屋大生物機能開発利用研究センター)
- P101 ネナシカズラ寄生根の形成過程におけるシュート頂分裂組織形成に関与する遺伝子の発現
中沢粹子², 宮嶋祥三¹, 山本将之¹, 古橋勝久³, 山田恭司¹, 若杉達也¹ (¹富山大・院・理工, ²富山大・理・生物, ³名古屋植物資源研究所)
- P102 *Eucalypts globulus* の不定根形成に CO₂ が与える影響とオーキシンの役割
根岸直希, 藤井裕二, 河岡明義 (日本製紙・森林研)
- P103 レタス根毛形成におけるクロロゲン酸の役割解析 ～光との関係～
成川恵¹, 奈良好記¹, 井上康則^{1,2} (¹東理大・理工・応生, ²東理大・再生工学)
- P104 CC-NB-LRR 型遺伝子 UNI の活性化型変異体 uni-1D を用いた感染応答と形態形成を結ぶ分子機構の解析
打田直行, 猪狩和成, 田坂昌生 (奈良先端大・バイオ)
- P105 シロイヌナズナにおける xylogen の局在解析
小林裕樹¹, 本瀬宏康², 福田裕穂¹ (¹東大・院・理, ²東大・院・総合文化)
- P106 シロイヌナズナにおいて葉緑体機能構築を抑制する *SUG* 因子群の解析
清水正則, 根岸千花, 木村亜有, 山田貴子, 小林京子, 丹羽康夫, 小林裕和 (静科大院・生活健康・植物機能開発)
- P107 イネ膜貫通型レセプターと推定される *DENSE PANICLE 1* の細胞外ドメインの欠失が半矮性および個体あたりの穎花数の増加をもたらす
田口文緒¹, 川越靖¹, 加藤浩², 小野寺治子¹, 田切明美¹, 原奈穂¹, 宮尾安藝雄¹, 廣近洋彦¹他 (¹生物研, ²作物研, ³名大・農)
- P108 アサガオにおける *WUSCHEL*, *SHOOTMERISTEMLESS*, *FRUITFUL* オーソログの単離と解析
小林奈通子¹, 田野井慶太郎¹, 星野敦², 飯田滋², 中西友子¹ (¹東大院・農, ²基生研)
- P109 TFL1 分子機能の解析
花野滋, 後藤弘爾 (岡山県生物科学総合研究所)
- P110 シロイヌナズナ *LFY* 遺伝子の時間的、空間的な発現変化による小花柄と果実の伸長方向の制御機構の解析
山口暢俊, 米田好文 (東大院・理)

- P111 イネ *LAX PANICLE 1 (LAX1)* 遺伝子の機能解析
及川鉄男, 経塚淳子 (東大院・農学生命科学)
- P112 器官境界部を作る *CUC1* 遺伝子の下流遺伝子 *LSH3* と *LSH4* の機能解析
武田征士, 花野恵子, 椿本有雅, 荻谷綾乃, 清水聡子, 田坂昌生, 相田光宏 (奈良先端大・バイオ)
- P113 第2ウォールが萼化したトレニア変異体を用いた解析—変異表現型の原因遺伝子の解明に向けて—
佐々木克友¹, 山口博康¹, 間竜太郎¹, 四方雅仁¹, 小松拓真¹, 阿部知子², 大坪憲弘¹ (¹花き研究所, ²理研・仁科センター)
- P114 シロイヌナズナ転写因子キメラリプレッサーのバルク導入による新形質トレニアの効率的作出
四方雅仁¹, 鳴海貴子², 光田展隆³, 山口博康¹, 佐々木克友¹, 間竜太郎¹, 高木優³, 大坪憲弘¹ (¹農研機構・花き研, ²香川大・農, ³産総研・ゲノムファクトリー)
- P115 基部真正双子葉類に属するキンポウゲ科タガラシにおける *MADS-box* 遺伝子群の単離及び発現解析
佐藤由夏, 伊藤元己 (東大院・総合文化)
- P116 舌状花弁特異的発現遺伝子 *CmCCD4a* は舌状花の無いキク野生種でも機能を保っている
能岡智, 住友克彦, 藤田祐一, 山形敦子, 小野崎隆, 大宮あけみ, 柴田道夫 (農業・食品産業技術総合研究機構 花き研究所)
- P117 イネの雄性配偶子とタペータム細胞でのトランスクリプトーム解析
保浦徳昇¹, 諏訪部圭太², 安益公一郎¹, 鈴木剛³, 矢野健太郎⁵, 石水毅⁴, 藤田雅丈⁶, 高橋宏和⁸他 (¹名大・生物機能開発利用研究センター, ²東北大・生命科学, ³大阪教育大・教育, ⁴大阪大, ⁵明治大・生命科学, ⁶遺伝研・系統七, ⁷岩手大・21COE, ⁸東大院・農学生命科学, ⁹農業生物資源研究所)
- P118 イネの小胞子/花粉およびタペータムにおける植物ホルモン関連遺伝子の網羅的な発現解析
平野恒¹, 安益公一郎¹, 保浦徳昇¹, 榎原均², 小嶋美紀子², シムロザリン¹, 長谷川慶子¹, 上口(田中)美弥子¹他 (¹名大・生物機能開発利用研究センター, ²理研・植物科学研究センター)
- P119 マイクロアレイを用いたスギ雄性不稔に関連する遺伝子群の解析
三村典宏¹, 齋藤真己², 篠原健司¹ (¹森林総研, ²富山森林研)
- P120 雄性組織で発現するユビキチン化関連タンパク質の解析
井川智子, 藤原正幸, 深尾陽一郎, 柳川由紀 (奈良先端大・バイオ・植物教育ユニット)
- P121 花粉成熟に必要なシロイヌナズナ *MS1* 転写因子が制御するアシル基転移酵素遺伝子の機能解析
伊藤卓也^{1,3}, 松田史生², 峠隆之², 長田裕之¹, 齊藤和季², 篠崎一雄³ (¹理研・基幹研・長田抗生物質, ²理研・植物センター・メタボローム解析, ³理研・植物センター・機能開発)
- P122 シロイヌナズナのポレンコート構成成分の同定とその生合成機構の解析
齊藤弘子, 森仁志, 中村研三, 石黒澄衛 (名古屋大学大学院・生命農学)
- P123 ホスファチジルイノシトール3キナーゼによる花粉発芽の制御
藤木友紀, 大隅良典 (基生研・分子細胞生物)
- P124 花粉管で発現するシロイヌナズナのハウ素トランスポーター *BOR6, BOR7* の、花粉管伸長に及ぼす影響と受精との関係
吉永晃子¹, 三輪京子¹, 大森弘之¹, 藤原徹^{1,2} (¹東大・生物生産工学研究センター, ²SORST, JST)
- P125 ナシにおける単為結果性品種の探索と単為結果性機構の解析
山口(中村)郁子¹, 板井章浩², 寺上伸吾¹, 高田教臣¹, 西尾総悟¹, 澤村豊¹, 齋藤寿広¹, 金會澤¹他 (¹果樹研究所, ²鳥取大・農)
- P126 胚乳形成変異体 *flo2* と高温登熟イネの生理学的解析
草野博彰¹, シヤクタカシ¹, 羽方誠², 内藤夏佳¹, 鶴巻由美¹, 田中基¹, 佐々木忠将¹, 青山卓史⁴他 (¹東京理科大・生物工, ²中央農研・北陸, ³九州大・農研究院, ⁴京大・化研)
- P127 イネ胚乳成分に変質を持たらす *flo2* 変異の原因遺伝子 *OsCEO1* の単離と機能解析
シヤク高志¹, 草野博彰¹, 内藤夏佳¹, 福田真人¹, 工藤麻里¹, 羽方誠², 山川博幹², 佐藤光³他 (¹東京理大・生物工, ²中央農研・北陸農試, ³九州大・農研究院)
- P128 トマトの果実形成に関与するチトクローム *P450* の機能解析
松尾哲, 菊地郁, 福田真知子, 本多一郎 (農研機構・野菜茶研)
- P129 タバコ種間雑種 (*Nicotiana glauca* x *N. tabacum*) の雑種致死をおこす培養細胞に特異的に発現するタンパク質と遺伝子
三井涼子¹, 山本拓海¹, 愛洲星太郎¹, 奥村華子¹, 浅田由起子¹, 佐藤健司¹, 北島佐紀人², 田中良和³他 (¹京都府立大学大学院 生命環境科学研究科, ²京都工芸繊維大学 工芸科学研究科/応用生物学部門, ³若狭湾エネルギー研究センター)
- P130 タバコのプログラム細胞死制御候補因子 *NtLPL1* の単離と機能解析
花俣鑿¹, 白井直樹², 千田麻衣², 飯田俊次², 賀屋秀隆³, 朽津和幸⁴, 東克己^{1,2} (¹帝京科学大院・理・バイオ, ²帝京科学大・生命環境・バイオ, ³東京理科大・ゲノム創薬, ⁴東京理科大・理工・応用生物)

- P131 植物の LSD1 様タンパク質の機能解析
中村歩, 高林賢吾, 天野晃彰, 上中弘典 (鳥取大・農)
- P132 シロイヌナズナの *CLAVATA2* 遺伝子に蓄積された有害な突然変異は、小胞体の HSP90 型分子シャペロン SHEPHERD によって隠蔽されている
丹羽智子, 中村研三, 石黒澄衛 (名大院・生命農)
- P133 イネの側根伸長を制御する RCN1/OsABCG5
嬉々奈¹, 木藤新一郎², 安藤美保⁴, 塩野克宏⁴, 中園幹生⁴, 高牟礼逸朗³, 加藤清明¹ (¹帯広畜産大学, ²岩手大学農学部 附属寒冷バイオシステム研究センター, ³北大農院, ⁴東大院農学生命科学)
- P134 根の伸長を制御する新奇転写因子 *UP BEAT1* の解析
塚越啓央, Philip Benfey (デューク大)
- P135 イネのユビキチンリガーゼ EL5 は側根形成と細胞死を制御する
望月進, 岸本久太郎, 近藤勝彦, 中島恵美, 倉野洋子, 南栄一, 西澤洋子 (生物研・植微ユニット)
- P136 海産紅藻スサビノリにおけるカルシウムイオンおよびホスホリパーゼによる細胞極性形成の制御
李琳¹, 嵯峨直恆², 三上浩司² (¹北大院・水産, ²北大院・水産)
- P137 根毛伸長時に見られるカルシウムオシレーション
武田直也¹, 林誠¹, Martin Parniske², 今泉(安楽)温子¹ (¹農業生物資源研究所, ²ミュンヘン大)
- P138 植物の水吸収モデルにおけるアポプラストカナルに対する溶質流入量と流出量の比較
水野昇治¹, 水野暁子² (¹日本福祉大学・健康科学部, ²日本福祉大学・子ども発達学部)
- P139 *In silico* 遺伝子スクリーニングによって見出された新規ペプチドホルモン候補
松崎曜, 大山健太郎, 松林嘉克 (名大院・生命農)
- P140 α ケトール型オキシリピン 9-hydroxy-10-oxo-12(Z),15(Z)-octadecandienoic acid (KODA) の定量分析と生合成遺伝子 *LOX* の生理機能解析
綾野まどか¹, 渡辺修治², 村田有明², 中嶋直子³, 生駒吉識³, 嶋田幸久¹, 吉田茂男¹ (¹理研・PSC, ²静大・創造, ³農研機構・果樹研)
- P141 フタテンチビヨコバイによるイネ・トウモロコシへのゴール形成に関連する植物ホルモンの一斉定量解析
徳田誠¹, 松倉啓一郎², 軸丸裕介¹, 松村正哉², 神谷勇治¹ (¹理研 PSC・生長制御, ²九州沖縄農研)
- P142 微量植物試料からの高速高感度ホルモン定量技術の利用による有用遺伝子探索
小嶋美紀子, 榎田庸絵, 武井兼太郎, 榎原均 (理化学研究所 植物科学研究センター)
- P143 植物腫瘍遺伝子とオーキシン流入キャリア阻害剤によるタバコ IAA の再分配
高橋幸子, 小川敦史, 我彦広悦 (秋田県立大・生物資源)
- P144 ヒメツリガネゴケ葉細胞の分化転換に関わるオーキシン応答因子の解析
永島明知¹, 小原真理¹, 久保稔¹, 林謙一郎², 長谷部光泰^{1,3,4}, 倉田哲也¹ (¹科学技術振興機構・ERATO, ²岡山理大・理, ³基生研・生物進化, ⁴総研大・生命科学)
- P145 オーキシンによるオオムギ幼葉鞘の伸長誘導における、1,3:1,4- β -グルカナーゼ遺伝子の役割
菅原朋子¹, 中川直樹², 櫻井直樹² (¹広島大・総合科, ²広島大院・生物圏)
- P146 シロイヌナズナ下胚軸のオーキシン, スクロースによる伸長生長と XTH 遺伝子発現の関連性について
菊池智絵, 中川直樹, 櫻井直樹 (広島大院・生)
- P147 サイトカニンシグナルを介したソースシンク間での窒素代謝制御の解析
五十嵐大亮¹, 和泉自泰², 戸塚一彦¹, 福崎英一郎², 大住千栄子¹ (¹味の素(株) ライフサイエンス研究所, ²大阪大学 工学研究科)
- P148 新規 ABA 関連遺伝子座の探索と ABA 関連因子の機能解析の試み
石出真有美¹, 林晋平^{1,2}, 山中結子¹, 村山真紀^{1,3}, 浅見忠男⁴, 篠崎一雄², 平野久¹, 平山隆志^{1,5} (¹横浜市大・院・国際総合科学, ²理研・PSC, ³立教大・理, ⁴東京大・院・農学生命, ⁵理研・ASI)
- P149 Effect of salinity on levels of endogenous gibberellins and abscisic acid during germination of dimorphic seeds of *Suaeda salsa*
李偉強 (鳥取大学乾燥地研究センター)
- P150 タマネギ鱗茎形成を制御する内生因子の解明
望月達史¹, 齊藤新², 松塚祐樹³, 高田晃⁴, 幸田泰則¹ (¹北大院・農, ²野茶試, ³東洋新薬, ⁴弘前大・農生)
- P151 MYB 型転写因子 GAMYB によるエキシン形成制御機構はいつ誕生したか?
安益公一郎, 上口(田中)美弥子, 平野恒, 松岡信 (名大・生物機能開発利用研究センター)
- P152 イネの 13 位水酸化ジベレリンの生合成に関わるシトクローム P450 遺伝子の探索
真籠洋, 野村崇人, 花田篤志, 武田・神谷紀子, 神谷勇治, 山口信次郎 (理研・植物科学研究センター)

- P153 ヒメツリガネゴケの内生ブラシノステロイド
横田孝雄¹, 柴田恭美¹, 野村崇人^{1,2}, 藤田知道³, 中野雄司⁴ (¹帝京大・バイオ, ²宇都宮大・雑草, ³北大院・理, ⁴理研・中央研)
- P154 ヒメツリガネゴケにおけるブラシノステロイドの働き
津森康一郎¹, 丹生谷博², 笠原賢洋¹ (¹立命館大・生命, ²東京農工大・遺伝子実験施設)
- P155 シダ植物に含まれるブラシノステロイド
横田孝雄, 柴田恭美, 野村崇人 (帝京大学・理工)
- P156 bHLH 型転写因子をコードするイネのブラシノステロイド誘導性遺伝子の機能解析
田中惇訓^{1,2}, 大武美樹¹, 中川仁¹, Joseph G. Dubouzet¹, 浅見忠男³, 鎌倉高志², 森昌樹¹ (¹農業生物資源研究所, ²東理大院・理工, ³東大院・農生科)
- P157 新規ブラシノステロイド不活性化経路の解明
水谷正治¹, 川邊綾美¹, 清水文一¹, 嶋田幸久², 藤岡昭三², 坂本知昭³ (¹京大・化研, ²理研, ³名大)
- P158 傷害に応答したシロイヌナズナ *DADI* 遺伝子の発現制御機構の解明
大野彰子, 中村研三, 石黒澄衛 (名大院・生命農)
- P159 シロイヌナズナ *DADI-LIKE LIPASE* 遺伝子群の発現プロファイルの解析
杉浦明香, 田畑亮, 中村研三, 石黒澄衛 (名大・院・生命農)
- P160 セルロース合成阻害剤に対する感受性が変化した変異体が示す、ホルモンと関連する形質
中川直樹, 櫻井直樹 (広島大・生物圏)
- P161 植物の生殖器官に対する高温ストレスの影響
阪田忠, 渡辺正夫, 東谷篤志 (東北大学・院・生命科学)
- P162 シロイヌナズナにおいて細胞質分裂を制御する MAPK の探索
幸筋健, 征矢野敬, 高橋裕治, 町田泰則 (名古屋・理・生命)
- P163 R1R2R3-Myb 転写活性化因子を過剰発現するタバコ BY2 細胞のトランスクリプトーム解析
加藤貴一¹, Ivan Galis^{2,4}, 鈴木しをり¹, 松岡健^{2,3}, 伊藤正樹¹ (¹名古屋大・院・生命農学, ²理研・PSC, ³九州大・農, ⁴Max-Planck-Institute for Chemical Ecology, Germany)
- P164 シロイヌナズナ *tonsoku* 変異株のメリステム異常における細胞周期チェックポイントの役割
中嶋讓¹, 稲垣宗一², 森上敦³, 鈴木孝征¹, 中村研三¹ (¹名大院・生命農, ²独法遺伝研, ³名城大・農)
- P165 シロイヌナズナのチェックポイント機構に関与する *AtRAD26* 蛋白質の解析
坂本綾子, 中川繭, 鳴海一成 (原子力機構・遺伝子資源)
- P166 シロイヌナズナ *Anaphase-Promoting Complex Subunit 5* 遺伝子の機能解析
四方明格¹, 二瓶晋¹, 中村岳志¹, 阿部悠紀¹, 賀屋秀隆¹, 朽津和幸^{1,2} (¹東京理科大・理工・応用生物, ²東京理科大・ゲノム)
- P167 酸性温泉藻シアニジウムはなぜ中性 pH では生育できないか?
片山るり子¹, 長尾遼¹, 鈴木健裕², 堂前直², 奥村彰規³, 岩井雅子⁴, 榎並勲¹ (¹東理大・理, ²理研・バイオ解析, ³日大・文理, ⁴東理大・理工)
- P168 タペータムおよび雄性配偶体内の脂質系オルガネラの形成とポーレンコート沈着に関する超微構造学的解析
棚橋沙由理, 永田典子 (日本女子大・理)
- P169 ペルオキシソーム形成因子 PEX10 の発現抑制により影響を受ける遺伝子群の同定
神垣あかね, 深澤美津江, 林誠, 西村幹夫 (基生研・細胞生物)
- P170 ペルオキシソーム局在性プロセシングプロテアーゼ *AtDeg15* の機能解析
谷川いづみ¹, 真野昌二², 西村幹夫², 加藤朗^{1,3} (¹新潟大院・自然科学, ²基生研・細胞生物, ³新潟大・理・生物)
- P171 シロイヌナズナにおけるペルオキシソーム局在型リンゴ酸脱水素酵素 *PMDH2* の役割
五十嵐健太¹, 林八寿子², 加藤朗^{1,3} (¹新潟大院・自然科学, ²新潟大・理・自然環境, ³新潟大・理・生物)
- P172 ゲノムデータに基づくオルガネラ移行に関わる N 末端シグナル配列の獲得過程の予測
堀孝一, 養老瑛美子, 関根靖彦 (立教大・理)
- P173 シロイヌナズナ *apg(albino or pale-green)17* 変異ラインの機能解析
鍋島一真¹, 明賀史純², 武智克彰¹, 森山靖子³, 佐藤博³, 滝尾進⁴, 篠崎一雄², 高野博嘉^{1,5} (¹熊大・院・自然科学, ²理研・植物科学研究センター, ³熊大・理, ⁴熊大・沿岸域センター, ⁵熊大・バイオエレクトロニクス研究センター)
- P174 シロイヌナズナ CRL タンパク質複合体同定の試み
吉岡泰¹, 中村善紀¹, 浅野智哉², 町田泰則¹ (¹名大院・理, ²金沢大・学際科学実験セ)
- P175 オルガネラ・核間に存在する DNA 複製協調機構の解析
小林勇気¹, 兼崎友¹, 田中歩², 黒岩晴子³, 黒岩常祥³, 田中寛^{1,4} (¹東大・分生研, ²北大・低温研, ³立教大・極限生命

- 情報センター, ⁴千葉大院・園芸)
- P176 Whole-genome tiling array analysis to identify centromere regions in the red algae, *Cyanidioschyzon merolae*.
兼崎友¹, 今村壮輔¹, 田中寛^{1,2} (¹東大・分生研, ²千葉大院・園芸)
- P177 単細胞性紅藻 *Cyanidioschyzon merolae* 10D の遺伝子組換え
大沼みお^{1,3}, 箕田歩², Andreas P.M. Weber², 黒岩晴子¹, 黒岩常祥¹, 田中寛^{3,4} (¹立教大・極限生命情報センター, ²ミシガン州立大学, ³東京大・分生研, ⁴千葉大・院・園芸)
- P178 タバコ培養細胞を用いたミトコンドリア核のヌクレオソーム様構造の解析
田草川真理¹, 酒井敦² (¹奈良女大・院・人間文化, ²奈良女大・理)
- P179 DNA 結合タンパク質タグを利用したプラスチド核様体のプロテオーム解析
寺沢公宏, 佐藤直樹 (東大・院・総合文化)
- P180 テトラヒメナにおけるミトコンドリア局在 DNA ポリメラーゼの研究
森山崇, 佐藤直樹 (東京大・総合文化)
- P181 Cell-cycle-dependent dynamics of nucleolar small G protein AtNOG1
I Nengah Suwastika¹, Kunio Takeyasu¹, Takashi Shiina² (¹Lab. of Plasma Membrane and Nuclear Signaling, Grad. Sch. of Biostudies Kyoto Univ., ²Fac. of Human Env. Sci. Kyoto Prefectural Univ.)
- P182 ダイズ色素体シグマ因子遺伝子 *GmSIG5A, 5B* のクローニングと発現解析
房田直記, 近藤優, 希代裕輝, 高橋秀夫 (日本大・生物資源)
- P183 ヒメツリガネゴケの PPR タンパク質の DYW モチーフはリボヌクレアーゼ活性を持つ
井手瑞樹, 田崎瑛示, 杉田千恵子, 杉田護 (名大・遺伝子)
- P184 雄性不稔に関する植物ミトコンドリア遺伝子 *orf125* の転写様式の解析
小林健人, 今村順, 肥塚信也 (玉川大院・農)
- P185 スギ葉色変異体における葉緑体 *matK* 遺伝子の挿入変異と表現形質の関連解析
平尾知士¹, 渡辺敦史¹, 栗田学¹, 近藤禎二¹, 高田克彦² (¹森総研・林木育種センター, ²秋田県立大学)
- P186 葉緑体チラコイド膜の可逆的構造変化と葉の伸展速度およびスターチ合成との関係
野末はつみ¹, 馬屋原一平¹, 亀谷清和², 園池公毅³, 林田信明², 野末雅之¹ (¹信州大・繊維, ²信州大・ヒト環境, ³東京大学・新領域)
- P187 新規微小管関連因子 PROPYZAMIDE HYPERSENSITIVE2 (PHS2) の機能解析
加藤壮英, 直井国子, 橋本隆 (奈良先端大・バイオ)
- P188 AtEB1c は正常な染色体分離と分裂期微小管の配置に必要である
小牧伸一郎, 橋本隆 (奈良先端大・バイオ)
- P189 表層微小管-セルロース微繊維相互作用に対する新規阻害剤コプトリンの標的因子の探索
米田新¹, 伊藤卓也², 桧垣匠^{3,4}, 朽名夏磨^{3,4}, 斉藤臣雄², 馳澤盛一郎^{3,4}, 長田裕之², 松井南¹ (¹理研・PSC, ²理研・NPDepo, ³東京大・院・新領域, ⁴JST, BIRD)
- P190 シロイヌナズナの中間径フィラメントモチーフタンパク質の細胞内局在及び遺伝子発現の組織特異性
藤田真幸, 佐藤成一, 金田剛史 (愛媛大・院・理工)
- P191 シロイヌナズナ葉緑体逃避運動における葉緑体アクチンフィラメント変化の解析
市川智史¹, 末次憲之², 和田正三², 門田明雄¹ (¹首都大・院理工・生命, ²九州大・理・生物科学)
- P192 セルラーゼ遺伝子過剰発現がイネの発生に与える影響
濁川陸, 伊藤幸博 (東北大・農)
- P193 ホウ素欠乏耐性ギンドロ培養細胞で誘導されるペクチンメチルエステラーゼ遺伝子について
掛川弘一 (森林総研・バイオマス化学)
- P194 Early-nodulin 型アラビノガラクトタンパク質の機能解析
Kiyoshi Mashiguchi¹, Masaki Mori², Tadao Asami¹, Yoshihito Suzuki¹ (¹東京大・農, ²農業生物資源研究所)
- P195 タバコ細胞壁結合型キナーゼ様タンパク質のクローニングと生化学的解析
小松直貴¹, 藤田智史¹, 深井恒太郎¹, 高田美絵¹, 小林優², 間藤徹² (¹京都大・農, ²京都大院・農)
- P196 転写因子・転写因子抑制ドメイン融合遺伝子を用いた種子貯蔵油脂の量的形質改変
村本伸彦¹, 光川典宏¹, 田中倫子¹, 米倉円佳², 近藤聡², 松井恭子³, 小山知嗣³, 光田展隆³他 (¹豊田中研・バイオ研, ²トヨタ自動車・バイオ・ラボ, ³産総研・ゲノム)
- P197 シロイヌナズナにおける異なる組織由来のカルスの解析
杉本薫, Elliot M. Meyerowitz (カリフォルニア工科大学)
- P198 放射線照射によって得られたトマト花器官変異体の解析
今西俊介¹, 鈴木孝征², 野口有里紗¹, 畠山ルミ¹, 永田雅靖¹, 松尾哲¹, 本多一郎¹ (¹農研機構・野菜茶研, ²名大院・生

遺伝子発現・代謝・輸送

- P199 転写終結領域が遺伝子発現に与える影響
長屋進吾, 三河周平, 新名惇彦, 加藤晃 (奈良先端大・バイオ)
- P200 転写因子機能抑制技術 CRES-T 法用ベクターの改良
大島良美, 中田克, 光田展隆, 高木優 (産総研・ゲノム)
- P201 シロイヌナズナの AP2 DNA 結合ドメインを 2 つ持つ AP2 型転写因子のコンセンサス結合配列の比較解析
徳田剛史¹, 前尾健一郎¹, 河合都妙², 下遠野明恵³, Ben Scheres³, 中村研三¹ (¹名大院・生命農, ²コンボン研, ³Fac. of Sci., Utrecht Univ.)
- P202 シロイヌナズナ LRR 型受容体タンパク質遺伝子の発現解析
上田佳奈¹, 田中あい¹, 中村真也¹, 川向誠², 鈴木孝征³, 中川強¹ (¹島根大・遺伝子, ²高根大・生物資源科学, ³名古屋大院・生命農)
- P203 シロイヌナズナにおける乾燥と高温の複合ストレスに応答した遺伝子発現制御機構の解明
志村恵実¹, 溝井順哉², 戸高大輔¹, 篠崎一雄³, 篠崎和子^{1,2} (¹東大・農, ²国際農研・生物資源, ³理研・植物科学セ)
- P204 シロイヌナズナにおける低温ストレス誘導性転写因子遺伝子 *DREB1* の転写制御解析
城所聡^{1,2}, 圓山恭之進², 中島一雄², 井村喜之², 刑部祐里子¹, 藤田泰成², 溝井順哉², 篠崎一雄³他 (¹東大院・農学生命科学, ²国際農研・生物資源, ³理研・植物科学セ)
- P205 シロイヌナズナのホウ素輸送チャンネル, NIP5;1 遺伝子上流のプロモーター解析
田中真幸¹, 高野順平², 藤原徹^{1,3} (¹東大・生物生産工学研究センター, ²北大院・農, ³SORST, JST)
- P206 硫酸イオントランスポーター *SULTR2;1* の根における硫黄欠乏応答における 3' 非転写領域の役割
丸山明子^{1,2}, 高橋晶子², 齊藤和季², 高橋秀樹² (¹福井県大・生物資源, ²理研 PSC)
- P207 ヒメツリガネゴケにおける高親和性硝酸イオン輸送体のプロモーター解析
柘植康甫, 笹川周作, 上坂一馬, 辻本良真, 前田真一, 小俣達男 (名大院・生命農)
- P208 重金属ストレスに対するラン藻 *Oscillatoria brevis* のリプレッサー蛋白 BxmR の機能に関する分子遺伝学的解析
田川進也, 中島進, 江崎文一 (岡山大学資源生物科学研究所生命環境適応グループ)
- P209 ホウレンソウ転写因子 SoWRKY1 の機能解析
黄聖洙¹, 山本浩之¹, 水野真二¹, 井出信幸², 佐藤隆英³, 園田雅俊³ (¹千葉大院・自然科学, ²千葉大・園, ³千葉大院・園)
- P210 形質転換アラビドプシスをを用いたスギ雄花特異的遺伝子のプロモーター解析
栗田学¹, 渡辺敦史², 谷口亨¹, 近藤禎二¹ (¹森林総研・森林バイオ研究センター, ²森林総研・林木育種センター)
- P211 GRAS ファミリーと相互作用する IDD ファミリー転写因子の機能解析
小笠原宏実, 大溝貴之, 木暮暁子 (静岡大・理)
- P212 比較系統解析に基づいた DREB2 型転写因子に共通する機能ドメインの探索
溝井順哉¹, 秦峰¹, 松倉智子^{1,2}, 森脇崇², 戸高大輔², 吉田拓実², 圓山恭之進¹, 篠崎一雄³他 (¹国際農研・生物資源, ²東大院・農学生命科学, ³理研・植物科学セ)
- P213 基部陸上植物ヒメツリガネゴケにおける NF-Y サブユニットの機能解析
中村いずみ, 川戸高博, 任銀河, 太治輝昭, 田中重雄, 坂田洋一 (東京農大・バイオ)
- P214 シロイヌナズナの花粉における DCP2 顆粒の解析
深谷雄志, 田上優子, 本瀬宏康, 渡辺雄一郎 (東大院・総合文化)
- P215 *Oryza sativa Dicer-like 2 (OsDCL2)* 遺伝子ノックダウン株におけるイネ内在性 2 本鎖 RNA の解析
浦山俊一¹, 森山裕充¹, 青木菜々子¹, 中澤悠宏¹, 三木大介², 島本功², 福原敏行¹ (¹東京農工大・農学府, ²奈良先端大・バイオサイエンス研究科)
- P216 シロイヌナズナの矮性変異 *acl5* に対する抑圧変異遺伝子 *SAC51* の発現制御
桑城克隆, 高橋卓 (岡山大・院・自然科学)
- P217 CGS1 の mRNA 分解に影響を与える温度感受性変異株の解析
山下由衣¹, 飯田篤史², 鈴木昭徳⁴, 千葉由佳子³, 尾之内均², 内藤哲^{1,5} (¹北大・農・応用生命, ²北大・院農・応用生命, ³北大・創成, ⁴理研, ⁵分子イメージング, ⁵北大・院生命)
- P218 シロイヌナズナ CGS1 遺伝子における転写後制御: 翻訳停止における MTO1 新生ペプチドの機能解析
森本恭子¹, 本間翔², 尾之内均^{3,4}, 内藤哲² (¹北大・農, ²北大・院生命, ³クレスト, ⁴北大・院農)
- P219 シロイヌナズナにおける uORF にコードされるペプチドによる翻訳制御の探索
蝦名績¹, 内藤哲¹, 尾之内均^{2,3} (¹北大・生命科学院・生命科学, ²北大・農学院・応用生命, ³CREST)

- P220 同義コドンの選択によるコード領域の翻訳効率の変化について
中邨真之¹, 杉浦昌弘^{1,2} (¹名市大・システム自然, ²相山女学園・人間学研究センター)
- P221 葉緑体翻訳開始に関与するトランス因子
黒田洋詩¹, 杉浦昌弘^{1,2} (¹名市大院・システム自然科学, ²相山女学園・相山人間学研究センター)
- P222 タバコ葉緑体 *ndhC-K* mRNA における終止コドンに依存した翻訳開始機構
湯川真希¹, 杉浦昌弘^{1,2} (¹名市大院 システム自然, ²相山女学園 人間学)
- P223 葉緑体 mRNA の 5' 非翻訳領域の切断と翻訳効率
黒田洋詩, 足達由佳, 湯川泰, 杉浦昌弘 (名市大・システム自然科学)
- P224 タバコ葉緑体翻訳反応における 5' 非翻訳領域とコード領域の適合性検証
大羽祐衣¹, 湯川真希¹, 杉浦昌弘^{1,2}, 湯川泰¹ (¹名市大院・システム自然, ²相山女大・人間学)
- P225 シロイヌナズナにおけるデアミナーゼ遺伝子ファミリーの研究
鈴木利之¹, 和泉光人², 山本将之¹, 山田恭司¹, 若杉達也¹ (¹富山大・院・理工, ²富山大・理・生物)
- P226 植物の前駆体 tRNA スプライシング酵素は核以外にオルガネラにも局在する
赤間一仁¹, Hildburg Beier² (¹島根大・生資, ²ヴェルツブルグ大・バイオセンター)
- P227 OsMac1 遺伝子の 5' 非翻訳領域による翻訳への影響の解析
寺村浩, 榎本祐介, 佐々木忠将, 島田浩章 (東京理科大・生物工)
- P228 ゲノムメンテナンスとエピジェネティック制御に関与するシロイヌナズナ核内因子 BRUSHY1 (BRU1) の機能欠損変異体における遺伝子発現プロファイルの解析
大野裕介¹, Narangajavana Jarunya¹, 山本章子¹, 森仁志², 服部東穂¹, Jerzy Paszkowski³, Wilhelm Gruissem³, Lars Hennig³
他 (¹名大・生物機能セ, ²名大・院・農, ³Department of Plant Biology, University of Geneva, Switzerland, ⁴ETH, Switzerland)
- P229 スギの花成におけるエピジェネティクスの解明を目的とする実験系の開発
福井充枝 (森林総研)
- P230 環境ストレス応答における植物プロテアソーム構造・機能変換の解析
佐藤長緒¹, 前川修吾¹, 安田盛貴¹, 園田裕¹, 藤原正幸², 深尾陽一郎², 柳川由紀², 池田亮¹他 (¹北大院・生命, ²奈良先端大・バイオ・植物ユニット)
- P231 シロイヌナズナの転写因子 AtbZIP10 のユビキチン化を介した分解機構
小泉陽平, 三賀森浩紀, 万庭哲也, 山本優香, 田中淨, 上中弘典 (鳥取大・農)
- P232 シロイヌナズナ由来 FtsH5 の ATPase ドメインの機能解析
天野豊己, 佐々木由美子, 宮本明奈 (静岡大・理)
- P233 タバコ由来 FtsH プロテアーゼにおけるプロテアーゼドメインの解析
前畑隼一 (静岡大・理)
- P234 シロイヌナズナ由来の斑入り変異体・var2 株における葉緑体 FtsH プロテアーゼタンパク質の機能解析
新美康太 (静岡大・理)
- P235 シアノバクテリアに存在する葉緑体特異的リボソームタンパク質 PSRP-1 の機能解析
長岡敦子, 福澤淳平, 堀孝一, 関根靖彦 (立教大・理)
- P236 トウモロコシ葉緑体型 CuZn-SOD の発現制御機構
金松澄雄, 日並佳子, 謝花まどか, 松谷直樹 (南九州大・食品)
- P237 シュウ酸酸化活性を有するツツジ GLP を過剰発現するタバコ培養細胞の重金属感受性
西村崇, 宮木洋一, 高橋美佐, 森川弘道, 泉俊輔, 島田裕士, 坂本敦 (広島大院・理)
- P238 タバコの 2 型プロリン水酸化酵素遺伝子のクローニングと局在解析
森口亮¹, 陶山明子¹, 大澤由樹子², 松岡健^{1,2} (¹九大院農・植物栄養, ²理研・PSC)
- P239 マタタビ属果実システインプロテアーゼの解析
藤原真也¹, 大場由記子², 邵政達², 鈴木淳巨², 上辻久敏³, 坂井至通³, 山根隆², 杉山康雄¹ (¹名大・遺伝子, ²名大院・工, ³岐阜県森林研)
- P240 シロイヌナズナの硫黄同化系酵素 ATP スルフィラーゼの機能解析
吉本尚子^{1,2}, 東泰弘¹, 勝沼咲子¹, 水野新也¹, 高橋秀樹^{2,3}, 野路征昭^{1,4}, 斉藤和季^{1,2} (¹千葉大院・薬, ²理研・植物科学研究センター, ³横浜市立大・木原生物学研究所, ⁴徳島文理大・薬)
- P241 海洋性珪藻における新規栄養要求性変異体の取得
坂口俊郎, 松田祐介 (関学・理工・生命)
- P242 酵母を用いたハイスループットなロイシンリッチリピート受容体様キナーゼの発現系の検討
飯笹英一^{1,2}, 野口千明³, 永野幸生² (¹鹿大大学院・連合農, ²佐大・総分セ, ³佐大・農)

- P243 ゴマ MGDG 合成酵素遺伝子の単離と機能解析
渡辺隆英¹, 下嶋美恵¹, 小泉遼太¹, 増田真二², 増田恭次郎³, 山本将之³, 山田恭司³, 太田啓之² (¹東工大・院・生命理工,
²バイオ研究基盤支援総合センター, ³富山大・院・理工)
- P244 イネモノガラクトシルジアシルグリセロール合成酵素過剰発現タバコは塩と乾燥耐性を高める
Md. Imtiaz Uddin¹, Yanhua Qi², Amin Elsadig Eltayeb¹, Takayoshi Koso¹, Lina Yin¹, Hironori Kaminaka¹, Takeshi Sakaki³,
Kiyoshi Tanaka¹ (¹Fac. of Agriculture, Tottori Univ., ²College of Life Science, Zhejiang Univ., ³School of Engineering,
Hokkaido Tokai Univ.)
- P245 葯タペータムと雄性配偶体形成を制御するステロールの役割
鈴木優志¹, 大山清¹, 上出由紀子¹, 棚橋沙由理², 齊藤和季¹, 村中俊哉^{1,3}, 永田典子² (¹理研・PSC, ²日本女子大・理,
³横浜市大・木原生研)
- P246 シロイヌナズナ糖質代謝異常突然変異体 *sweetie* の解析
N. Veyres², A. Danon², 青野光子¹, S. Galliot², Y.B. Karibasappa², A. Diet², F. Grandmottet², 玉置雅紀¹他 (¹国立環境研
究所, ²Univ. of Picardie Jules Verne)
- P247 ジヒドロスフィンゴシン C4 ハイドロキシラーゼ (*OsDSH*) 遺伝子群の解析
今村智弘¹, 市川雅敏², 米山和克², 草野博彰², 島田浩章^{1,2} (¹東京理科大学・再生工学研究センター, ²東京理科大・生
物工)
- P248 タバコ培養細胞におけるヒアルロン酸生産能の向上
柴谷滋郎¹, 濱田衣美¹, 長屋進吾², 柴田大輔², 新名惇彦², 加藤見² (¹東洋紡, ²奈良先端大・バイオ, ³かずさ DNA 研)
- P249 モモ果実発達における L- ガラクトース経路アスコルビン酸合成酵素遺伝子の発現
今井剛¹, 伴雄介^{2,3}, 山本俊哉^{1,2}, 森口卓哉^{1,2} (¹農研機構・果樹研, ²筑波大院・生命環境, ³農研機構・花き研)
- P250 サツマイモ培養細胞の液胞におけるカフェ酸エステル合成とポリフェノールオキシダーゼの関与
中島悠介¹, 戎拓斗¹, 野末はつみ¹, 野川優洋¹, 野末雅之¹ (信州大・繊維)
- P251 ミヤコグサの縮合型タンニン生合成調節遺伝子の解析
小澤友香¹, 嶋田典基¹, 近藤健太郎¹, 今泉隆次郎¹, 佐藤修正², 金子貴一², 田畑哲之², 由田和津子³他 (¹日本大・生物
資源・応用生物, ²かずさ DNA 研, ³お茶の水大・院・人間文化, ⁴お茶の水大・院・ライフサイエンス)
- P252 サツマイモにおけるクマリン生合成鍵段階を触媒する桂皮酸類オルト水酸化酵素
松本征太郎¹, 水谷正治¹, 清水文一¹ (京大・化研)
- P253 ニンジン培養細胞におけるストレス誘導性 *DcMYB1* 遺伝子の発現制御に関与する転写調節因子 *DcEIL* の機能解析
佐藤俊介¹, 前田和寛¹, 木村惣一¹, 野間和香奈¹, 佐々木伸大¹, 小関良宏¹ (農工大・工・生命工)
- P254 トレニア再生系においてアントシアニン合成誘導時に特異的に発現している遺伝子の解析
中川陽子¹, 柳楽洋三¹, 佐々木伸大¹, 西村一馬², 児玉浩明², 小関良宏¹ (¹農工大・工・生命工, ²千葉大・園芸)
- P255 ベチュニアのアントシアニン合成に関与する 4 クマロイル CoA リガーゼ遺伝子
梅基直行 (キリン HD・フロンティア技研)
- P256 シロイヌナズナ未熟種子におけるフラボノイド変異体の代謝産物解析
北村智¹, 峠隆之^{2,4}, 松田史生³, 榎原圭子³, 齊藤和季^{2,3}, 鳴海一成¹ (¹原子力機構・遺伝子資源, ²千葉大・薬, ³理研
PSC, ⁴現マックスプランク研)
- P257 シロイヌナズナの生育における小胞体 J タンパク質 (*AtERdj3B*) の解析
山本雅也¹, 遠藤斗志也¹, 西川周一 (名大・院・理)
- P258 種子植物特異的 R-SNARE である *VAMP727* の機能解析
海老根一生¹, 岡谷祐哉¹, 郷達明², 井藤純^{3,4}, 植村知博¹, 中野明彦^{1,4}, 上田貴志¹ (¹東大院・理・生物科学, ²神戸大・院・
理, ³奈良先端大・バイオ, ⁴理研・基幹研)
- P259 液胞輸送経路で機能する *AtVAM3* と *AtPEP12* は互いの機能を代替できる
植村知博¹, 海老根一生¹, 岡谷祐哉¹, 矢野大輔³, 森田(寺尾)美代³, 齊藤知恵子², 上田貴志¹, 中野明彦^{1,2} (¹東京大学・
理学系研究科, ²理化学研究所・基幹研究所, ³奈良先端科学技術大学院大学・バイオサイエンス研究科)
- P260 シロイヌナズナ根毛細胞の先端成長に関わる小胞輸送経路の解明
江波和彦¹, 井田貴之¹, 西谷亜依子², 藤川諭吉³, 加藤直洋⁴, 佐藤雅彦¹ (¹京都府立大学・人間環境科学, ²京都大学・
生命環境科学, ³広島大学・生物圏科学研究所, ⁴レイジアナ大学・生物化学)
- P261 植物クラスリンの細胞内挙動の解析
西村浩二¹, Christine Faulkner³, 中川強¹, 日野武², Karl Oparka³ (¹島根大・総科研センター, ²島根大・生物資源, ³エ
ディンバラ大・分子植物研)
- P262 ショ糖飢餓条件下に置かれたタバコ培養細胞が起こす rRNA 分解
岩崎良輔¹, 森安裕二 (埼玉大・理)

- P263 A mutant of *Lotus japonicus* shows strong reduction in Molybdenum accumulation.
Fabien Lombardo¹, Hiroki Miwa¹, Shusei Sato², Satoshi Tabata², Zheng Chen³, Toshihiro Watanabe³, Takuro Shinano⁴, Toru Fujiwara¹ (¹Tokyo Univ., ²Kazusa DNA Research Institute, ³Hokkaido Univ., ⁴National Agricultural Research Center for Hokkaido Region)
- P264 シロイヌナズナ BOR1 タンパク質の分解に異常を示す変異株の解析
樋口みなみ^{1,2}, 三輪京子¹, 奈良篤樹², 藤原徹^{1,3} (¹東大・生セ, ²長浜バイオ大, ³SORST, JST)
- P265 イネのホウ素輸送体 BOR1 の過剰発現によるホウ素欠乏条件下での収量の向上
浦口晋平¹, 花岡秀樹¹, 相澤加代子¹, 加藤諭一¹, 中川裕子^{1,2}, 藤原徹^{1,3} (¹東大・生物生産工学研セ, ²岩手生工研セ, ³SORST, JST)
- P266 素焼きの極性を有するセラミックボールから出るプロチウム化によって出来た H⁺ が及ぼす切り花への影響
及川胤昭, 渡辺弘恵, 菅野晶子 (株式会社創造的生物工学研究所)
- P267 イネの葯におけるアクアポリンの発現プロファイリング
岩崎郁子, 伊藤耕太, 松本直, 北川良親 (秋田県立大・生物資源)
- P268 イネ低温耐性におけるアクアポリン OsPIP1;3 の役割
松本直¹, Hong-Li Lian², Wei-Ai Su², 田中大介¹, Cheng wei Liu¹, 岩崎郁子¹, 北川良親¹ (¹秋田県立大・生物資源, ²Inst. Plant Physiol. Ecol. Shanghai Inst. Biol. Sci. Chinese Acad. Sci.)
- P269 オオムギ根の水輸送活性は塩ストレス下において翻訳後修飾によって抑制されている
金子智之, 堀江智明, 且原真木 (岡山大・資生研)
- P270 ダイコンアクアポリン導入ユウカリ株の生理特性
土平絢子¹, 半場祐子², 加藤直樹³, 土居智仁³, 河津哲³, 前島正義¹ (¹名大院・生命農, ²京都工繊大, ³王子製紙・森林資源研)
- P271 イネにおけるマグネシウムの吸収・移行に関する研究
齊藤貴之, 秋山有紀, 田野井慶太郎, 中西友子 (東大院・農)
- P272 スクローストランスポーターのプロモーターで発現制御した OsYSL2 は、胚乳部位への鉄移行を強化する。
石丸泰寛, 増田寛志, 青木直大, 大杉立, 井上晴彦, 高橋美智子, 中西啓仁, 森敏他 (東大農)
- P273 シロイヌナズナ高親和型硫酸イオン輸送体 SULTR1;2 のモリブデン輸送への関与
戸松創¹, 吉本尚子^{2,3}, 高橋秀樹^{3,4}, 藤原徹^{1,5} (¹東大・生物生産工学研究センター, ²千葉大院・薬学研究院, ³理研 PSC, ⁴横浜市立大・木原生物学研究所, ⁵SORST, JST)
- P274 細胞膜に存在する亜鉛輸送体 AtMTP4 の解析
瀬上紹嗣¹, 河内美樹¹, 小八重善裕¹, 岩野恵², 前島正義¹ (¹名大・生命農, ²奈良先端大・バイオサイエンス)
- P275 タカネグンバイ由来 ZIP トランスポーター TjZNT2 における N 末端領域の基質特異性への関与
西田翔, 水野隆文 (三重大院・生物資源)
- P276 カドミウム超集積植物 *Thlaspi caerulescens* (ecotype, Ganges) 由来の P-type ATPase HMA3 の単離と機能解析
上野大勢, 山地直樹, 馬建鋒 (岡大・資生研)
- P277 異種発現系を用いたコムギ ALMT1 タンパク質の精製
佐々木孝行¹, 古市卓也¹, 源治尚久², 戸澤謙², 山本洋子¹ (¹岡山大・資生研, ²愛媛大・無細胞センター)
- P278 植物の ChaC (calcium/proton antiporter C) 様遺伝子の機能解析
河野治, 山本祥平, 門脇正徳, Md. Imtiaz Uddin, 上中弘典, 田中浄 (鳥取大・農)
- P279 *Sinorhizobium meliloti* の複合体型 cation/H⁺ antiporter のイオン選択性に関する解析
山口利男, 堤文範, 高村アキ, 宝輪紀之, 廣井真, 福原正博, 中村辰之介 (新薬大・薬)
- P280 シロイヌナズナの Ca²⁺ 透過性機械受容チャネル候補の出芽酵母を利用した構造機能解析
中野正貴^{1,2}, 飯田和子³, 丹生谷博⁴, 飯田秀利^{1,5} (¹東京学芸大・教育・生命科学, ²東京農工大・連合農学, ³都臨床研・細胞膜情報伝達2, ⁴東京農工大・遺伝子実験施設, ⁵岡崎統合バイオ・生命環境)
- P281 Ca²⁺ 透過性機械受容チャネル候補 MCA1 および MCA2 の組織化学的解析
森研堂¹, 中川祐子¹, 山中拓哉¹, 岩元明敏¹, 飯田秀利^{1,2} (¹東京学芸大・教育・生命科学, ²岡崎統合バイオ・生命環境)
- P282 細胞膜 H⁺-ATPase の活性化に関わるリン酸化反応の解析
中村英¹, 木下俊則^{1,2}, 島崎研一郎³ (¹名古屋大・院理・生命理学, ²JST・さきがけ, ³九州大・院理・生命科学)
- P283 細胞膜 H⁺-ATPase の活性調節に関わるプロテイン・ホスファターゼの生化学的解析
林優紀¹, 島崎研一郎³, 木下俊則^{1,2} (¹名古屋大・院理・生命理学, ²JST・さきがけ, ³九州大・院理・生命科学)
- P284 高圧凍結法による液胞形成過程の免疫組織化学的解析
豊岡公德¹, 後藤友美¹, 佐藤蘭子¹, 黒森崇¹, 吉本光希¹, 前島正義², 松岡健³ (¹理研・植物センター, ²名古屋大・院・生命農, ³九大院・農)

P285 ユーカリ microRNA の発現とそのターゲット遺伝子の同定
加藤友彦¹, 佐藤修正², 金子貴一², 中村保一², 田畑哲之², 日尾野隆¹ (¹王子製紙, ²かずさ DNA 研究所)

環境応答・情報変換

- P286 シロイヌナズナ新規カチオン結合タンパク質 AtPCaP2 は細胞特異的に発現し細胞膜に結合する
加藤真理子, 長崎菜穂子, 井出悠葵, 前島正義 (名大院・生命農)
- P287 シロイヌナズナ MEKK1 に結合する U-box 型ユビキチンリガーゼの解析
市村和也^{1,3}, 溝口剛², Graf Alex³, 篠崎一雄¹, 白須賢^{1,3} (¹理研・PSC, ²筑波大・生命環境科学, ³The Sainsbury Laboratory, John Innes Centre, UK)
- P288 シロイヌナズナにおけるタンパク質脱リン酸化酵素タイプ2C(APC4)の形質転換植物を用いた機能解析
丸田五月¹, 石平智美¹, 佐藤修正², 加藤友彦³, 田畑哲之², 森山裕充¹, 福原敏行¹ (¹東京農工大院・農, ²かずさ DNA 研究所, ³王子製紙株式会社)
- P289 COP9 シグナロソームと SAP130 の相互作用の機能解析
安喜史織, 岡穆宏, 青山卓史, 柘植知彦 (京都大学・化学研究所)
- P290 COP9 シグナロソーム と相互作用する転写因子の機能解析
中井秀人¹, 安喜史織¹, Alexander Heyl², 青山卓史¹, 柘植知彦¹ (¹京都大・化学研究所, ²Free University of Berlin, Institute of Biology)
- P291 水分ストレス誘導性受容体型キナーゼ RPK1 の ABA シグナル伝達機構における機能解析
刑部祐里子¹, 田中秀典¹, 圓山恭之進², 篠崎一雄³, 篠崎和子^{1,2} (¹東大院・農学生命科学, ²国際農研・生物資源, ³理研・植物科学セ)
- P292 シロイヌナズナ孔辺細胞におけるアブシジン酸情報伝達の生化学的解析
蛭子雄太¹, 高橋洋平², 木下俊則², 島崎研一郎^{1,2} (¹九州大院・システム生命, ²九州大院・理・生物科学)
- P293 OPDA によるストレス応答性転写因子 HsfA2 及び DREB2A の誘導とその機構
巨梶賀仁¹, 増田真二², 横井(西澤)彩子³, 重岡成³, 太田啓之² (¹東工大・院・生命理工, ²東工大・バイオセンター, ³近畿大・農・バイオ)
- P294 イネの DREB1/CBF ファミリー遺伝子の網羅的解析
伊藤裕介¹, 圓山恭之進¹, 篠崎一雄², 篠崎和子^{1,3} (¹国際農研・生物資源, ²理研・植物セ, ³東大院・農学生命科学)
- P295 Characterization of Two Abiotic Stress inducible Genes for CCCH-Type Zinc Finger Proteins in Rice
Asad Jan¹, Kazuo Nakashima¹, Daisuke Todaka², Yusuke Ito¹, Kazuo Shinozaki³, Kazuko Yamaguchi-Shinozaki^{1,2} (¹国際農研・生物資源, ²東大院・農, ³理研・植物セ)
- P296 イネ *Tos17* 変異株を用いたジャスモン酸応答性転写因子 RERJ1 の機能解析
宮本皓司¹, 岡田憲典¹, 宮尾安藝雄², 廣近洋彦², 野尻秀昭¹, 山根久和¹ (¹東京大学生物生産工学研究センター, ²農業生物資源研究所)
- P297 イネ 3 量体 G タンパク質 α サブユニット遺伝子欠失変異体の生化学的解析
高橋幸子¹, 隠岐勝行¹, 藤澤由紀子¹, 加藤久晴¹, 北野英巳², 岩崎行玄¹ (¹福井県立大・生物資源, ²名大・生物機能開発利用センター)
- P298 ジャガイモ葉における S- ニトロソ化タンパク質の探索
加藤大明, 竹本大吾, 森仁志, 川北一人 (名古屋大・生命農学)
- P299 活性酸素種生成酵素 AtrbohD, F の新規活性制御因子の探索
路川真貴¹, 河原崎朋子¹, 賀屋秀隆¹, 朽津和幸^{1,2} (¹東京理科大・理工・応用生物科学, ²東京理科大・ゲノム)
- P300 海洋性珪藻における cAMP 特異的ホスホジエステラーゼの探索
東竜太, 松田祐介 (関学大・院・理工・生命)
- P301 レタス芽生えの成長に対する光環境と疑似微小重力の影響
縣環己¹, 佐久間洋¹, 保尊隆享², 井上雅裕¹ (¹愛媛大院・理工, ²大阪市大院・理)
- P302 シアノバクテリオクロム TePixJ の光可逆変換機構の解明
石塚量見¹, 鈴木博行², 神谷歩³, 成川礼¹, 野口巧², 猪股勝彦³, 池内昌彦¹ (¹東大・院・総合文化, ²筑波大・数理物質科学, ³金沢大・院・自然科学研究科)
- P303 全寄生植物ヤセウツボのフィトクロム A はシロイヌナズナで機能するか?
岡澤敦司¹, 高木一輝¹, 馬場健史¹, 福崎英一郎¹, 米山弘一², 竹内安智², 小林昭雄¹ (¹阪大院・工, ²宇都宮大・雑草科研セ)

- P304 フィトクロム A と B の機能分化の構造的基盤
小野裕也, 岡義人, Gabriela Toledo-Ortiz, 小鍛治敬生, 望月伸悦, 長谷あきら (京大院・理)
- P305 シロイヌナズナの葉肉プロトプラストを用いた遮陰応答における光信号伝達と植物ホルモンの相互作用の解析
高野雄也, 小塚俊明, 望月伸悦, 長谷あきら (京大院・理)
- P306 大腸菌内で構築したイネフィトクロムの分光学的解析
加川貴俊, 高野誠 (生物資源研・光ユニット)
- P307 概日リズム制御下の転写因子遺伝子 *Rdd1* はフィトクロムによる発現制御を受けている
岩本政雄, 肥後健一, 高野誠 (農業生物資源研究所)
- P308 光形態形成の negative regulator (COP10) の新規相互作用因子の解析
 井川智子¹, 藤原正幸¹, 深尾陽一郎¹, Xing Wang Deng², 柳川由紀¹ (¹奈良先端大・バイオ・植物ユニット, ²Dept. of Mol. Cell. Dev. Biol., Yale Univ.)
- P309 Arabidopsis IQM2 is Involved in Calmodulin and Blue Light Signaling
Xiaolan Wang¹, Yuzhong Chen¹, Yuping Zhou¹, Huizhen Cheng¹, Kotaro T. Yamamoto², Chang-en Tian^{1,3} (¹Guangzhou Key Lab. for Functional Studies, Guangzhou Univ., ²Dept. of Biol. Sci., Fac. of Sci., Hokkaido Univ., ³School of Biological Sciences, Guangzhou Univ.)
- P310 青色光に対するイネの伸長抑制反応におけるジベレリンの関与
廣瀬文昭¹, 山口信次郎², 神谷勇治², 高野誠¹ (¹生物研・光ユニット, ²理研・植物科学研究センター)
- P311 苔類ゼニゴケにおける青色光応答の解析
久保田茜, 小松愛乃, 片岡秀夫, 石崎公庸, 大和勝幸, 河内孝之 (京大院・生命)
- P312 シロイヌナズナ phototropin2 におけるキナーゼアクティベーションループのリン酸化部位の機能解析
井上晋一郎, 友清雄大, 島崎研一郎 (九州大・院理・生物科学)
- P313 シロイヌナズナ phot1, phot2 の LOV2- キナーゼ領域の生化学的解析
岡島公司¹, 嶋田崇史², 松岡大介³, 徳富哲¹ (¹大府大・理, ²島津製作所, ³神戸大・遺伝子実験)
- P314 ゼニゴケ葉緑体光定位運動時に見られるアクチンフィラメントの動態
尾関文隆¹, 石崎公庸², 鐘ヶ江健¹, 河内孝之², 門田明雄¹ (¹首都大・院理工・生命, ²京大・生命科学)
- P315 ホウライシダ前葉体の赤色光による葉緑体光定位運動 — phy3/neo1 に依存しない光運動反応の存在
杉山由香, 門田明雄 (首都大・院・理工・生命科学)
- P316 C₄ 植物葉肉細胞における環境ストレスに応答した葉緑体集合運動の光応答性
山田雅大, 谷口光隆, 川崎通夫, 三宅博 (名大院・生命農)
- P317 青色光受容体フォトリポピンによる組織特異的な本葉形態制御
小塚俊明, 長谷あきら (京大院・理)
- P318 気孔が顕著に開口した ftd2 変異体の原因遺伝子の同定と表現型の解析
曾田翠¹, 島崎研一郎², 木下俊則^{1,3} (¹名古屋大・院理・生命理学, ²九州大・院理・生物科学, ³JST・さきがけ)
- P319 生育光環境が植物の両面気孔の光応答性に及ぼす影響
王いん, 野口航, 寺島一郎 (東京大・院・理・生物)
- P320 ハナスベリヒユの開花反応と花卉の H⁺-ATPase 活性に対する光照射開始時刻の影響
上原愉生¹, 中西史² (¹東京学芸大・生命科学, ²東京学芸大・理科教育)
- P321 太陽紫外線がイネの生育・収量に及ぼす影響評価: 宮城・鹿児島での野外環境試験
山岸朋香¹, 寺西美佳¹, 一谷勝之², 佐藤雅志¹, 日出間純¹ (¹東北大・生命, ²鹿児島大・農)
- P322 植物種における CPD 光回復酵素のリン酸化修飾の違いに関する解析
中村憲太郎, 寺西美佳, 日出間純 (東北大院・生命)
- P323 イオンビーム誘発 UVB 耐性変異体イネの解析
高野成央¹, 高橋裕子¹, 山本充¹, 寺西美佳¹, 横沢大輔¹, 長谷純宏², 坂本綾子², 田中淳²他 (¹東北大・院・生命科学, ²原子力機構・量子ビーム・遺伝子資源)
- P324 UV-B を照射したキュウリ子葉における細胞死の解析
三巻耕太郎¹, 山崎聖司² (¹福教大院・教育, ²福教大・教育)
- P325 葉緑体チラコイド膜を介したストロマから内腔への還元力伝達機構の解明
本橋健, 久堀徹 (東工大・資源研)
- P326 チオレドキシシと標的タンパク質の親和性解析による葉緑体内還元力ネットワークの解明
原愷, 本橋健, 久堀徹 (東京工業大学・資源化学研究所)
- P327 *Anabaena* sp. PCC 7120 の栄養細胞とヘテロシストのチオレドキシシ還元標的蛋白質
前田真希¹, 松田直美², 井上和仁², 小林真理¹, 久堀徹¹ (¹東工大・資源研, ²神奈川大・理・生物科学)

- P328 光酸化ストレス応答時の細胞内 H_2O_2 レベルに及ぼす細胞質型 APX の影響について
岩間勝久¹, 丸田隆典², 藪田行哲³, 澤嘉弘¹, 柴田均¹, 重岡成², 石川孝博¹ (¹島根大・生物資源, ²近畿大院・農, ³鳥取大・農)
- P329 光触媒反応を介した水処理による高等植物の PR 遺伝子発現の誘導
河野智謙¹, 平松拓也¹, 陽川憲¹, 蔭西知子¹, 田中里香², 田中健一郎² (¹北九大・国際環境工, ²(有)K2R)
- P330 野生植物メリケンカルカヤ (*Andropogon virginicus* L.) の持つ金属ストレス及び酸化ストレス耐性遺伝子群の単離と解析
高橋憲公, 河野貴文, 東藍子, 中島進, 江崎文一 (岡山大・資生研)
- P331 赤ビートに含まれる植物色素ベタレインの抗酸化機能の検討
前田麻起子, 崎浜靖子, 福士幸治, 橋床泰之 (北大院・農)
- P332 イネグルタレドキシンの酸素ストレス防御における機能解析
森田重人^{1,2}, 戸高理恵¹, 山下裕樹¹, 藤木改良¹, 細木彩夏¹, 矢部知里¹, 増村威宏^{1,2}, 田中國介^{1,2}他 (¹京都府大院・生命環境, ²京都農資センター, ³現 横浜市大・木原生研)
- P333 シロイヌナズナの葉緑体/ミトコンドリア型 MDAR 遺伝子破壊株の解析
水口達也¹, 渡部茜², 井村有里², 安田周祐², 溝口年伸², 白野由美子³, 林浩昭⁴, 柴田大輔^{3,5}他 (¹京都府大院・生命環境, ²京都府大・農, ³三井業際植物バイオ, ⁴東大院・農学生命, ⁵かずさ DNA 研)
- P334 植物培養細胞におけるプログラム細胞死抑制因子 AtDAD1 及び AtBI-1 の発現解析
新井あゆみ, 小林祐美, 上埜翔子, 大木里美, 政所文子, 塩島篤史, 横井聖, 鈴木寛他 (福井県大・生物資源)
- P335 単細胞真核緑藻クラミドモナスの低温に対する生理応答
搞優¹, 鈴木馨^{1,2} (¹産総研・特許生物寄託センター, ²産総研・生物機能工学)
- P336 穂ばらみ期に低温処理されたフルクタン合成酵素遺伝子導入イネ形質転換体におけるショ糖輸送遺伝子の発現解析
吉田みどり, 目黒文乃 (農研機構・北海道農研)
- P337 ササゲプロリントランスポーター遺伝子の発現解析
庄野真理子¹, 山田菜美¹, ラウヤリー・パユンサック² (¹国際農研・熱研, ²タイ農業局)
- P338 シロイヌナズナの乾燥と高温ストレス誘導性遺伝子の発現制御機構における *DREB2B* 遺伝子の機能解析
安田奈保美¹, 戸高大輔¹, 溝井順哉², 佐久間洋¹, 圓山恭之進¹, 篠崎一雄³, 篠崎和子^{1,2} (¹東大院・農学生命科学, ²国際農研・生物資源, ³理研・植物科学セ)
- P339 植物の低温ストレス応答に関与する新規 RNA マスキング機構探索と機能解明
中南健太郎¹, 南杏鶴², 上村松生², 田中真帆¹, 諸澤妙子¹, 石田順子¹, 関原明^{1,3} (¹理研 PSC・植物ゲノム発現, ²岩手大・農・寒冷バイオ, ³横浜市大・木原生研)
- P340 シロイヌナズナ耐凍性関与遺伝子 AtFIB5 の機能解析
大坪蘭子, 上田真理子, 富山晶子, 田村典明 (福岡女子大・人間環境)
- P341 低温環境におけるイネとコムギのミトコンドリア遺伝子の転写解析
栗原志保¹, 久保友彦² (¹北海道農業研究センター, ²北海道大学)
- P342 小胞子初期イネ葯において冷温応答性の発現を示す遺伝子とそのプロモーターの解析
山口知哉, 林高見, 小池説夫 (農研機構・東北農研)
- P343 陸生ラン藻の乾燥応答遺伝子の機能解析
加藤造 (三重大・生命セ・植物)
- P344 シロイヌナズナに塩耐性を付与するイネ C2 ドメインタンパク質遺伝子の解析
横谷尚起¹, 市川尚齊², 近藤陽一², 廣近洋彦³, 松井南², 岩淵雅樹¹, 小田賢司¹ (¹岡山県生科総研, ²理研・PSC, ³農業生物資源研)
- P345 シロイヌナズナ *BZF1* の過剰発現による灌水効率の向上
中野年継, 内藤由紀, 大槻並枝, 進士秀明, 鈴木馨 (産総研・生物機能工学)
- P346 乾燥ストレス適応におけるシロイヌナズナ・キサントニン脱水素酵素の機能解析
渡邊俊介, 中川彩美, 島田裕士, 坂本敦 (広島大院・理)
- P347 ストレス耐性を示すシロイヌナズナキメラリプレッサー植物の同定
水戸智美¹, 松井恭子^{1,2}, 高木優^{1,2} (¹(株)グリーンソニア, ²(独)産業技術総合研究所 ゲノムファクトリー研究部門)
- P348 トマトの乾燥ストレス応答性転写因子 LeDREB2A の解析
三浦由佳, 井上雅裕, 佐久間洋 (愛媛大院・理工)
- P349 Posttranscriptional modification study on an *Arabidopsis* transcription factor DREB2A involved in drought- and heat-inducible gene expression
Feng Qin¹, Kazuko Yamaguchi-Shinozaki^{1,2}, Kazuo Shinozaki³ (¹Biol. Resources Div., JIRCAS, ²Grad. Sch. Agri. Life Sci., Univ. Tokyo, ³Plant Sci. Ctr., RIKEN)

- P350 ストレス応答性カルシウム結合タンパク質 RD20 遺伝子の機能解析
藤田美紀¹, 藤田泰成², 篠崎和子^{2,3}, 篠崎一雄¹ (理研・PSC, ²国際農研・生物資源, ³東大院・農学生命科学)
- P351 ストレス応答性 NAC 転写因子 RD26 の翻訳後調節
西山りゑ¹, 藤田美紀¹, 篠崎和子^{2,3}, 篠崎一雄¹ (理研・植物科学センター, ²東大院・農学生命, ³国際農研)
- P352 浸透圧ストレスで活性化するシロイヌナズナの蛋白質キナーゼ SnRK2b サブファミリーの機能解析
溝口昌秀^{1,2}, 梅澤泰史², 中島一雄³, 藤田泰成³, 篠崎和子^{1,3}, 篠崎一雄² (¹東大院・農学生命科学, ²理研・植物科学セ, ³国際農研・生物資源)
- P353 シロイヌナズナ共発現ネットワークを用いた乾燥ストレス応答性トランスクリプトーム解析
浦野薫¹, 圓山恭之進³, 尾形善之³, 鈴木秀幸³, 斉藤和季^{3,4,5}, 柴田大輔³, 篠崎和子^{2,6}, 篠崎一雄¹ (理研・PSC・機能開発, ²国際農研, ³かずさ DNA 研, ⁴千葉大・薬, ⁵理研・PSC・メタボローム, ⁶東大・院・農)
- P354 イネの乾燥ストレス応答に関わる bZIP 型転写因子 OsAREB ファミリー遺伝子の解析
チュン・トーリ¹, 吉田拓也^{1,2}, 佐山博子^{1,2}, 伊藤祐介¹, 藤田泰成¹, 篠崎一雄³, 篠崎和子^{1,2} (¹国際農研・生物資源, ²東大院・農学生命科学, ³理研・植物科学セ)
- P355 乾燥・塩ストレス下でケイ素により調節される候補遺伝子の同定
Amin Elsadig Eltayeb^{1,2}, Hiroaki Shimizu², Masayuki Kimura², Mohamed Elsadig Eltayeb², Imtiaz Md. Uddin², Lina Yin^{1,2}, Taiichiro Hattori¹, Kaori Sonobe¹ 他 (¹Arid Land Research Center, Tottori Univ., ²Faculty of Agriculture, Tottori Univ.)
- P356 ソルガムにおけるケイ酸誘導性遺伝子の単離
清水洋彰¹, Amin Elsadig Eltayeb^{1,2}, 木村雅之¹, 曾野部香里², 服部太一郎², 上中弘典¹, 田中浄¹ (¹鳥取大・農, ²鳥取大・乾地研)
- P357 ストレスに応答した α -tubulin のリン酸化と微小管の制御
伴佳典¹, 小林裕子², 山本章子¹, 濱田隆宏³, 橋本隆³, 武田真¹, 服部東穂¹ (¹名大・生物機能セ, ²三重大・生命科学セ, ³奈良先・バイオ)
- P358 ラン色細菌 *Synechocystis* sp. PCC6803 のレスポンスレギュレーター *slr0081* は酸性ストレスに関与する
久保裕子¹, 木村真由湖¹, 森山淳¹, 梅野伸彰¹, 池内昌彦², 太田尚孝¹ (¹東理大・理, ²東大・教養)
- P359 大腸菌機能発現スクリーニングによってダイズから単離した新規耐酸性遺伝子のシロイヌナズナオルソログの解析
森田恵理子, 今泉隆次郎, 綾部真一, 青木俊夫 (日本大・生物資源・応用生物)
- P360 低 pH ストレスにおける *Acacia mangium* 培養細胞の転写解析
水野修平, 的場英行, 綾部真一, 内山寛 (日大・生物資源・応生)
- P361 塩ストレス下でのユーカリ (*Eucalyptus globulus*) の光合成応答と抗酸化酵素活性
藤井裕二, 根岸直希, 河岡明義 (日本製紙・森林科学研究所)
- P362 塩ストレス環境下での ROS 生成の制御に関与するシロイヌナズナ ITN1 の分子的機能
坂本光, 松田修, 射場厚 (九州大・院・理・生物科学)
- P363 シロイヌナズナのコリンおよびホスファチジルコリン代謝機構の解析
服部侑, 三屋史朗, 藤原崇志, 高倍鉄子 (名古屋大院・生命農)
- P364 オオムギのグリシンベタイン合成の組織特異性に関する研究
服部侑, 三屋史朗, 藤原崇志, 高倍鉄子 (名古屋大院・生命農)
- P365 オオムギにおけるベタイン輸送体 HvGBT1 の解析
藤原崇志, 三屋史朗, 服部侑, 高倍鉄子 (名古屋大院・生命農)
- P366 イネにおけるベタインアルデヒド脱水素酵素の機能解析
横田有香, 三屋史朗, 尾崎啓子, 藤原崇志, 高倍鉄子 (名古屋大・院・生命農)
- P367 塩性イネ科植物のベタインアルデヒド脱水素酵素の機能解析
尾崎-河野啓子, 横田有香, 三屋史朗, 高倍鉄子 (名古屋大・院・生命農)
- P368 イネの環境ストレス耐性に関わる単子葉植物特異的遺伝子 RSS1 の解析
小川大輔¹, 水谷恵¹, 保浦徳昇¹, 阿部清美², 宮尾安藝雄², 服部東穂¹, 廣近洋彦², 武田真¹ (¹名大・生物セ, ²農業生物資源研究所)
- P369 イネの根の生長に関わる *rss3* 変異体の解析
戸田陽介¹, 小川大輔¹, 田中舞子¹, 阿部清美², 杉本和彦², 安藤露³, 矢野昌裕², 宮尾安藝雄² 他 (¹名古屋大学 生物機能開発利用研究センター, ²農業生物資源研究所, ³農林水産先端研究所)
- P370 FOX ハンティング法を利用したイネの環境ストレス耐性遺伝子の探索
黒谷賢一¹, 山中一将¹, 小川大輔¹, 水谷恵¹, 戸田陽介¹, 田中舞子¹, 山本章子¹, 加藤大和¹ 他 (¹名古屋大学生物機能開発利用研究センター, ²農業生物資源研究所)

- P371 耐塩性 *Arabidopsis thaliana* accessions に見られる ABA 感受性と耐塩性メカニズムの関係
池田彬郎¹, 井内聖², 小林正智², 坂田洋一¹, 田中重雄¹, 太治輝昭¹ (1東京農大・バイオ, 2理研 BRC)
- P372 塩生植物 *Thellungiella halophila* 完全長 cDNA を用いた FOX hunting によるストレス耐性付与遺伝子の探索
南雲美穂¹, 小野寛和¹, 坂田洋一¹, 田中重雄¹, 篠崎一雄², 太治輝昭¹ (1東京農大・バイオ, 2理研・PSC)
- P373 海草アマモの耐塩性に関与する遺伝子の探索
大堀智也, 小野塚信哉, 森山裕充, 福原敏行 (東京農工大・農)
- P374 耐塩性向上活性を有するイグサのプロリンリッチタンパク質
宮崎仁雄, 山田晃世, 小関良宏 (農工大・工・生命工)
- P375 オヒルギの塩応答性タンパク質のプロテオーム解析
柏村高朗, 多田雄一 (東京工科大・応用生物)
- P376 タバコ培養細胞 BY-2 株のホウ素欠乏に対する初期応答
小柴太一, 小林優, 間藤徹 (京大・院・農)
- P377 細胞膜表面のイオン活動度推定プログラムを用いたシロイヌナズナのアルミニウムストレスの解析
小林安文¹, 我妻忠雄², 小山博之³ (1岐阜大・連農, 2山形大・農, 3岐阜大・応生)
- P378 デヒドロアスコルビン酸還元酵素過剰発現タバコのアルミニウム耐性
殷俐娜^{1,2}, Amin Elsadig Eltayeb², 王仕穩², 上中宏典¹, 辻渉², 田中浄¹ (1鳥取大・農, 2鳥取大・乾地研)
- P379 金属ストレスや酸化ストレス等の多種のストレスに応答するアラビドプシスの AtGST11 遺伝子の応答に関わる転写調節因子の単離と解析
河野貴文¹, Yulita Kusumadewi S.², 中島進¹, 江崎文一¹ (1岡山大・資生研, 2LIPI・インドネシア)
- P380 44K マイクロアレインによるイネアルミニウム応答遺伝子の網羅的解析
筒井友和¹, 黄朝鋒¹, 山地直樹¹, 長村吉晃², 馬建鋒¹ (1岡山大・資生研, 2生物研)
- P381 鉄欠乏応答性シスエレメント結合性転写因子 IDEF1 は鉄欠乏の初期応答に必須である
小林高範, 板井玲子, 小郷裕子, 寛雄介, 中西啓仁, 高橋美智子, 森敏, 西澤直子 (東大院・農)
- P382 Characterization of an Iron Regulated Glutathione Transporter (IGT) Reveals Novel Links Between Iron Deficiency and Glutathione
Khurram Bashir¹, 石丸泰寛¹, 高橋美智子¹, 中西啓仁¹, Gynheung An², 森敏¹, 西澤直子¹ (1Graduate School of Agricultural and Life Sciences, The University of Tokyo, 2Department of Life Sciences Pohang University of Science and Technology, Republic of Korea)
- P383 鉄欠乏条件下におけるオオムギ葉の鉄局在とフェリチン蓄積パターンの解析
三上雄一郎, 齋藤彰宏, 三輪睿太郎, 樋口恭子 (東京農大・応用生物)
- P384 マンガン超集積性植物における葉中マンガンの化学形態
Denise Fernaldo¹, 水野隆文², Ian Woodrow¹, Alan Baker¹, Richard Collins³ (1Sch. of Bot., Univ. of Melbourne, 2三重大院・生資, 3Sch. of Civ. and Env. Eng. Univ. New South Wales)
- P385 緑藻 *Pediastrum* における銅による光合成電子伝達体の排他的発現制御
中村真樹¹, 吉崎文則², 岡和之¹ (1東邦大・医, 2東邦大・理)
- P386 シロイヌナズナにおける銅恒常性維持に関与するマスター調節因子、SPL7 の標的遺伝子の探索
山崎広顕¹, 林誠², 深澤美津江², 小林善親¹, 鹿内利治³ (1九大院・農, 2基生研, 3京大院・理)
- P387 トマトの懸濁細胞と植物体における亜鉛集積性と亜鉛結合物質の生成
丹生谷孝彦, 佐久間洋, 井上雅裕 (愛媛大学・院・理工)
- P388 プロテオミクスを用いた亜鉛応答する細胞膜タンパク質の探索
西森由佳, 藤原正幸, 深尾陽一朗 (奈良先端大・バイオ・植物ユニット)
- P389 植物試料における定量的なリアルタイム RI イメージング装置の開発
山脇正人, 菅野里美, 田野井慶太郎, 中西友子 (東大院農生科)
- P390 リアルタイム RI イメージングシステムを利用したミヤコグサ体内のリン酸イメージング
菅野里美, 山脇正人, 田野井慶太郎, 中西友子 (東大農生科)
- P391 イネ科野生植物 *Chloris virgata* とイネの metallothionein 1 の比較解析
西内俊策¹, 柳参奎², 高野哲夫¹ (1東大アジアセンター, 2中国東北林業大学)
- P392 鉱山跡地に自生していた植物からの新規カドミウム耐性遺伝子
松田大樹¹, 倉俣正人¹, 北川悦子², 高橋芳弘¹, 石川覚³, 井上千弘⁴, Shohab Youssefian⁵, 草野友延¹ (1東北大院・生命, 2秋田県農試, 3農環研, 4東北大院・環境, 5秋田県立大・生物資源)
- P393 重金属のファイトレメディエーションのためのエンジニアリング
清野正子¹, 岡田美子¹, 佐藤雅彦², 芳生秀光³, 曾根由香¹, 中村亮介¹, 坂部貢¹ (1北里大・薬, 2京都府大・院・生命環境, 3摂南大・薬)

- P394 油糧用ナタネ (*Brassica napus* L.) における元素のイメージング分析
石橋弘規, 野田章彦, 田野井慶太郎, 中西友子 (東大院・農)
- P395 トマトとソラマメカルス細胞の成長と糖代謝に対する過重力の影響
井上雅裕¹, 佐久間洋¹, 縣環己¹, 保尊隆享² (¹愛媛大・院・理工・生物, ²大阪市大・院・理工)
- P396 ソバ葉におけるメタノール非抽出プロアントシアニジンの生理機能の推測
鈴木達郎, 瀧川重信, 横田聡, 六笠裕治, 野田高弘, 橋本直人, 山内宏昭, 遠藤千絵 (北海道農業研究センター)
- P397 イネのファイトアレキシン生産におけるジャスモン酸類の関与
清水崇史¹, 安藤杉尋², 岡田敦¹, 古賀仁一郎³, 芳賀健⁴, 飯野盛利⁴, 南栄一², 岡田憲典¹他 (¹東大・生物工学セ, ²農業生物資源研究所, ³明治製菓, ⁴大阪市大・理・植物園)
- P398 ナス科植物体の *Ralstonia solanacearum* 感染時における病害抵抗性反応について
岩城俊雄, 平野恵美, 太田大策 (大阪府大・生命環境)
- P399 ケミカルバイオロジーによるシロイヌナズナ過敏細胞死制御機構の解明
能年義輝, 白須賢 (理研 PSC)
- P400 ヒートショック処理により誘導される病害抵抗性機構の解析
草島美幸^{1,2}, 安田美智子¹, 佐藤達雄², 中島雅己², 阿久津克己², Hideo Nakashita¹ (¹理研・基幹研, ²茨城大・農)
- P401 病原菌抵抗性反応におけるスベルミンシグナル伝達経路の役割
从潤滋¹, 三ツ谷佳子¹, Thomas Berberich¹, 高橋英樹², 高橋芳弘¹, 草野友延¹ (¹東北大院・生命, ²東北大院・農)
- P402 ペルオキシ亜硝酸イオン (ONOO⁻) の植物抵抗反応への関与
樹神博士, 加藤大明, 竹本大吾, 川北一人 (名古屋大学院・生命農学)
- P403 シロイヌナズナにおけるうどん粉病菌 (*Golovinomyces orontii*) 感染応答に関与する新規因子の探索及び機能解析
森山陽介, 藤原正幸, 深尾陽一郎, 稲田のりこ (奈良先端大・バイオ)
- P404 ジャスモン酸シグナル伝達に関わる転写因子のスクリーニング
中田克, 瀧口裕子, 光田展隆, 高木優 (産総研・ゲノムファクトリー)
- P405 ジャスモン酸で誘導される bHLH 型転写因子 INU1 の機能解析
関本(佐々木)結子¹, 乾薫², 櫻井望³, 青木孝³, 鈴木秀幸³, 柴田大輔³, 太田啓之⁴, 白須賢¹ (¹理研・PSC, ²東工大院・生命理工, ³かずさ DNA 研, ⁴東工大・バイオセンター)
- P406 シロイヌナズナ *AtHOL1* 遺伝子の病害抵抗性への関与
永利友佳理, 中村達夫 (横浜国大・院・環境情報)
- P407 シロイヌナズナディフェンシン *PDFL1* 遺伝子の発現制御解析
浦田信明, 盤指豪, 田中恒之, 小野祥子, 平塚和之 (横国大院・環境情報)
- P408 イネ-ナズナ FOX 系統より選抜された病原細菌 *Pst* 3000 感染抵抗性系統の原因遺伝子の同定及び病害抵抗性機構の解析
前田哲¹, Joseph Gogo Dubouzet¹, 大武美樹¹, 菅野正治¹, 姜昌杰¹, 林長生¹, 市川尚齊², 近藤陽一²他 (¹農業生物資源研究所, ²理研 PSC, ³岡山県生物科学総合研究所)
- P409 MAPK の基質である WRKY8 は植物の防御応答に関与する
石濱伸明, 山田麗子, 吉岡博文 (名大院・生命農)
- P410 MAMPs 受容シグナルの変換によるイネの菌類病抵抗性増強の試み
岸本久太郎¹, 中島恵美¹, 倉野洋子¹, 賀来華江², 渋谷直人², 南栄一¹, 西澤洋子¹ (¹農業生物資源研究所, ²明治大・農)
- P411 イネにおけるセルロース合成酵素と低分子量 G タンパク質 OsRac5 との相互作用は防御シグナル伝達に関与する
深井千晶¹, 小林裕子¹, 竹内雄馬¹, 廣近洋彦², 宮尾安藝雄², 小林一成¹ (¹三重大・生命科学セ, ²農業生物資源研)
- P412 3 量体 G タンパク質の制御を受けるイネペルオキシダーゼ遺伝子の発現解析
白井太一, 原修平, 藤澤由紀子, 岩崎行玄, 加藤久晴 (福井県大・生物資源)
- P413 植物転写因子 OsNAC4 により転写制御される遺伝子群を介した過敏細胞死の誘導
松井弘善¹, 多賀有里¹, 日比野孝紀¹, 岩野恵², 磯貝彰², 蔡見植¹ (¹長浜バイオ大院・バイオ, ²奈良先端大・バイオ)
- P414 イネいもち病抵抗性遺伝子 *Pish* の単離と機能解析
高橋章, 林長生, 宮尾安藝雄, 廣近洋彦 (生物研)
- P415 傷害に応答するイネ endo-(1,3;1,4)- β -glucanase 遺伝子の解析
秋山高, 加藤明 (北海道農業研究センター)
- P416 ハイスループト無細胞発現系を用いた病害抵抗性関連タンパク質の立体構造解析
八丈野孝¹, 門田康弘¹, 五島美絵², 大沢登², 半田徳子², 寺田貴帆², 白水美香子², 横山茂之^{2,3}他 (¹理研・PSC, ²理研・SSBC, ³東大・院・理)
- P417 CAS 変異体における病害応答遺伝子群の発現解析
植村周平, 野村裕也, 小森禎子, 中平洋一, 椎名隆 (京府大 生命環境)

- P418 積雪下における植物—病原菌相互作用のモデルとしてのシロイヌナズナの可能性
 桑原慎子¹, 植原愛¹, 佐々木健太郎¹, 星野保², 今井亮三¹ (農研機構・北農研, ²産総研・ゲノムファクトリー)
- P419 *A. thaliana* LPS-binding proteins (AtLBPs) の機能解析と LPS の植物生育阻害効果について
 武藤さやか^{1,2}, 永野幸生² (¹佐賀大・農, ²佐賀大・総分セ)
- P420 *Pseudomonas* 細菌のタイプ III 分泌機構を用いた *Hyaloperonospora arabidopsis* エフェクター候補の機能解析
 加藤新平^{1,4}, Adriana Cabral², Georgina Fabro³, Jaqueline Bautor¹, Kee Hoon Sohn³, Jonathan D.G. Jones³, Guido Van den Ackerveken², Jane E. Parker¹ (Max-Planck-Institute for Plant Breeding, ²Utrecht Univ., ³Sainsbury Laboratory, ⁴信州大学)
- P421 The hormone-related defense network to sclerotinia infection in arabidopsis
 Henrik Stotz, Yukihiisa Shimada, Eriko Sasaki, Yusuke Jikumaru, Yuji Kamiya (RIKEN Plant Sci. Center)
- P422 植物免疫には S- ニトロシロ化とチオレドキシニンによる NPR1 の立体構造変化が必要である
 多田安臣¹, Steven Spoel¹, Karolina Pajeroska-Mukhtar¹, Zhonglin Mou¹, Junqi Song¹, Chun Wang², Jianru Zuo², Xinnian Dong¹ (¹デューク大, ²中国科学院)
- P423 キチンエリシターシグナル伝達過程に異常を示すシロイヌナズナ変異体の取得と解析
 宮彩子, 矢元奈津子, 藤茂雄, 川上直人, 賀来華江, 渋谷直人 (明治大・農・生命科学)
- P424 フラジェリン情報伝達に関与するイネ SERK 遺伝子の解析
 高井亮太¹, 河合ゆずか¹, 蔡晃植², 高山誠司¹, 磯貝彰¹ (¹奈良先端大・バイオ, ²長浜バイオ大・バイオ)
- P425 植物免疫信号伝達系におけるセロトニンの機能解析
 藤原幹¹, Maisonneuve Sylvie¹, 一色正之¹, 水谷正治², 川崎努¹, 島本功¹ (¹奈良先端大・バイオサイエンス, ²京大・農学部)
- P426 イネキチンエリシター受容体と類似構造を持つ CEBiP2 の機能解析
 宮崎秀夫¹, 東川正憲¹, 加藤文子², 西澤洋子², 南-石井尚子², 南栄一², 賀来華江¹, 渋谷直人¹ (明治大・農・生命, ²生物研)
- P427 タバコ BY-2 細胞発現系を用いたイネキチン受容体 CEBiP の構造・機能解析
 長田友彦, 新屋友規, 賀来華江, 渋谷直人 (明治大・農・生命)
- P428 病原菌抵抗性反応ならびにマウス Bax 誘導性の細胞死における植物 VDAC の機能解析
 館田知佳, Run Zi Cong, 高橋文雄, 草野友延, 高橋芳弘 (東北大院・生命)
- P429 N,N-ジメチルスフィンゴシンは活性酸素生成を介さずに植物の感染防御応答を誘導する
 柴田裕介, 間間貞雄, 竹本大吾, 川北一人 (名古屋大学・生命農学)
- P430 タバコ病害抵抗性遺伝子 (*N* 遺伝子) による過敏感反応における光合成機能の役割
 坂上直子^{1,2}, 瀬尾茂美², 大橋祐子², 高野誠^{1,2}, 光原一郎² (¹東大院・新領域, ²生物研)
- P431 ブドウ果実品質に関連する小胞体ストレス誘導タンパク質 VIGG の機能解析
 加藤裕紀, 宅原由起, 鈴木俊二, 高柳勉 (山梨大・ワイン研セ)
- P432 植物による細菌 DNA の認識機構
 薬師寺賢 (岡山大・農)
- P433 Phosphatidic Acid Pase 2 は *Ralstonia solanacearum*—*Nicotiana* 属植物間相互作用において basal defense の負の制御因子として機能する
 中野真人¹, 大西浩平², 曳地康史¹, 木場章範¹ (¹高知大・農, ²高知大・遺伝子)
- P434 青枯病菌-植物間相互作用における SGT1 の機能解析
 伊藤慎¹, 大西浩平², 曳地康史¹, 木場章範¹ (¹高知大・農, ²高知大・遺伝子)
- P435 S 糖タンパク質様タンパクは青枯病菌感染に対する防御応答に関与する
 Milimo Maimbo¹, 大西浩平², 吉岡博文³, 曳地康史¹, 木場章範¹ (¹高知大・農, ²高知大・遺伝子, ³名大・院農)
- P436 ミヤコグサ根粒の非感染細胞で発現する ABC タンパク質の解析
 高梨功次郎¹, 杉山暁史¹, 佐藤修正², 田畑哲之², 矢崎一史¹ (京大・生存研, ²かずさ DNA 研)
- P437 ミヤコグサ-根粒菌共生における感染糸形成に関わる因子について
 堀口浩史¹, 貫井憲之², 中川知己³, 権藤崇裕⁴, 磯部祥子⁵, 川口正代司⁶, 綾部真一¹, 青木俊夫¹ (日大・生物資源, ²(株)ジナリス, ³生物資源研究所, ⁴宮崎大フロンティア科学実験総合センター, ⁵かずさ DNA 研, ⁶東京大院・理)
- P438 ミヤコグサ *NIN* 遺伝子は *CYCLOPS* の下流で感染糸形成を制御する
 征矢野敏, 矢野幸司, 今泉(安楽)温子, 梅原洋佐, 河内宏, 林誠 (生物研)
- P439 ミヤコグサのリポ多糖結合タンパク質遺伝子のクローニング
 村上英一¹, 高山仁美², 下田宜司³, 武藤さやか^{4,5}, 永野幸生⁵, 九町健一², 阿部美紀子², 鈴木章弘⁴他 (¹鹿児島大・院理工, ²鹿児島大・理, ³生物研, ⁴佐賀大・農, ⁵佐賀大・総合分析実験センター)

- P440 ミヤコグサの class 1 植物ヘモグロビン遺伝子変異系統の特徴
角友博¹, 九町健一², 阿部美紀子², 東四郎², 内海俊樹² (鹿児島大院・理工, ²鹿児島大・理)
- P441 イオンビーム照射変異体を用いたミヤコグサ新規 Fix- 変異体の単離
柴田哲¹, 山谷紘子¹, 長谷純宏², 田中淳², 川口正代司³, 林誠¹, 河内宏¹, 梅原洋佐¹ (農業生物資源研, ²日本原子力研
究開発機構, ³東京大・院理・生物科学)
- P442 タルウマゴヤシの NCR ペプチドの機能解明
石原寛信¹, Grigor Zehirov², Peter Mergaert³, Willem Van de Velde³, Benoit Alunni³, 九町健一⁴, 阿部美紀子⁴, 東四郎⁴
他 (鹿児島大院・理工, ²Institute of Plant Physiology-BAS, ³Institut des Sciences du Vegetal-CNRS, ⁴鹿児島大・理)
- P443 *Bradyrhizobium* 属細菌の窒素固定エンドファイトとしての機能評価
大脇良成¹, 寺門純子^{1,2}, 藤原伸介¹ (中央農研, ²学振 PD)
- P444 ダイズの菌根共生に関与する無機養分トランスポーターの解析
田村洋佑¹, 小八重善裕², 馬場真里², 畑信吾^{1,2} (名大・農, ²名大院・生命農)
- P445 イネ科作物の菌根共生に関与する無機養分トランスポーターの解析
中川大介¹, 小八重善裕², 馬場真里², 畑信吾^{1,2}, 芦荻基行^{1,2}, 松岡信^{1,2} (名古屋大学・農, ²名大院)
- P446 オゾン暴露によるイネ品種の可視障害発現と収量との関連性
澤田寛子, 河野吉久 (電中研・環境科学)
- P447 セイタカアワダチソウの他感作用：農業への応用を目指した成長阻害物質の放出経路、環境中での挙動、作用対象植物の検討
小西真梨子¹, 酒井敦² (奈良女子大・人間文化, ²奈良女子大・理)
- P448 シロイヌナズナの遠赤色光誘導遺伝子 *FPL* のエチレン応答
奈良久美¹, 大西沙季² (奈良女子大・理, ²奈良女子大・院・人間文化)
- P449 環境ストレスにより誘導されるシロイヌナズナ由来シス型プレニル鎖延長酵素 AtCPT5 の機能解析
解良康太¹, 高橋恒司¹, 須藤剛², 古山種俊², 中山亨¹ (東北大院・工, ²東北大・多元研)

包括的解析・基盤技術

- P450 MITE s のイネ染色体上における分布
楠真吾, 野村港二 (筑波大学・生命環境)
- P451 イネ科の多様な SINE の構造と挿入部位
土本卓, 平尾嘉利, 大坪榮一, 大坪久子 (東大・分生研)
- P452 緑藻クラミドモナスの完全長 cDNA 配列解析とゲノム構造解析
久保雄昭¹, 大和勝幸¹, 山野隆志¹, 鈴木穰², 菅野純夫², 藤山秋佐夫³, 小原雄治³, 伊藤武彦⁴他 (京大・院・生命科学,
²東大・院・新領域, ³国立遺伝研, ⁴三菱総研)
- P453 アジサイのガク片における EST 解析
高橋英之¹, 川田洋之¹, 鈴木徹², 吉田久美¹ (名古屋大院・情報科学, ²岐阜大・連合農)
- P454 アカシア・マンギウムにおける分化中木部およびシュートの EST 解析
鈴木史朗¹, 須田邦裕³, 櫻井望³, 鶴巻勇太², 服部武文², 鈴木幸幸³, 柴田大輔³, 梅澤俊明^{1,2} (京都大・生存基盤ユ,
²京都大・生存研, ³かずさ DNA 研)
- P455 オイル生産藻類 *Botryococcus braunii* の EST 解析
中嶋信美¹, 河地正伸¹, 田野井孝子¹, 渡邊信² (国立環境研, ²筑波大・生命環境)
- P456 イネ FOX シロイヌナズナ変異体データベースの開発、およびクラスタリング機能の実装
黒谷篤之 (理化学研究所・PSC)
- P457 Cassava cDNA データベースの構築
吉田拓広¹, 秋山顕治¹, 篠崎一雄¹, 石谷学², 櫻井哲也¹ (理研・PSC, ²CIAT)
- P458 MiBASE および KafTom: トマトの EST, Unigene および完全長 cDNA のデータベース
鈴木絢子¹, 小川由紀子¹, 青木考², 柴田大輔², 矢野健太郎¹ (明治大・農, ²かずさ DNA 研)
- P459 KEGG PLANT: 植物代謝に関する KEGG の新規リソース
時松敏明¹, 寺島(岡部)悦子², 木下広美¹, 金久實^{1,2} (京大・化研, ²東大・医科研)
- P460 春化したオオムギ茎頂の遺伝子発現プロファイリング
木藤新一郎, 鈴木美香 (岩手大・寒冷バイオ)
- P461 トウモロコシの種子根の通気組織形成過程で発現する遺伝子の同定
高橋宏和¹, Imene Rajhi¹, 塩野克宏¹, Tieming Ji², 渡邊亮介¹, 大津和弘^{2,3}, 菅野明⁴, Patrick S. Schnable²他 (東大・農
学生命, ²Iowa State Univ, ³(現)東大・理, ⁴東北大・生命科学)

- P462 ホルムアルデヒドに曝露したシロイヌナズナにおける遺伝子発現のマイクロアレイによる解析
久保森¹, 中桐紘治², 榎原均³, 泉井桂¹ (¹近畿大・生物理工, ²近畿大・電子システム, ³理研・PSC)
- P463 ベルオキシソーム膜タンパク質のプロテオーム解析
新井祐子, 林誠, 西村幹夫 (基生研・高次細胞機構)
- P464 ショットガン解析による複合体タンパク質のハイスループット解析法
深尾陽一朗¹, 田村謙太郎², 西村いくこ² (¹奈良先端大・バイオ・植物ユニット, ²京大院・理・植物)
- P465 プロテオミクスとバイオインフォマティクスを用いた新規糖応答型核内情報伝達因子の検索
秋利彦^{1,2}, 柳澤修一^{1,2} (¹東京大学大学院・農学生命科学研究科・応用生命化学, ²JST, CREST)
- P466 キャピラリー電気泳動-四重極-飛行時間型質量分析装置 (CE-ESI-QTOF) を用いたシロイヌナズナ葉中メタボローム解析
姉川彩^{1,2}, 大西美輪^{1,2}, 七條千津子^{1,2}, 深城英弘¹, 三村徹郎^{1,2} (¹神戸大院・理, ²(独)科学技術振興機構, CREST)
- P467 多次元 NMR 法を用いた植物ホルモンによる代謝物動態情報の抽出
岡本真美¹, 平山隆志^{1,4}, 菊地淳^{1,2,3} (¹横浜市大院総科, ²理研 PSC, ³名大院生命農, ⁴理研 中野生体膜研)
- P468 van Krevelen diagram を用いた新規メタボローム解析ツールの開発
甲斐光輔^{1,2}, 北野真也², 安田周平², 高橋弘喜³, 庄條昌之³, 櫻井望⁴, 鈴木秀幸⁴, 柴田大輔⁴他 (¹バイオ組合, ²阪府大院・生命環境, ³奈良先端大・情報科学, ⁴かずさDNA研)
- P469 メタボローム解析を用いたアンモニア毒性に対する硝酸の影響の解析
蜂谷卓士¹, 渡邊千尋², 高原健太郎³, 川合真紀⁴, 内宮博文^{3,5}, 寺島一郎¹, 野口航¹ (¹東大・院・理, ²阪大・理, ³東大・分生研, ⁴埼玉大・理工, ⁵岩手生物工学研究所)
- P470 デジタル画像処理技術を活用したイネ初期生育期のハイスループット表現型解析
七夕高也, 廣瀬文昭, 高野誠 (農業生物資源研究所)
- P471 植物分子イメージングの試み (4): 複数種元素同時イメージングのためのコンプトンカメラの開発
河地有木¹, 鈴井伸郎¹, 石井里美¹, 伊藤小百合¹, 渡邊茂樹¹, 石岡典子¹, 高橋忠幸², 中野隆史³他 (¹原子力機構・ポジットロン, ²宇宙機構・宇宙研, ³群馬大学・医)
- P472 形質転換ネットワーク (TRANSNET) について
松井南¹, 江面浩², 石本政男³, 今村順³, 篠崎一雄¹ (¹理研・植物セ, ²筑波大・院, ³北農研, ⁴玉川大・農)
- P473 成長追跡プログラム "GrowthTracer" を用いたシロイヌナズナの根端伸長速度の解析
岩元明敏¹, 近藤衣里¹, 藤橋弘朋², 杉山宗隆³ (¹東京学芸大・教育・生命科学, ²Ginkgo Software, ³東大院・理・植物園)
- P474 導入遺伝子の転写終結が目的タンパク質の組換えトマトでの生産に及ぼす影響
平井正良, 福川剛, 金有王, 矢野めぐむ, 棚瀬京子, 福田直也, 江面浩 (筑波大・院・生命環境科学)
- P475 苔類ゼニゴケにおける分子遺伝学の基盤整備Ⅲ < EST情報の蓄積と遺伝地図の作製 >
友金寛和¹, 大和勝幸¹, 千代田将大¹, 石崎公庸¹, 鈴木穰², 菅野純夫², 新井理^{2,3}, 小原雄治³他 (¹京大院・生命, ²東大院・新領域, ³国立遺伝研)
- P476 苔類ゼニゴケにおける分子遺伝学の基盤整備Ⅳ < Gateway バイナリーベクターと T-DNA タグライン >
石崎公庸, 湯川嘉康, 増田晃秀, 大和勝幸, 河内孝之 (京大院・生命)
- P477 海産原始紅藻スサビノリ *Porphyra yezoensis* のプロトプラストへの蛍光タンパク質遺伝子導入法の開発
高橋潤, 宇治利樹, 嵯峨直恆, 三上浩司 (北大院・水産)
- P478 NBRP トマト: Micro-Tom 変異誘発系統を中心とした個体レベルのリソースの開発と利用
浅水恵理香¹, 斉藤岳士¹, 溝口剛¹, 福田直也¹, 松倉千昭¹, 青木考², 江面浩¹ (¹筑波大・院・生命環境, ²かずさDNA研・産業基盤)
- P479 効率的な遺伝子機能解明のためのイネ転写因子 cDNA 過剰発現イネ系統作出系の開発
植田(間山)智子¹, 岡田恵子¹, 堀川明彦¹, 宮尾安藝雄¹, 永田俊文¹, 菊池尚志¹, 光田展隆², 瀧口裕子²他 (¹農業生物資源研, ²産総研, ³東大院, ⁴中央農研, ⁵理研)
- P480 トランスクリプトーム解析によるシロイヌナズナ培養細胞の分類
小林俊弘, 安部洋, 小林正智 (理研・BRC)
- P481 理研 BRC から提供する新規植物リソースについて
小林正智, 安部洋, 井内聖, 小林俊弘 (理研 BRC)
- P482 植物科学を社会へ伝える～サイエンスカフェを利用した社会との対話～
松田健太郎 (京大院・生命科学)